

Anwendungsleitfaden für

FastFinder Standalone

09/2024 DE

Anwendungsleitfaden für FastFinder Standalone

Inhaltsverzeichnis

1.	Zu diesem Anwendungsleitfaden	5
2.	Anmeldung	5
3.	Beschreibung der Benutzeroberfläche	6
3.1	Analysen	6
3.1.1	Analyseübersicht	7
3.1.2	Neue Analyse erstellen	8
3.1.3	Analysen überprüfen und autorisieren	9
3.1.4	PDF-Berichte erstellen und Ergebnisse herunterladen	12
3.2	Assays	13
3.3	Support	13
3.4	Einstellungen	13
3.5	Benutzer	13
4.	Anwendungsfälle	14
4.1	Fehler in einer Analyse	14
4.2	Ungültige Standardkurve	16
4.2.1	Qualitative Verwendung von Assays, die mit Quantifizierungsstandards bereitgestellt werden	16
4.2.2	Ungültige Standardkurve in einem quantitativen PCR-Lauf	18
4.3	Ungültige Kontrollen	19
5.	LIMS-Export	21
6.	Technischer Support	21
7.	Änderungshistorie	22
8.	Symbole	22

1. Zu diesem Anwendungsleitfaden

Dieser Anwendungsleitfaden für die FastFinder Standalone-Software (UgenTec NV, Hasselt, Belgien) beschreibt wie Assay Plugins mit FastFinder Standalone innerhalb des AltoStar® Workflows anzuwenden sind.

Allgemeine Informationen über den Verwendungszweck, den vorgesehenen Benutzer, die Betriebsumgebung, Zugriff und Installation für FastFinder Standalone, Produkteigenschaften und Leistungsmerkmale finden Sie in der Gebrauchsanweisung von FastFinder Standalone.

Spezifische Informationen zu den altona Diagnostics (RT-)PCR-Produkten, einschließlich der Leistungsdaten, finden Sie in der jeweiligen Gebrauchsanweisung.

2. Anmeldung

1. Der Zugriff auf FastFinder Standalone erfolgt über einen Webbrowser auf dem AltoStar® Automated Analysis PC auf <http://fastfinder/>.
2. Wählen Sie Ihren Benutzernamen.

HINWEIS



Nur der Benutzer FAS (field application specialist, Feldanwendungsspezialist) ist standardmäßig eingerichtet. Andere Benutzer müssen von einem Administrator erstellt werden.

3. Geben Sie Ihr Passwort ein.

Der Startbildschirm wird angezeigt. Sie haben Zugriff auf alle offenen und autorisierten Analysen.

Weitere Informationen zu Zugriff und Installation finden Sie in der Gebrauchsanweisung von FastFinder Standalone.

3. Beschreibung der Benutzeroberfläche

In den folgenden Kapiteln werden die verschiedenen Menüpunkte der FastFinder Standalone-Benutzeroberfläche beschrieben.

3.1 Analysen

In dem Menü **Analyses** (Analysen) haben Sie Zugriff auf alle offenen und autorisierten Analysen. Alle Analysen können von allen Benutzern eingesehen werden.

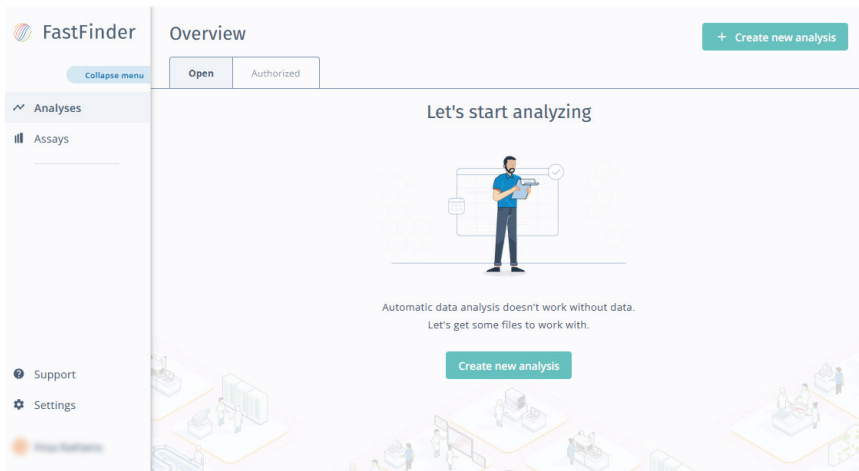


Abb. 1: Startbildschirm von FastFinder Standalone

Durch Klicken auf eine bestimmte Analyse werden die Registerkarten **PCR setup** (PCR-Setup), **Summary** (Zusammenfassung) und **Details** (Details) angezeigt (siehe Abbildung 2). Die Registerkarte **Summary** (Zusammenfassung) wird standardmäßig geöffnet.

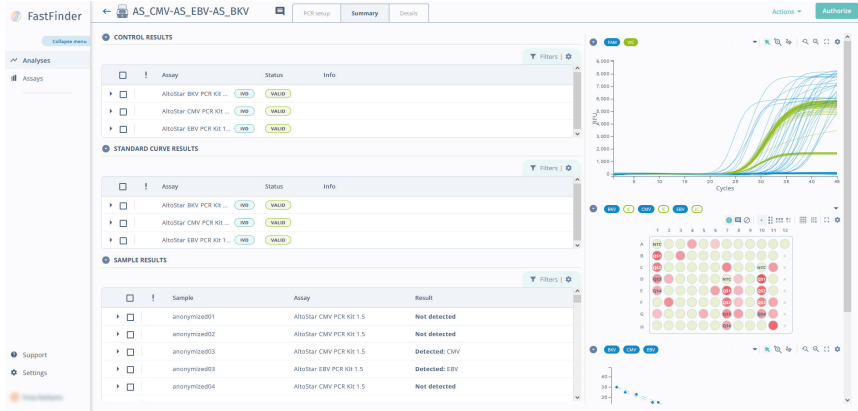


Abb. 2: Registerkarte Summary (Zusammenfassung) einer Analyse

3.1.1 Analyseübersicht

PCR setup (PCR-Setup)

In der Registerkarte **PCR setup** (PCR-Setup) werden die Plattenkonfiguration und die zugewiesenen Assays angezeigt. Die Plattenkonfiguration wird automatisch generiert. Es ist keine Benutzerinteraktion erforderlich.

Summary (Zusammenfassung)

In der Registerkarte **Summary** (Zusammenfassung) wird eine Übersicht über alle Ergebnisse angezeigt (Kontrollergenergebnisse, Standardkurvenenergebnisse und Probenergebnisse). Zusätzlich werden die PCR-Signale für alle Wells, eine grafische Darstellung der PCR-Platte und ggf. die Standardkurve angezeigt.

Details (Details)

In der Registerkarte **Details** (Details) können die Angaben (z. B. Farbstoff, C_q -Wert, Konzentration oder Well) zu jeder einzelnen Probe abgerufen werden. Zusätzlich werden die PCR-Signale für alle Wells, eine grafische Darstellung der PCR-Platte und ggf. die Standardkurve angezeigt.

Es können verschiedene Status angezeigt werden, die in Tabelle 1 aufgeführt sind.

Tabelle 1: Verschiedene Status einer Analyse

Status	Beschreibung
New (Neu)	Eine neue PCR-Lauf-Datei wird hochgeladen.
Analyzing (Analysieren)	Die PCR-Lauf-Datei wird analysiert.
Ready for review (Bereit zur Überprüfung)	Die PCR-Lauf-Datei wurde hochgeladen und analysiert. Der Benutzer kann die Ergebnisse überprüfen.
Analysis failed (Analyse fehlgeschlagen)	Die Analyse ist fehlgeschlagen. Kontaktieren Sie den technischen Support von altona Diagnostics (siehe Kapitel 6. Technischer Support).
File is not supported (Datei wird nicht unterstützt)	Es wurde ein nicht unterstützter Dateityp verwendet oder das PCR-Setup wurde nicht mit dem AltoStar® Automation System AM16 durchgeführt. Wiederholen Sie das PCR-Setup mit dem AltoStar® Workflow oder analysieren Sie die Ergebnisse manuell mit der CFX Manager™ Dx Software. Weitere Informationen finden Sie in der Gebrauchsanweisung des entsprechenden altona Diagnostics (RT-)PCR-Produkts.
Manual PCR setup required (Manueller PCR-Setup erforderlich)	In der PCR-Lauf-Datei wurde kein Assay erkannt, für den ein Assay Plugin verfügbar ist. Analysieren Sie die Ergebnisse manuell mit der CFX Manager™ Dx Software. Detaillierte Informationen finden Sie in der Gebrauchsanweisung des entsprechenden altona Diagnostics (RT-)PCR-Produkts.

3.1.3 Analysen überprüfen und autorisieren

1. Klicken Sie im Menü **Analyses** (Analysen) auf die analysierte PCR-Lauf-Datei, um den Überprüfungsprozess zu starten.

HINWEIS



Wenn ein PCR-Lauf einen Assay enthält, für den kein Assay Plugin verfügbar ist, wird dieser Assay in der Analyse nicht angezeigt. Informationen darüber, ob ein Assay Plugin verfügbar ist oder nicht, finden Sie in der Gebrauchsanweisung des jeweiligen altona Diagnostics (RT-)PCR-Produkts.

Die Registerkarte **Summary** (Zusammenfassung) wird standardmäßig angezeigt.



Eine grafische Darstellung der PCR-Platte wird auf der rechten Seite des Fensters angezeigt. Die Wells sind mit verschiedenen Farben und Symbolen markiert, die in der Tabelle 2 erläutert werden.

Tabelle 2: Erklärung der Farben und Symbole auf der grafischen Darstellung der PCR-Platte

Symbol	Erklärung
	Negatives Ergebnis, Zielsequenz wurde nicht erkannt.
	Positives Ergebnis, Zielsequenz wurde erkannt. Die Farbintensität entspricht dem C_q -Wert.
	Nicht eindeutiges Ergebnis, Benutzer hat das Ergebnis als „nicht eindeutig“ markiert.
	Fehler
	Warnung
	Erneuter Test erforderlich.
	Well nicht verwendet.

- Überprüfen Sie die Ergebnisse aller analysierten Kontrollen und Proben. Achten Sie besonders auf Warnungen und Fehler, angezeigt durch die entsprechenden Symbole in Tabelle 3.

Tabelle 3: Symbole, die die Aufmerksamkeit des Benutzers erfordern

Symbol	Erklärung
	Fehler
	Warnung

Detaillierte Informationen zu dem Fehler/der Warnung werden angezeigt, wenn Sie mit der Maus darüber fahren [(z. B. „Error: Uncertain result“ (Fehler: Unklares Ergebnis)].

- Beheben Sie alle Fehlermeldungen für einzelne Proben. Läufe mit Fehlern können nicht autorisiert werden. Alle Fehler müssen vom Benutzer behoben werden, bevor ein Lauf autorisiert werden kann und der Benutzer in FastFinder Standalone fortfahren kann. Läufe mit Warnungen können weiterhin autorisiert werden. Detaillierte Informationen zur Fehlerbehebung finden Sie in Kapitel 4. Anwendungsfälle.
- Autorisieren Sie die Analyse.

Nach dem Klicken auf die Schaltfläche **Authorize** (Autorisieren) wird die Analyse automatisch in ein vordefiniertes Verzeichnis (LIMS) exportiert, sofern dies während der Installation eingerichtet wurde.

HINWEIS



Auf die Exportdatei kann nur nach der Autorisierung zugegriffen werden.

3.1.4 PDF-Berichte erstellen und Ergebnisse herunterladen

Normalerweise werden Ergebnisse nach Autorisierung des Laufs automatisch in einem vordefinierten Verzeichnis gespeichert. Falls dies nicht definiert ist, können Ergebnisse manuell heruntergeladen oder PDF-Berichte durch Zugriff auf das Menü **Analyses** (Analysen) erstellt werden. Nach Auswahl der Registerkarte **Authorized** (Autorisiert) werden alle autorisierten Analysen aufgelistet. Ergebnisse können nur von autorisierten Analysen heruntergeladen werden.

1. Klicken Sie auf die jeweiligen Analysen, für die ein PDF-Bericht erstellt werden soll oder für die Ergebnisse manuell heruntergeladen werden sollen.
2. Klicken Sie auf die Schaltfläche **Actions** (Aktionen) in der oberen rechten Ecke und wählen Sie **Generate PDF Export** (PDF-Export erstellen) aus.

Bei Bedarf wird eine PDF-Datei erstellt.

3. Klicken Sie auf die Schaltfläche **Actions** (Aktionen) und fahren Sie mit der Maus über **Downloads** (Downloads). Alle Dateien, die heruntergeladen werden können, werden angezeigt.
4. Wählen Sie die gewünschte Datei zum Herunterladen aus.

Die folgenden Dateitypen stehen zum Download zur Verfügung:

- Analyse-PDF (nur wenn zuvor generiert)
- Analyse-CSV (Dateiformat nicht kompatibel mit der Beschreibung der von altona Diagnostics bereitgestellten LIMS-Benutzeroberfläche)
- Alle CSV-Exporte: Der Ordner „Alle CSV-Exporte“ enthält verschiedene CSV-Dateien: Die CSV-Datei, die im Archiv mit dem Namen des Laufs beginnt, ist kompatibel mit der Beschreibung der von altona Diagnostics bereitgestellten LIMS-Benutzeroberfläche. Für jede Well-Gruppe (Assay) wird eine separate Datei erstellt. Die CSV-Datei mit den Ergebnissen wird „run name - Quantification Cq Results_0“ genannt. Es wird empfohlen, diese CSV-Datei für den LIMS-Export zu verwenden. Zusätzliche Informationen zum PCR-Lauf und den verwendeten Geräten werden in der CSV-Datei mit der Endung „Run information“ gespeichert.

Weitere Informationen zu den verschiedenen Dateitypen und zur LIMS-Integration erhalten Sie beim technischen Support von altona Diagnostics (siehe Kapitel 6. Technischer Support).

3.2 Assays

Im Menü **Assays** (Assays) werden alle verfügbaren Assay Plugins angezeigt, für die eine Datenanalyse und automatische Ergebnisinterpretation möglich ist. Nur der Benutzer FAS kann nicht aktive Assays in aktive umwandeln und umgekehrt.

3.3 Support

Im Menü **Support** (Support) finden Sie Informationen zu der FastFinder Standalone-Version, der Benutzerdokumentation und der Support-Adresse.

3.4 Einstellungen

Im Menü **Settings** (Einstellungen) können verschiedene Anpassungen vorgenommen werden:

- **Analysis** (Analyse): Hier können Gründe für erneute Tests definiert werden, die in die Analyseergebnisse exportiert werden.
- **Team** (nur Administratoren): Hier können Benutzer verwaltet und ihnen Rollen (Autorisierer/Administrator) zugewiesen werden.
- **Export** (nur FAS): Hier können Exportoptionen verwaltet werden.

3.5 Benutzer

Klicken Sie auf Ihren Benutzernamen, um sich abzumelden.

4. Anwendungsfälle

In den folgenden Kapiteln werden verschiedene Szenarien beschrieben, in denen Fehler und Warnungen auftreten können und wie diese behoben werden können.

4.1 Fehler in einer Analyse

Fehler werden durch eine rot umrandete Zahl angezeigt. Fehler können in der Registerkarte **Summary** (Zusammenfassung) (siehe Abbildung 4) und in der Registerkarte **Details** (Details) (siehe Abbildung 5) behoben werden. Detaillierte Informationen zum Fehler werden angezeigt, wenn Sie mit der Maus darüber fahren.

The screenshot shows the 'Summary' tab of a software interface. At the top, there is a navigation bar with 'PCR setup', 'Summary' (selected), and 'Details'. Below this, there are three sections: 'CONTROL RESULTS', 'STANDARD CURVE RESULTS', and 'SAMPLE RESULTS'. Each section has a table with columns for 'Assay', 'Status', and 'Info'. The 'SAMPLE RESULTS' section has a red '1' next to its title, indicating an error. The table below shows three samples, with the first one having a red exclamation mark in the 'Sample' column.

Sample	Assay	Result
03306827	AltoStar HSV PCR Kit 1.5	Detected: HSV-1
03313539	AltoStar HSV PCR Kit 1.5	Detected: HSV-2
03321057	AltoStar HSV PCR Kit 1.5	Not detected

Abb. 4: Registerkarte Summary (Zusammenfassung): Fehler in einer Analyse

Im Folgenden wird der Prozess zur Behebung eines Fehlers beschrieben. Im ausgewählten Beispiel handelt es sich bei dem Fehler um ein unklares Ergebnis.

1. Klicken Sie in der Registerkarte **Details** (Details) auf das Ausrufezeichen in der Tabellenüberschrift, um die Proben nach Fehlermeldungen zu sortieren. Alternativ können Sie Filter verwenden, um nur Proben mit Fehlern anzuzeigen.
2. Klicken Sie auf den Pfeil links neben der mit einem Fehler gekennzeichneten Probe, um detailliertere Informationen zu erhalten.

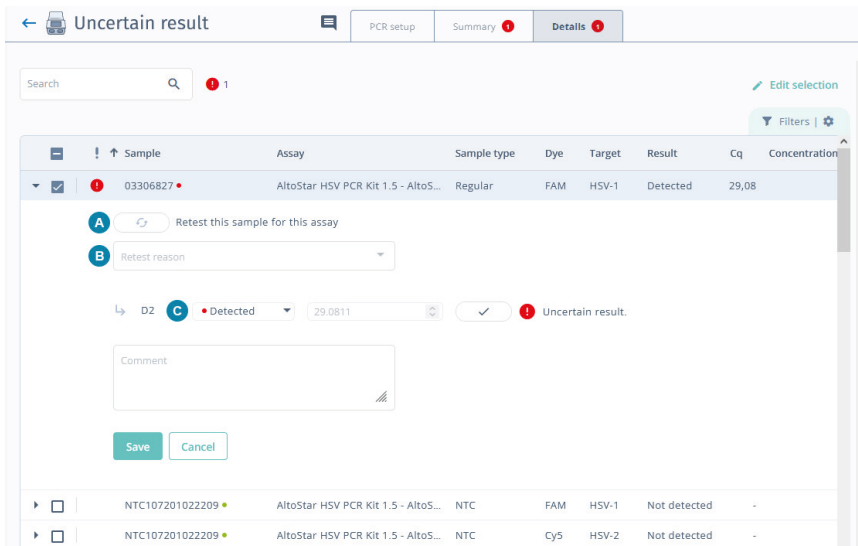


Abb. 5: Details zur Probe mit einem Fehler

3. Beheben Sie den Fehler entsprechend der Fehlermeldung. Verschiedene Optionen zur Fehlerbehebung sind verfügbar:
 - Bestätigen Sie das Ergebnis, indem Sie auf das Häkchen neben dem Ergebnis und dann auf die Schaltfläche **Save** (Speichern) klicken. Zur Bestätigung der Ergebnisse ist kein Kommentar erforderlich. Eine Warnung wird angezeigt, aber das Ergebnis für diese Probe ist im LIMS-Export enthalten.
 - Ändern Sie den Status des Ergebnisses in den umgekehrten Status [**Detected** (Erkannt) oder **Not detected** (Nicht erkannt)] (C). Zum Speichern der Änderungen ist ein Kommentar erforderlich. Das Ergebnis für diese Probe ist im LIMS-Export enthalten.
 - Ändern Sie den Status des Ergebnisses in **Inconclusive** (Nicht eindeutig) (C). Zum Speichern der Änderungen ist ein Kommentar erforderlich. Das Ergebnis für diese Probe ist im LIMS-Export nicht enthalten. Extrahieren Sie die Probe erneut und testen Sie sie erneut.

- Markieren Sie die Probe für einen erneuten Test (A). Wählen Sie einen Grund für den erneuten Test (B) und klicken Sie auf die Schaltfläche **Save** (Speichern). Gründe für erneute Tests werden während der Installation von FastFinder Standalone festgelegt. Zum Speichern der Änderungen ist kein Kommentar erforderlich. Das Ergebnis für diese Probe ist im LIMS-Export nicht enthalten. Extrahieren Sie die Probe erneut und testen Sie sie erneut.
4. Nachdem ein Fehler behoben wurde, erscheint das Symbol „Prüfprotokoll“ in der Zeile für die Probe. Informationen zu Änderungen werden angezeigt, wenn Sie mit der Maus darüber fahren. Zusätzlich werden Kommentare und Gründe für den erneuten Test angezeigt.

HINWEIS



Informationen von dem Prüfprotokoll sind nicht im LIMS-Export enthalten.

5. Beheben Sie alle Fehler in der Analyse.
6. Autorisieren Sie die Analyse.

4.2 Ungültige Standardkurve

4.2.1 Qualitative Verwendung von Assays, die mit Quantifizierungsstandards bereitgestellt werden

Einige Assays, die mit Quantifizierungsstandards bereitgestellt werden, können für die quantitative und qualitative Analyse verwendet werden. Detaillierte Informationen finden Sie in der Gebrauchsanweisung des entsprechenden Altona Diagnostics (RT-)PCR-Produkts.

Bei Verwendung eines Assays mit Quantifizierungsstandards für den qualitativen Nachweis, markiert FastFinder Standalone die Standardkurve als ungültig (siehe Abbildung 6).

The screenshot shows the 'Summary' tab of the FastFinder Standalone interface. The page is titled 'Qualitative use of quantita...' and has tabs for 'PCR setup', 'Summary', and 'Details'. The 'Summary' tab is active, displaying three sections: 'CONTROL RESULTS', 'STANDARD CURVE RESULTS', and 'SAMPLE RESULTS'. Each section has a 'Filters' button and a settings icon.

CONTROL RESULTS

Assay	Status	Info
AltoStar Adenovirus P...	IVD VALID	

STANDARD CURVE RESULTS

Assay	Status	Info
AltoStar Adenovirus P...	IVD INVALID	Missing: Q51, Q52, Q53

SAMPLE RESULTS

Sample	Assay	Result
anonymized01	AltoStar Adenovirus PCR Kit 1.5	Detected: Adenovirus
anonymized02	AltoStar Adenovirus PCR Kit 1.5	Not detected
anonymized03	AltoStar Adenovirus PCR Kit 1.5	Detected: Adenovirus

Abb. 6: Registerkarte Summary (Zusammenfassung): Qualitative Verwendung von Assays, die mit Quantifizierungsstandards bereitgestellt werden

Wenn der mit den Quantifizierungsstandards bereitgestellte Assay für die quantitative und qualitative Analyse verwendet werden kann, gibt es keine Warnungen. Wenn Fehler enthalten sind, beheben Sie diese wie in Kapitel 4.1 Fehler in einer Analyse beschrieben.

Nachdem Sie alle Fehler behoben haben, autorisieren Sie die Analyse. Die Ergebnisse für alle Proben, die für die qualitative Analyse zugewiesen wurden, werden in das LIMS exportiert.

4.2.2 Ungültige Standardkurve in einem quantitativen PCR-Lauf

Für eine quantitative Analyse werden alle 4 Quantifizierungsstandards (QS) benötigt. Wenn weniger als 4 QS verwendet werden, markiert FastFinder Standalone die Standardkurve als ungültig. In der Registerkarte **Summary** (Zusammenfassung) werden alle quantitativ zugewiesenen Proben mit einer Warnung markiert (siehe Abbildung 7).

The screenshot displays the 'Invalid standard curve' summary page. It features three main sections:

- CONTROL RESULTS:** A table with columns 'Assay', 'Status', and 'Info'. One row is shown for 'AltoStar EBV PCR Kit 1...' with a status of 'VALID'.
- STANDARD CURVE RESULTS:** A table with columns 'Assay', 'Status', and 'Info'. One row is shown for 'AltoStar EBV PCR Kit 1...' with a status of 'INVALID' and 'Info: Missing: Q52, Q53'.
- SAMPLE RESULTS:** A table with columns 'Sample', 'Assay', and 'Result'. Three rows are shown for 'anonymized01', 'anonymized03', and 'anonymized08', all with a warning icon and 'Result: Invalid: EBV'.

Abb. 7: Registerkarte Summary (Zusammenfassung): fehlende QS in den Ergebnissen der Standardkurve

Da dies eine unsachgemäße Verwendung quantitativer Assays ist, ist eine Analyse der Ergebnisse nicht möglich. Wiederholen Sie das PCR-Setup und den PCR-Lauf mit 4 QS. Detaillierte Informationen finden Sie in der Gebrauchsanweisung des entsprechenden altona Diagnostics (RT-)PCR-Produkts.

Die Warnungen können nicht behoben werden, aber die Analyse kann autorisiert werden. Die Ergebnisse aller Proben, die für eine quantitative Analyse zugewiesen wurden, sind vom LIMS-Export ausgeschlossen.

4.3 Ungültige Kontrollen

Sowohl die No Template Control (Negativkontrolle, NTC) als auch die Positive Control (Positivkontrolle, PC) können als ungültig markiert werden.

Falls ein ungültiges Kontrollsignal erkannt wurde, werden die Kontrolle und alle Proben, die mit den entsprechenden Assays getestet wurden, in der Registerkarte **Summary** (Zusammenfassung) mit einer Warnung markiert (siehe Abbildung 8). In der Registerkarte **Details** (Details) wird ein Fehler angezeigt. Die Vorgehensweise bei diesem Problem wird für eine Analyse mit einer ungültigen PC veranschaulicht.

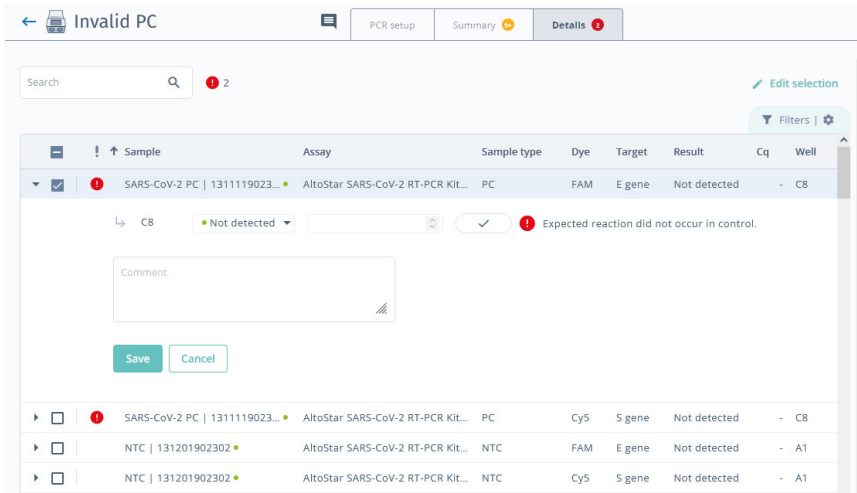
The screenshot shows the 'Invalid PC' window in the FastFinder software. The interface includes a navigation bar with 'PCR setup', 'Summary' (selected), and 'Details'. Below the navigation bar, there are two main sections: 'CONTROL RESULTS' and 'SAMPLE RESULTS'. The 'CONTROL RESULTS' section shows a table with one row for 'AltoStar SARS-CoV-2 R...' with a status of 'INVALID'. The 'SAMPLE RESULTS' section shows a table with four rows for 'anonymized01' through 'anonymized04', all with a status of 'INVALID'. The 'INVALID' status is highlighted with a red border and a warning icon.

Assay	Status	Info
AltoStar SARS-CoV-2 R...	INVALID	Invalid: SARS-CoV-2 PC 131111902302 (PC)

Sample	Assay	Result
anonymized01	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene
anonymized02	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene
anonymized03	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene
anonymized04	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit 1.5	Invalid: E gene, S gene

Abb. 8: Registerkarte Summary (Zusammenfassung): ungültige PC

In der Registerkarte **Details** (Details) wird der Fehler für den Well der PC angezeigt. Die Software zeigt Informationen darüber an, warum der Fehler auftritt (siehe Abbildung 9).



Sample	Assay	Sample type	Dye	Target	Result	Cq	Well
SARS-CoV-2 PC 1311119023...	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit...	PC	FAM	E gene	Not detected	-	C8
SARS-CoV-2 PC 1311119023...	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit...	PC	Cy5	S gene	Not detected	-	C8
NTC 131201902302	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit...	NTC	FAM	E gene	Not detected	-	A1
NTC 131201902302	AltoStar SARS-CoV-2 RT-PCR Kit...	NTC	Cy5	S gene	Not detected	-	A1

Abb. 9: Details zum Fehler für den Well der PC

1. Überprüfen Sie die Ergebnisse und die PCR-Kurve für die PC.
2. Bestätigen Sie die Ergebnisse oder ändern Sie den Status. Die Ergebnisse aller Proben, die mit dem jeweiligen Assay getestet wurden, sind vom LIMS-Export ausgeschlossen. Wiederholen Sie den PCR-Lauf.
3. Autorisieren Sie die Analyse.

HINWEIS



Allgemeine Informationen zum Umgang mit falschen Ergebnissen bei den Kontrollen finden Sie in der Gebrauchsanweisung des jeweiligen altaona Diagnostics (RT-)PCR-Produkts.

5. LIMS-Export

Detaillierte Informationen zu den Auswirkungen von Fehlern und Warnungen zum LIMS-Export finden Sie in der Tabelle 4.

Tabelle 4: Auswirkungen für den LIMS-Export

Szenario	Fehler/Warnung	Auswirkungen für den LIMS-Export
Ungültige NTC oder ungültige PC	Mögliche Kontamination	Alle mit dem jeweiligen Assay getesteten Proben sind vom LIMS-Export ausgeschlossen.
	IC nicht erkannt	
	Erwartete Reaktion in der Kontrolle nicht aufgetreten	
Ungültige Standardkurve	Fehlende QS	Alle quantitativ zugewiesenen Proben sind vom LIMS-Export ausgeschlossen, während alle qualitativen Ergebnisse weiterhin exportiert werden.
	Ungültige QS	
	R ² -Wert	
Probe als „inconclusive“ (nicht eindeutig) markiert*	N/A	Der vollständige Well wird vom LIMS-Export ausgeschlossen.
Probe für erneuten Test markiert*	N/A	
Ungültige Probe	IC ungültig	

* Dieses Szenario wird vom Benutzer zugewiesen.

6. Technischer Support

Zur Inanspruchnahme von Kundenbetreuung kontaktieren Sie bitte den technischen Support von altona Diagnostics:

E-Mail: support@altona-diagnostics.com











Telefon: +49-(0)40-5480676-0

7. Änderungshistorie

Tabelle 5: Änderungshistorie

Datum der Ausgabe [Monat/Jahr]	Änderungen
09/2024	Erste Version

8. Symbole

Symbol	Erklärung
	Fehler
	Warnung
	Warnung für einen Well
	Informationen
	Prüfprotokoll
	Erneuter Test erforderlich
	Well nicht verwendet
	Gültige Kontrolle oder Standardkurvenenergebnis
	Ungültige Kontrolle oder Standardkurvenenergebnis
	Das Assay ist ein IVD-Produkt.

altona Diagnostics GmbH
Mörkenstr. 12
22767 Hamburg, Germany

phone +49 40 548 0676 0
fax +49 40 548 0676 10
e-mail info@altona-diagnostics.com

www.altona-diagnostics.com