

# **Guide d'application pour**

# **FastFinder Standalone**

09/2024 FR



# **Guide d'application pour FastFinder Standalone**

## Table des matières

<b>1.</b>	<b>À propos de ce guide d'application .....</b>	<b>5</b>
<b>2.</b>	<b>Connexion.....</b>	<b>5</b>
<b>3.</b>	<b>Description de l'interface utilisateur .....</b>	<b>6</b>
3.1	Analyses .....	6
3.1.1	Aperçu de l'analyse .....	7
3.1.2	Création d'une nouvelle analyse .....	8
3.1.3	Examen et autorisation des analyses.....	9
3.1.4	Génération de rapports PDF et téléchargement des résultats .....	12
3.2	Essais .....	13
3.3	Assistance .....	13
3.4	Paramètres .....	13
3.5	Utilisateur.....	13
<b>4.</b>	<b>Cas d'utilisation .....</b>	<b>14</b>
4.1	Erreurs dans une analyse.....	14
4.2	Courbe d'étalonnage non valide.....	16
4.2.1	Utilisation qualitative des essais fournis avec des Standards de quantification .....	16
4.2.2	Courbe d'étalonnage non valide dans un run de PCR quantitatif .....	18
4.3	Contrôles non valides .....	19
<b>5.</b>	<b>Exportation du SIL .....</b>	<b>21</b>
<b>6.</b>	<b>Assistance technique .....</b>	<b>21</b>
<b>7.</b>	<b>Historique de révision .....</b>	<b>22</b>
<b>8.</b>	<b>Symboles .....</b>	<b>22</b>

### 1. À propos de ce guide d'application

Ce guide d'application du logiciel FastFinder Standalone (UgenTec NV, Hasselt, Belgique) décrit comment appliquer les plugins d'essai avec FastFinder Standalone dans l'AltoStar® Workflow (flux de travail).

Pour obtenir des informations générales sur l'usage prévu, l'utilisateur prévu, l'environnement d'exploitation, l'accès à FastFinder Standalone et l'installation, les caractéristiques du produit et les caractéristiques de performance, veuillez vous référer au mode d'emploi de FastFinder Standalone.

Pour obtenir des informations spécifiques sur les produits (RT-)PCR d'Altona Diagnostics, y compris les données de performance, veuillez vous référer aux modes d'emploi correspondants.

### 2. Connexion

1. Accédez à FastFinder Standalone via un navigateur web sur l'AltoStar® Automated Analysis PC sur le site <http://fastfinder/>.
2. Sélectionnez votre nom d'utilisateur.

#### REMARQUE



Seul l'utilisateur FAS (spécialiste d'applications sur le terrain) est configuré par défaut. Les autres utilisateurs doivent être créés par un administrateur.

3. Saisissez votre mot de passe.

L'écran d'accueil s'affiche. Toutes les analyses en cours et autorisées sont accessibles.

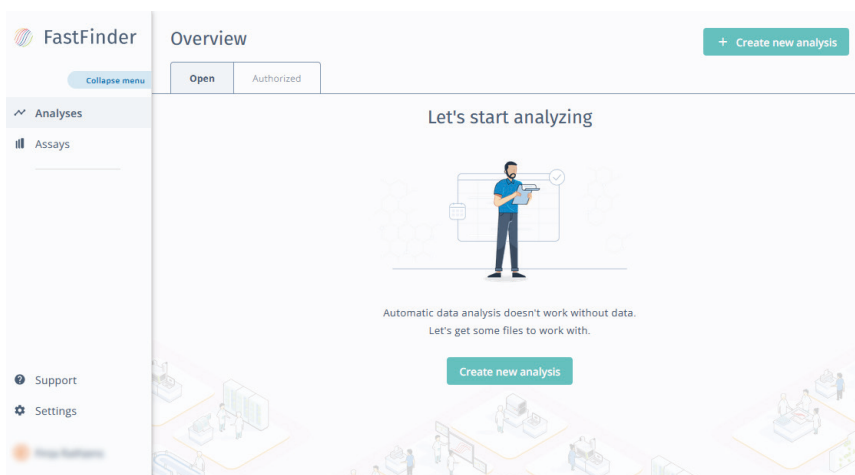
Pour plus d'informations sur l'accès et l'installation, veuillez vous reporter au mode d'emploi de FastFinder Standalone.

### 3. Description de l'interface utilisateur

Les chapitres suivants décrivent les différents éléments du menu de l'interface utilisateur de FastFinder Standalone.

#### 3.1 Analyses

Le menu **Analyses** (Analyses) permet d'accéder à toutes les analyses ouvertes et autorisées. Toutes les analyses peuvent être consultées par tous les utilisateurs.



**Figure 1:** Écran d'accueil de FastFinder Standalone

Lorsque vous cliquez sur une analyse spécifique, les onglets **PCR setup** (Configuration PCR), **Summary** (Résumé) et **Details** (Informations) s'affichent (voir la figure 2). L'onglet **Summary** (Résumé) s'ouvre par défaut.

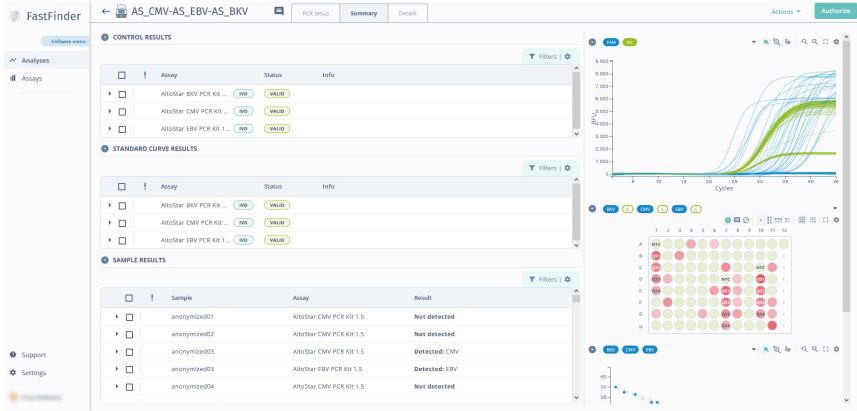


Figure 2: Onglet Summary (Résumé) d'une analyse

## 3.1.1 Aperçu de l'analyse

### PCR setup (Configuration PCR)

L'onglet **PCR setup** (Configuration PCR) affiche la configuration de la plaque et les essais attribués. La configuration de la plaque est générée automatiquement. Aucune interaction avec l'utilisateur n'est nécessaire.

### Summary (Résumé)

L'onglet **Summary** (Résumé) affiche un aperçu de tous les résultats (résultats du contrôle, résultats de la courbe d'étalonnage et résultats de l'échantillon). De plus, les signaux PCR de tous les puits, une représentation graphique de la PCR plate (plaque PCR) et, le cas échéant, la courbe d'étalonnage sont affichés.

### Details (Informations)

L'onglet **Details** (Informations) permet d'accéder aux spécifications (par ex., la coloration, la valeur  $C_q$ , la concentration ou le puits) pour chacun des échantillons. De plus, les signaux PCR de tous les puits, une représentation graphique de la PCR plate (plaque PCR) et, le cas échéant, la courbe d'étalonnage sont affichés.

### 3.1.2 Création d'une nouvelle analyse

1. Cliquez sur le bouton **Create new analysis** (Créer une nouvelle analyse) dans le coin supérieur droit du menu **Analyses** (Analyses).
2. Recherchez le fichier PCR run à analyser et cliquez sur le bouton **Open** (Ouvrir) pour le sélectionner. Seuls les fichiers .pcrd générés avec le système CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad) sont pris en charge.

#### REMARQUE



Il est vivement conseillé d'analyser un fichier de données PCR (.pcrd) à la fois plutôt que d'analyser des lots de PCR runs.

Le fichier est téléchargé et analysé automatiquement sans autre interaction de l'utilisateur. Une fois l'analyse terminée, l'état **Ready for review** (Prêt pour examen) s'affiche (voir la figure 3).

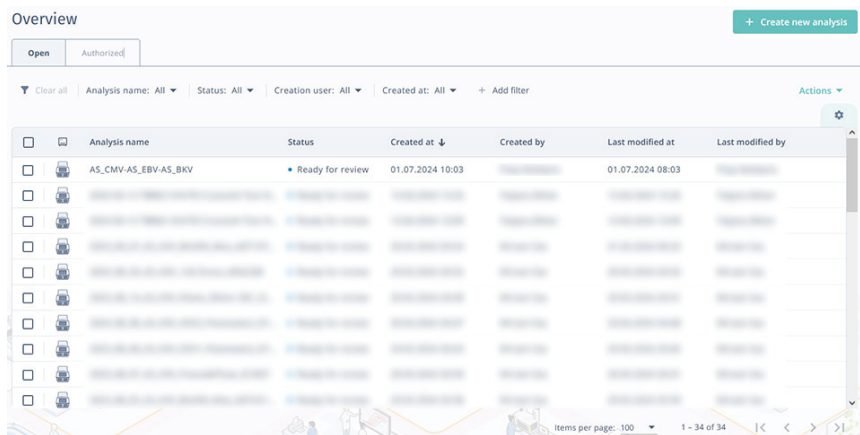


Figure 3: Écran d'accueil : État d'une analyse

Différents états peuvent être affichés et sont présentés dans le tableau 1.

**Tableau 1:** Différents états d'une analyse

État	Description
New (Nouveau)	Un nouveau fichier PCR run est téléchargé.
Analyzing (Analyse en cours)	Le fichier PCR run est en cours d'analyse.
Ready for review (Prêt pour examen)	Le fichier PCR run a été téléchargé et analysé. L'utilisateur peut examiner les résultats.
Analysis failed (Échec de l'analyse)	L'analyse a échoué. Contactez l'assistance technique d'altona Diagnostics pour obtenir de l'aide (voir le chapitre 6. Assistance technique).
File is not supported (Le fichier n'est pas pris en charge)	Un type de fichier non pris en charge a été utilisé ou la configuration PCR n'a pas été effectuée à l'aide de l'AltoStar® Automation System AM16 (système d'automatisation). Répétez la configuration PCR à l'aide de l'AltoStar® Workflow (flux de travail) ou analysez les résultats manuellement à l'aide du logiciel CFX Manager™ Dx. Pour obtenir plus d'informations, veuillez vous référer au mode d'emploi du produit (RT-)PCR altona Diagnostics correspondant.
Manual PCR setup required (Configuration PCR manuelle requise)	Aucun essai n'a été détecté dans le fichier PCR run pour lequel un plugin d'essai est disponible. Analysez les résultats manuellement à l'aide du logiciel CFX Manager™ Dx. Pour obtenir des informations détaillées, veuillez vous référer au mode d'emploi du produit (RT-)PCR altona Diagnostics correspondant.

### 3.1.3 Examen et autorisation des analyses

1. Dans le menu **Analyses** (Analyses), cliquez sur le fichier PCR run analysé pour lancer le processus d'examen.

### REMARQUE










Si un PCR run comprend un essai pour lequel aucun plugin n'est disponible, cet essai ne sera pas affiché dans l'analyse. Pour savoir si un plugin d'essai est disponible ou non, veuillez vous référer au mode d'emploi du produit (RT-)PCR altona Diagnostics correspondant.

L'onglet **Summary** (Résumé) s'affiche par défaut.



Une représentation graphique de la PCR plate (plaque PCR) est affichée à droite de la fenêtre. Les puits sont marqués par des couleurs et des symboles différents, expliqués dans le tableau 2.

**Tableau 2:** Explication des couleurs et des symboles sur la représentation graphique de la PCR plate (plaque PCR)

Symbole	Explication
	Résultat négatif, la cible n'a pas été détectée.
	Résultat positif, la cible a été détectée. L'intensité de la coloration correspond à la valeur $C_q$ .
	Résultat non concluant, l'utilisateur a marqué le résultat comme non concluant.
	Erreur
	Avertissement
	Un nouveau test doit être réalisé.
	Puits non utilisé.

2. Vérifiez les résultats de tous les contrôles et échantillons analysés. Vérifiez en particulier les avertissements et les erreurs indiqués par les symboles respectifs figurant dans le tableau 3.

**Tableau 3:** Symboles nécessitant l'attention de l'utilisateur

Symbole	Explication
	Erreur
	Avertissement

Des informations détaillées sur l'erreur/l'avertissement s'affichent lorsque vous survolez avec votre souris [par exemple, « Error: Uncertain result » (Erreur : résultat incertain)].

3. Veuillez résoudre les éventuels messages d'erreur pour les échantillons individuels. Les runs comportant des erreurs ne peuvent pas être autorisés. Toutes les erreurs doivent être résolues par l'utilisateur avant qu'un run puisse être autorisé et que l'utilisateur puisse continuer dans FastFinder Standalone. Les runs comportant un avertissement peuvent tout de même être autorisés. Pour obtenir des informations détaillées sur la résolution des erreurs, voir le chapitre 4. Cas d'utilisation.
4. Autorisation de l'analyse.

Après avoir cliqué sur le bouton **Authorize** (Autoriser), l'analyse est automatiquement exportée vers un répertoire prédéfini (SIL) si celui-ci a été défini lors de l'installation.

### REMARQUE



Le fichier d'exportation n'est accessible qu'après autorisation.

### 3.1.4 Génération de rapports PDF et téléchargement des résultats

En général, les résultats sont automatiquement enregistrés dans un répertoire prédéfini après autorisation de l'exécution. S'il n'est pas défini, il est possible de télécharger manuellement les résultats ou de générer des rapports PDF en accédant au menu **Analyses** (Analyses). Après avoir sélectionné l'onglet **Authorized** (Autorisé) toutes les analyses autorisées sont répertoriées. Les résultats ne peuvent être téléchargés qu'à partir d'analyses autorisées.

1. Cliquez sur les analyses respectives pour lesquelles un rapport PDF doit être généré ou pour lesquelles les résultats doivent être téléchargés manuellement.
2. Cliquez sur le bouton **Actions** (Actions) dans le coin supérieur droit et sélectionnez **Generate PDF Export** (Générer une exportation PDF).

Un fichier PDF sera généré au cas où il serait nécessaire.

3. Cliquez sur le bouton **Actions** (Actions) et survolez **Downloads** (Téléchargements). Tous les fichiers pouvant être téléchargés sont affichés.
4. Choisissez le fichier que vous souhaitez télécharger.

Les types de fichiers suivants peuvent être téléchargés :

- PDF de l'analyse (uniquement s'il a été généré précédemment)
- CSV de l'analyse (format de données non compatible avec la description de l'interface SIL fournie par altona Diagnostics)
- Exportation de tous les fichiers CSV : l'exportation de tous les fichiers CSV contient différents fichiers CSV : le fichier CSV contenu dans l'archive commençant par le nom de l'analyse est compatible avec la description de l'interface SIL fournie par altona Diagnostics. Un fichier distinct est créé pour chaque groupe de puits (essai). Le fichier CSV contenant les résultats est nommé « run name - Quantification Cq Results\_0 ». Il est recommandé d'utiliser ce fichier CSV pour l'exportation vers le SIL. Des informations supplémentaires sur le PCR run et les appareils utilisés sont stockées dans le fichier CSV se terminant par « Run information ».

Pour obtenir plus d'informations sur les différents types de fichiers et sur l'intégration du SIL, contactez l'assistance technique d'altona Diagnostics (voir le chapitre 6. Assistance technique).

### 3.2 Essais

Dans le menu **Assays** (Essais), tous les plug-ins d'essai disponibles pour lesquels l'analyse des données et l'interprétation automatisée des résultats sont possibles sont affichés. Seul l'utilisateur FAS est en mesure de modifier des essais non actifs en essais actifs et vice versa.

### 3.3 Assistance

Le menu **Support** (Assistance) information sur la version FastFinder Standalone, permet de trouver la documentation de l'utilisateur et les adresses d'assistance.

### 3.4 Paramètres

Le menu **Settings** (Paramètres) permet d'effectuer différents réglages :

- **Analysis** (Analyse) : il est possible de définir les motifs de retest qui seront exportés dans les résultats de l'analyse.
- **Team** (Équipe) (administrateurs uniquement) : les utilisateurs peuvent être gérés ici et des rôles (Autorisateur/Admin) peuvent leur être attribués.
- **Export** (Exportation) (FAS uniquement) : les options d'exportation peuvent être gérées ici.

### 3.5 Utilisateur

Cliquez sur votre nom d'utilisateur pour vous déconnecter.

## 4. Cas d'utilisation

Les chapitres suivants décrivent différents scénarios dans lesquels des erreurs et des avertissements peuvent survenir et comment ils peuvent être résolus.

### 4.1 Erreurs dans une analyse

Les erreurs sont indiquées par un chiffre encadré en rouge. Les erreurs peuvent être résolues dans l'onglet **Summary** (Résumé) (voir la figure 4) et dans l'onglet **Details** (Informations) (voir la figure 5). Des informations détaillées sur l'erreur s'affichent au survol de la souris.

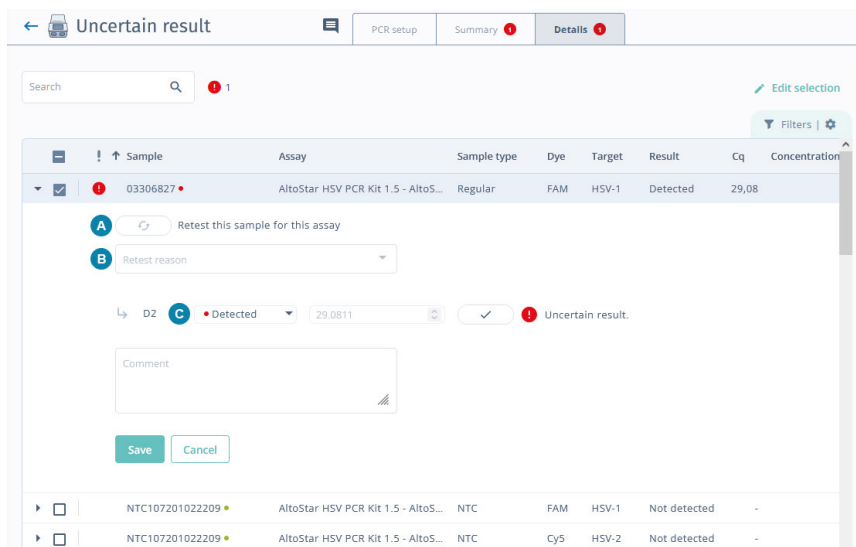
The screenshot shows the 'Summary' tab of the software interface. At the top, there are tabs for 'PCR setup', 'Summary' (with a red error indicator), and 'Details' (with a red error indicator). Below the tabs, there are three sections: 'CONTROL RESULTS', 'STANDARD CURVE RESULTS', and 'SAMPLE RESULTS'. The 'SAMPLE RESULTS' section has a red '1' next to it, indicating one error. The table below shows the results for three samples:

Sample	Assay	Result
03306827	AltoStar HSV PCR Kit 1.5	Detected: HSV-1
03313539	AltoStar HSV PCR Kit 1.5	Detected: HSV-2
03321057	AltoStar HSV PCR Kit 1.5	Not detected

**Figure 4:** Onglet Summary (Résumé) : erreurs dans une analyse

La procédure de résolution d'une erreur est décrite ci-dessous. Dans l'exemple choisi, l'erreur est un résultat incertain.

1. Dans l'onglet **Details** (Informations), cliquez sur le point d'exclamation dans l'en-tête du tableau pour trier les échantillons par messages d'erreur. Vous pouvez également utiliser des filtres pour n'afficher que les échantillons comportant des erreurs.
2. Cliquez sur la flèche à gauche de l'échantillon marqué d'une erreur pour obtenir des informations plus détaillées.



**Figure 5:** Détails sur l'échantillon comportant une erreur

3. Veuillez résoudre l'erreur en fonction du message d'erreur. Différentes options sont possibles pour résoudre une erreur :
  - Confirmez le résultat en cliquant sur la coche à côté du résultat et cliquez sur le bouton **Save** (Enregistrer). Aucun commentaire n'est nécessaire pour confirmer les résultats. Un avertissement s'affiche, mais le résultat pour cet échantillon est inclus dans l'exportation SIL.
  - Changer l'état du résultat vers l'état opposé [Detected (Déteé) ou Not detected (Non déteé)] (C). Un commentaire est nécessaire pour enregistrer les modifications. Le résultat de cet échantillon est inclus dans l'exportation SIL.
  - Modifier l'état du résultat en le faisant passer à **Inconclusive** (Non concluant) (C). Il est nécessaire de fournir un commentaire avant d'enregistrer les modifications. Le résultat de cet échantillon est exclu de l'exportation SIL. Recommencez l'extraction et testez à nouveau l'échantillon.

- Marquez l'échantillon pour indiquer qu'il s'agit d'un retest (A). Sélectionnez un motif de retest (B) et cliquez sur le bouton **Save** (Enregistrer). Les raisons du retest sont définies lors de l'installation de FastFinder Standalone. Aucun commentaire n'est nécessaire pour enregistrer les modifications. Le résultat de cet échantillon est exclu de l'exportation SIL. Recommencez l'extraction et tester à nouveau l'échantillon.
4. Après la résolution d'une erreur, le symbole de la piste de vérification apparaît sur la ligne de l'échantillon. Les informations sur les modifications s'affichent au survol de la souris. De plus, les commentaires et les raisons pour lesquelles le test a été refait sont affichés.

### REMARQUE



Les informations de la piste de vérification ne sont pas incluses dans l'exportation du SIL.

5. Résolvez toutes les erreurs dans l'analyse.
6. Autorisation de l'analyse.

## 4.2 Courbe d'étalonnage non valide

### 4.2.1 Utilisation qualitative des essais fournis avec des Standards de quantification

Certains essais fournis avec des Standards de quantification peuvent être utilisés pour des analyses quantitatives et qualitatives. Pour obtenir des informations détaillées, veuillez vous référer au mode d'emploi du produit (RT-)PCR altona Diagnostics correspondant.

Lors de l'utilisation d'un test avec des Standards de quantification pour la détection qualitative, FastFinder Standalone marque les résultats de la courbe d'étalonnage comme non valides (voir la figure 6).

Qualitative use of quantita... | PCR setup | **Summary** | Details

**CONTROL RESULTS**

Assay	Status	Info
AltoStar Adenovirus P...	IVD <b>VALID</b>	

**STANDARD CURVE RESULTS**

Assay	Status	Info
AltoStar Adenovirus P...	IVD <b>INVALID</b>	Missing: Q51, Q52, Q53

**SAMPLE RESULTS**

Sample	Assay	Result
anonymized01	AltoStar Adenovirus PCR Kit 1.5	<b>Detected:</b> Adenovirus
anonymized02	AltoStar Adenovirus PCR Kit 1.5	<b>Not detected</b>
anonymized03	AltoStar Adenovirus PCR Kit 1.5	<b>Detected:</b> Adenovirus

**Figure 6:** Onglet Summary (Résumé) : utilisation qualitative d'un essai fourni avec des Standards de quantification

Si l'essai fourni avec les Standards de quantification peut être utilisé pour une analyse quantitative et qualitative, aucun avertissement ne s'affiche. S'il existe des erreurs, résolvez-les comme décrit au chapitre 4.1 Erreurs dans une analyse.

Après avoir résolu toutes les erreurs, autorisez l'analyse. Les résultats de tous les échantillons assignés à l'analyse qualitative sont exportés vers le SIL.

## 4.2.2 Courbe d'étalonnage non valide dans un run de PCR quantitatif

Pour une analyse quantitative, les 4 Standards de quantification (QS) sont nécessaires. Si moins de 4 QS sont utilisés, FastFinder Standalone marque la courbe d'étalonnage comme non valide. Dans l'onglet **Summary** (Résumé) tous les échantillons quantitativement assignés sont marqués d'un avertissement (voir la figure 7).

The screenshot displays the 'Invalid standard curve' summary page. It features three main sections:

- CONTROL RESULTS:** A table with columns 'Assay', 'Status', and 'Info'. One row is shown for 'AltoStar EBV PCR Kit 1...' with a status of 'VALID'.
- STANDARD CURVE RESULTS:** A table with columns 'Assay', 'Status', and 'Info'. One row is shown for 'AltoStar EBV PCR Kit 1...' with a status of 'INVALID' and 'Info: Missing: Q52, Q53'.
- SAMPLE RESULTS:** A table with columns 'Sample', 'Assay', and 'Result'. Three rows are shown for 'anonymized01', 'anonymized03', and 'anonymized08', all with a status of 'Invalid: EBV'.

**Figure 7:** Onglet Summary (Résumé) : QS manquant dans les résultats de la courbe d'étalonnage

Étant donné qu'il s'agit d'une mauvaise utilisation des essais quantitatifs, il n'est pas possible d'analyser les résultats. Répéter la configuration et PCR run avec 4 QS. Pour obtenir des informations détaillées, veuillez vous référer au mode d'emploi du produit (RT-)PCR altona Diagnostics correspondant.

Les avertissements ne peuvent pas être résolus, mais l'analyse peut être autorisée. Les résultats de tous les échantillons affectés à l'analyse quantitative sont exclus de l'exportation vers le SIL.

### 4.3 Contrôles non valides

Le No Template Controle (contrôle négatif, NTC) et le Positive Control (contrôle positif, PC) peuvent tous deux être marqués comme non valides.

Si un signal de contrôle non valide a été détecté, le contrôle et tous les échantillons qui ont été testés avec les essais respectifs sont marqués d'un avertissement dans l'onglet **Summary** (Résumé) (voir la figure 8). Dans l'onglet **Details** (Informations), une erreur s'affiche. La manière de traiter ce problème est illustrée dans le cas d'une analyse incluant un PC non valide.

The screenshot displays the 'Invalid PC' summary report. At the top, the navigation bar includes 'PCR setup', 'Summary' (selected), and 'Details'. Below the navigation bar, the 'CONTROL RESULTS' section shows 1 warning (yellow triangle) for the assay 'AltoStar SARS-CoV-2 R...'. The status is 'INVALID' (red box). The 'SAMPLE RESULTS' section shows 54 warnings (yellow triangles) for four samples: 'anonymized01', 'anonymized02', 'anonymized03', and 'anonymized04'. All samples have the status 'Invalid: E gene, S gene'.

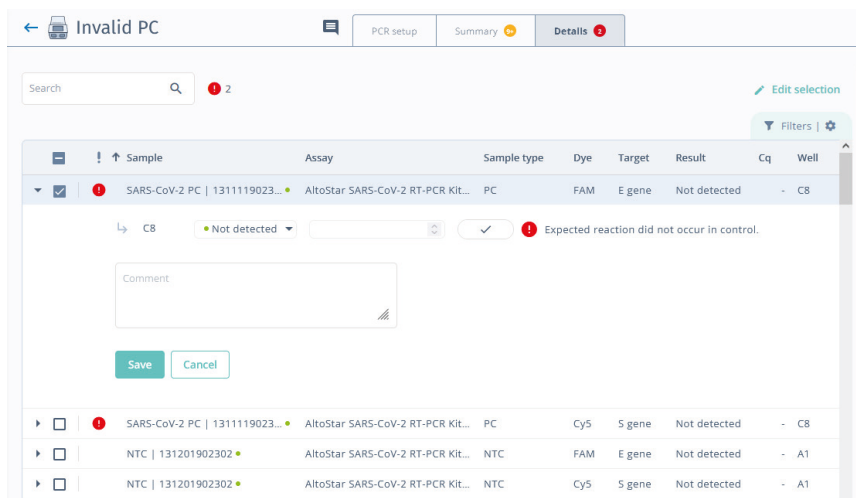
Assay	Status	Info
AltoStar SARS-CoV-2 R...	INVALID	Invalid: SARS-CoV-2 PC   131111902302 (PC)

Sample	Assay	Result
anonymized01	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene
anonymized02	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene
anonymized03	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene
anonymized04	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene

Figure 8: Onglet Summary (Résumé) : PC non valide

Dans l'onglet **Details** (Informations) l'erreur est affichée pour le puits du PC. Le logiciel affiche des informations sur la raison de l'erreur (voir la figure 9).



**Figure 9:** Détails de l'erreur pour le puits du PC.

1. Vérifiez les résultats et la courbe PCR pour le PC.
2. Confirmez les résultats ou modifiez le statut. Les résultats de tous les échantillons testés avec l'essai concerné sont exclus de l'exportation vers le SIL. Répétez le PCR run.
3. Autorisez l'analyse.

### REMARQUE



Pour obtenir des informations générales sur la manière de traiter les résultats incorrects des contrôles, veuillez vous référer au mode d'emploi du produit (RT-)PCR altona Diagnostics correspondant.

## 5. Exportation du SIL

Pour obtenir des informations détaillées sur les conséquences des erreurs et des avertissements sur l'exportation du SIL, voir le tableau 4.

**Tableau 4:** Conséquences pour l'exportation du SIL

Scénario	Erreur/ avertissement	Conséquence pour l'exportation du SIL
NTC non valide ou PC non valide	Contamination éventuelle	Tous les échantillons testés avec l'essai correspondant sont exclus de l'exportation vers le SIL.
	IC non détecté	
	La réaction attendue ne s'est pas produite dans le contrôle.	
Courbe d'étalonnage non valide	QS manquant	Tous les échantillons assignés quantitativement sont exclus de l'exportation SIL alors que tous les résultats qualitatifs sont toujours exportés.
	QS non valide	
	Valeur R <sup>2</sup>	
Échantillon marqué comme non concluant *	N/A	Le puits complet sera exclu de l'exportation vers le SIL.
Échantillon marqué pour retest *	N/A	
Échantillon non valide	IC non valide	

\* Ce scénario est attribué par l'utilisateur.

## 6. Assistance technique

Pour bénéficier d'un service après-vente, contactez l'assistance technique d'Altona Diagnostics aux coordonnées suivantes :

**e-mail :** [support@altona-diagnostics.com](mailto:support@altona-diagnostics.com)

**téléphone :** +49-(0)40-5480676-0

## 7. Historique de révision

**Tableau 5:** Historique de révision

Date de publication [mois/année]	Modifications
09/2024	Première publication

## 8. Symboles

Symbole	Explication
	Erreur
	Avertissement
	Avertissement pour un puits
	Information
	Piste de vérification
	Un nouveau test doit être réalisé.
	Puits non utilisé
	Résultat valide ou résultat de la courbe d'étalonnage
	Contrôle non valide ou résultat de la courbe d'étalonnage non valide
	L'essai est un produit de DIV.



altona Diagnostics GmbH  
Mörkenstr. 12  
22767 Hamburg, Germany

phone +49 40 548 0676 0  
fax +49 40 548 0676 10  
e-mail [info@altona-diagnostics.com](mailto:info@altona-diagnostics.com)

**[www.altona-diagnostics.com](http://www.altona-diagnostics.com)**