

Instrucciones de uso

AltoStar[®]

MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5

04/2022 ES

AltoStar[®]

MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5

Para utilizar con

ABI Prism[®] 7500 SDS (Applied Biosystems)

CFX96[™] Deep Well Dx System (Bio-Rad)

CFX96[™] Dx System (Bio-Rad)

LightCycler[®] 480 Instrument II (Roche)

QuantStudio[™] 5 Real-Time PCR System (Applied Biosystems)

Rotor-Gene[®] Q5/6 plex Platform (QIAGEN)



AS0391543



96



04 2022



altona Diagnostics GmbH • Mörkenstr. 12 • D-22767 Hamburg

Contenido

| | | |
|-----------|--|-----------|
| 1. | Acerca de estas instrucciones de uso..... | 8 |
| 2. | Uso indicado..... | 9 |
| 3. | Contenido del kit..... | 10 |
| 4. | Almacenamiento y manipulación | 11 |
| 4.1 | Almacenamiento..... | 11 |
| 4.2 | Manipulación | 12 |
| 4.2.1 | Master A y Master B | 12 |
| 4.2.2 | Positive Controls (controles positivos) y No Template Controls (controles negativos)..... | 13 |
| 5. | Descripción del producto..... | 13 |
| 5.1 | Información general..... | 14 |
| 5.2 | Descripción de los componentes..... | 15 |
| 5.2.1 | Masters A y Masters B..... | 15 |
| 5.2.2 | Positive Controls (controles positivos)..... | 15 |
| 5.2.3 | No Template Controls (controles negativos)..... | 15 |
| 5.3 | Flujos de trabajo..... | 16 |
| 5.3.1 | AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) | 16 |
| 5.3.2 | Otros flujos de trabajo | 17 |
| 5.3.2.1 | Extracción de ácido nucleico..... | 17 |
| 5.3.2.2 | Instrumentos de PCR en tiempo real..... | 17 |
| 5.4 | Muestras..... | 18 |
| 5.4.1 | Tipos de muestras | 18 |
| 5.4.2 | Recogida y manipulación de muestras..... | 18 |
| 6. | Advertencias, precauciones y limitaciones..... | 20 |
| 7. | Uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)..... | 22 |

| | | |
|---------|---|----|
| 7.1 | Volumen de muestras..... | 22 |
| 7.2 | Tubos de muestras..... | 22 |
| 7.3 | Códigos de barras de la muestra | 23 |
| 7.4 | Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados para el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) | 23 |
| 7.5 | Material y dispositivos generales..... | 25 |
| 7.6 | Procedimiento..... | 25 |
| 7.6.1 | Descripción general del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) | 25 |
| 7.6.2 | Programación de una AltoStar® run (serie)..... | 31 |
| 7.6.3 | Inicio de una serie de configuración de PCR | 32 |
| 7.6.3.1 | Preparación de reactivos para una serie de configuración de PCR..... | 33 |
| 7.6.3.2 | Carga del AltoStar® AM16 para una serie de configuración de PCR..... | 33 |
| 7.6.3.3 | Durante la serie de configuración de PCR..... | 37 |
| 7.6.4 | Fin de la serie de configuración de PCR | 37 |
| 7.6.4.1 | Resultados de serie de configuración de PCR..... | 38 |
| 7.6.5 | Sellado de la PCR plate (placa PCR)..... | 40 |
| 7.6.5.1 | Estabilidad de la mezcla de PCR | 42 |
| 7.6.6 | Inicio de una serie PCR..... | 42 |
| 7.6.6.1 | Durante la serie PCR | 43 |
| 7.6.6.2 | Asignación de ensayos a grupos de pocillos | 44 |
| 7.6.7 | Análisis de datos PCR..... | 47 |
| 7.6.7.1 | Corrección de la línea de base..... | 49 |
| 7.6.7.2 | Exclusión de señales de PCR irregulares | 51 |
| 7.6.7.3 | Ajuste de umbrales..... | 55 |
| 7.6.8 | Validez de los resultados de PCR | 59 |
| 7.6.8.1 | Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos | 59 |
| 7.6.8.2 | Validez de una serie PCR de diagnóstico | 62 |

| | | |
|-----------|--|-----------|
| 7.6.8.3 | Validez de los resultados para una muestra | 62 |
| 7.6.9 | Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados automatizada | 63 |
| 7.6.10 | Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual | 64 |
| 7.6.10.1 | Interpretación manual de los resultados | 66 |
| 8. | Uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con otros instrumentos PCR en tiempo real que no sean el CFX96™ Deep Well Dx System | 67 |
| 8.1 | Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados | 67 |
| 8.2 | Procedimiento..... | 68 |
| 8.2.1 | Preparación de las muestras..... | 68 |
| 8.2.2 | Configuración de master mix..... | 69 |
| 8.2.3 | Configuración de reacción..... | 70 |
| 8.2.4 | Serie PCR..... | 71 |
| 8.2.4.1 | Programación del instrumento de PCR en tiempo real..... | 71 |
| 8.2.4.2 | Configuración de la serie..... | 71 |
| 8.2.5 | Análisis de datos | 73 |
| 9. | Datos de rendimiento | 74 |
| 9.1 | Hisopos nasofaríngeos..... | 74 |
| 9.1.1 | Sensibilidad analítica..... | 74 |
| 9.1.2 | Especificidad analítica | 76 |
| 9.1.2.1 | Muestras negativas | 77 |
| 9.1.2.2 | Sustancias interferentes..... | 77 |
| 9.1.2.3 | Reactividad cruzada..... | 78 |
| 9.1.3 | Precisión..... | 79 |
| 9.1.4 | Índice de fallo total..... | 81 |
| 9.1.5 | Arrastre..... | 81 |
| 9.1.6 | Rendimiento clínico | 81 |

| | | |
|-----|--|----|
| 10. | Eliminación | 83 |
| 11. | Control de calidad..... | 83 |
| 12. | Soporte técnico | 84 |
| 13. | Bibliografía | 84 |
| 14. | Marcas comerciales y aviso legal..... | 85 |
| 15. | Símbolos | 86 |
| 16. | Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS..... | 88 |
| 17. | Historial de revisiones..... | 91 |

1. Acerca de estas instrucciones de uso

Estas instrucciones de uso guían al usuario en la utilización del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Los capítulos del 1 al 6 y del 9 al 14 contienen información general e instrucciones que se aplican a todos los flujos de trabajo usados con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. El capítulo 7 proporciona instrucciones sobre cómo usar el producto con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) (Hamilton; en lo sucesivo, se abreviará como AltoStar® AM16) con el AltoStar® Connect software (versión 1.7.4 o superior, Hamilton) para la configuración de PCR automatizada y en el CFX96™ Deep Well Dx System* (Bio-Rad, en lo sucesivo, se abreviará como CFX96™ DW Dx) con el CFX Manager™ Dx software (versión 3.1, Bio-Rad) para PCR en tiempo real. El capítulo 8 proporciona instrucciones sobre cómo usar el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 en combinación con otros métodos de extracción de ácido nucleico e instrumentos de PCR en tiempo real. Para obtener más información sobre el uso del AltoStar® AM16, el AltoStar® Connect software, el kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) y el CFX96™ DW Dx, consulte las instrucciones de uso respectivas que figuran a continuación:

- AltoStar® Automation System AM16 Manual IVD del operador (Hamilton)
- AltoStar® Connect Software Manual IVD (Hamilton)
- Instrucciones de uso AltoStar® Purification Kit 1.5
- Instrucciones de uso AltoStar® Internal Control 1.5
- Sistemas CFX96™ Dx y CFX96™ Deep Well Dx Manual de funcionamiento (Bio-Rad)

* «CFX96™ Deep Well Dx System» es el nuevo nombre de marca para la versión IVD del CFX96™ Deep Well Real-Time PCR Detection System (sistema de detección) (Bio-Rad).

En este manual, los términos PRECAUCIÓN y NOTA tienen los significados siguientes:

PRECAUCIÓN



Destaca instrucciones o procedimientos operativos que, si no se siguen correctamente, pueden provocar lesiones personales o afectar al rendimiento del producto. Contacte con el soporte técnico de Altona Diagnostics para recibir ayuda.

NOTA



Se ofrece al usuario información que es útil pero no esencial para la tarea en cuestión.

Lea las instrucciones de uso detenidamente antes de utilizar el producto.

2. Uso indicado

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 es un test diagnóstico *in vitro* basado en tecnología PCR en tiempo real para la detección cualitativa de ARN específico de coronavirus del síndrome respiratorio de Oriente Medio (MERS-CoV) en hisopos nasofaríngeos humanos. Se ha diseñado para usarse como ayuda para el diagnóstico de la infección por MERS-CoV.

Los resultados generados con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 deben interpretarse junto con otros hallazgos clínicos y de laboratorio.

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se ha diseñado para que lo utilicen usuarios profesionales formados en técnicas biológicas moleculares y procedimientos de diagnósticos *in vitro*.

3. Contenido del kit

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 contiene los siguientes componentes:

Tabla 1: Componentes del kit

| Color de la tapa | Componente | Número de tubos | Volumen nominal [μl/tubo] |
|------------------|---------------------------------------|-----------------|---------------------------|
| Azul | Master A (upE + N gene) ¹⁾ | 4 | 120 ²⁾ |
| Azul claro | Master A (orf1a) ¹⁾ | 4 | 120 ²⁾ |
| Violeta | Master B (upE + N gene) ¹⁾ | 4 | 360 ³⁾ |
| Violeta claro | Master B (orf1a) ¹⁾ | 4 | 360 ³⁾ |
| Rojo | PC (upE + N gene) ⁴⁾ | 1 | 250 |
| Naranja | PC (orf1a) ⁴⁾ | 1 | 250 |
| Blanco | NTC (upE + N gene) ⁵⁾ | 1 | 250 |
| Transparente | NTC (orf1a) ⁵⁾ | 1 | 250 |

¹⁾ Contiene material biológico de origen animal

²⁾ Contiene un volumen adicional de 25 μl para compensar el volumen muerto de la manipulación de líquido del AltoStar® AM16

³⁾ Contiene un volumen adicional de 55 μl para compensar el volumen muerto de la manipulación de líquido del AltoStar® AM16

⁴⁾ Positive Control (control positivo)

⁵⁾ No Template Control (control negativo)

PRECAUCIÓN



Antes del primer uso, compruebe el producto y sus componentes para ver si están completos en cuanto a número, tipo y relleno. No utilice un producto incompleto o defectuoso, pues el rendimiento del mismo podría verse afectado.

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 contiene suficientes reactivos para realizar 96 reacciones en un número máximo de 8 series.

El producto se envía en hielo seco. En el momento de la recepción y antes de su primer uso, compruebe lo siguiente en el producto y sus componentes:

- Integridad
- Si está completo en cuanto a número, tipo y relleno
- Etiquetado correcto
- Fecha de caducidad
- Estado congelado
- Claridad y ausencia de partículas

Si uno o más componentes no están congelados en el momento de la recepción, o si se han puesto en peligro tubos durante el envío, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics para obtener ayuda (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

4. Almacenamiento y manipulación

Todos los reactivos incluidos en el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 son soluciones listas para usar.

4.1 Almacenamiento

Todos los componentes del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 deben almacenarse entre -25 °C y -15 °C tras su llegada.

PRECAUCIÓN



Unas condiciones de almacenamiento inadecuadas podrían afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN



No use productos cuya fecha de caducidad haya expirado. El uso de productos caducados puede afectar al rendimiento del producto.

4.2 Manipulación

PRECAUCIÓN



No exceda la secuencia de congelación y descongelación ni las duraciones de manipulación especificadas en estas instrucciones de uso, ya que podría afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN



La manipulación incorrecta de componentes de productos y muestras puede provocar contaminación y podría afectar al rendimiento del producto:

- No intercambie tapones de viales y botes.
- Almacene los materiales positivos y/o potencialmente positivos separados de los componentes del kit.
- Utilice áreas de trabajo separadas para la preparación de las muestras, la configuración de reacción y las actividades de amplificación/detección.
- Deseche siempre los guantes después de manipular material positivo y/o potencialmente positivo.
- No abra los tubos y/o las PCR plates (placas PCR) después de la amplificación.

PRECAUCIÓN



No mezcle componentes de diferentes lotes de kits. El uso de diferentes lotes de kits puede afectar al rendimiento del producto.

4.2.1 Master A y Master B

Tras la descongelación, el Master A y Master B permanecerán estables durante 5 horas a una temperatura de hasta +30 °C.

NOTA

Si Master A y Master B se han descongelado pero no se han utilizado, pueden volver a congelarse y a descongelarse para series futuras. Si se abren, deseche las tapas y utilice nuevas tapas para evitar la contaminación de los reactivos.

4.2.2 Positive Controls (controles positivos) y No Template Controls (controles negativos)

1. Después de la descongelación, los Positive Controls (PC, controles positivos) y los No Template Controls (NTC, controles negativos) son estables durante 5 horas a una temperatura de hasta +30 °C.
2. Deseche las tapas de los tubos de PC y NTC en cada uso y utilice nuevas tapas para evitar la contaminación de los reactivos.
3. Tras el uso, cierre los tubos de PC y NTC con tapas nuevas y congélelos inmediatamente.
4. No supere la siguiente secuencia de descongelación-congelación para cada tubo de PC y NTC: *Descongelación 1* → *Congelación 1* → *Descongelación 2* → *Congelación 2* → *Descongelación 3* → *Congelación 3* → *Descongelación 4*

5. Descripción del producto

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 es un test diagnóstico *in vitro* para la detección cualitativa de ARN específico de MERS-CoV en hisopos nasofaríngeos humanos.

Se basa en la tecnología de RT-PCR en tiempo real, que utiliza la reacción de la transcriptasa inversa (RT) para convertir ARN en ADN complementario (ADNc), la reacción en cadena de la polimerasa (PCR) para la amplificación de secuencias objetivo específicas de MERS-CoV y sondas específicas objetivo etiquetadas con fluorescencia para la detección del ADN amplificado.

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se compone de dos ensayos de valoración independientes, uno que fija como objetivo una región por encima del gen E (upE), además de la región del gen N, y otro que fija como objetivo un marco abierto de lectura 1a (open reading frame 1a, orf1a) del genoma MERS-CoV.

Además del sistema de detección y amplificación de ARN específico de MERS-CoV, ambos ensayos incluyen oligonucleótidos para la amplificación y la detección del control interno (en lo sucesivo abreviado como IC; AltoStar® Internal Control 1.5).

En ambos ensayos, las sondas específicas para ARN de MERS-CoV se marcan con el fluoróforo FAM™. La sonda específica para el IC está etiquetada con un fluoróforo (JOE™) detectable en el canal VIC™, por ejemplo.

Utilizar sondas conectadas a colorantes distinguibles permite la detección paralela de ARN específico de MERS-CoV y el IC en los canales de detección correspondientes del instrumento PCR en tiempo real utilizado.

5.1 Información general

El coronavirus del síndrome respiratorio de Oriente Medio (MERS-CoV) pertenece al linaje C de betacoronavirus en la familia *Coronaviridae*. El MERS-CoV se identificó por primera vez en el Reino de Arabia Saudí en 2012 en un paciente con síndrome de dificultad respiratoria aguda [1]. El MERS-CoV es un virus de ARN monocatenario de polaridad positiva con envoltura y con un tamaño de genoma de 30 kb [2], el cual codifica cuatro proteínas estructurales [3]. El MERS-CoV es un virus zoonótico que tiene a los dromedarios como huéspedes reservorios y que probablemente se originó en murciélagos. Las principales vías de transmisión del virus son de los dromedarios a los humanos y de humano a humano [1].

El espectro clínico de la infección por MERS-CoV varía desde asintomático, pasando por síntomas respiratorios leves, hasta enfermedad respiratoria aguda grave y la muerte. Un cuadro clínico habitual de MERS-CoV incluye fiebre, tos y dificultad para respirar. También se pueden dar neumonía y síntomas gastrointestinales, incluida diarrea [4]. La enfermedad grave puede ocasionar insuficiencia respiratoria que requiere ventilación mecánica y atención en una unidad de cuidados intensivos. Parece que el virus causa una enfermedad más grave en personas mayores y en aquellas con enfermedades crónicas, tales como insuficiencia renal, cáncer, enfermedad pulmonar crónica y diabetes [3,4].

Para el diagnóstico molecular, la OMS recomienda un programa diagnóstico de dos pasos que primero criba muestras con el denominado ensayo *upE* seguido de un ensayo de confirmación dirigido a *orf1a*. Para las muestras con resultados discrepantes para *upE* u *orf1a*, la OMS recomienda secuenciar un tercer objetivo, la *RdRp* (por sus siglas en inglés: RNA-dependent RNA polymerase, la polimerasa de ARN dependiente de ARN) o el gen N. El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se desarrolló según estos tres ensayos descritos dirigidos al *upE* y gen N, además de a *orf1a* en paralelo.

5.2 Descripción de los componentes

5.2.1 Masters A y Masters B

Los Masters A y Masters B contienen todos los componentes (solución amortiguadora de PCR, transcriptasa inversa, polimerasa de ADN, sal de magnesio, cebadores y sondas) para permitir la transcripción inversa así como la amplificación con mediación de PCR y la detección objetivo de ARN específico de MERS-CoV y de IC en una configuración de reacción.

5.2.2 Positive Controls (controles positivos)

El PC (*upE* + N gene) y PC (*orf1a*) contienen concentraciones estandarizadas de ARN específico de MERS-CoV. Los PC se usan para verificar la funcionalidad de la amplificación específica de MERS-CoV y los sistemas de detección incluidos en el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5.

5.2.3 No Template Controls (controles negativos)

El NTC (*upE* + N gene) y NTC (*orf1a*) no contienen ARN específico de MERS-CoV, pero sí contienen la plantilla del IC. Los NTC se utilizan como control negativo para la RT-PCR en tiempo real específica de ARN de MERS-CoV e indican una posible contaminación de Masters A y Masters B.

5.3 Flujos de trabajo

5.3.1 AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

El AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) incluye los siguientes productos IVD:

- AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) (Hamilton)
- AltoStar® Connect software versión 1.7.4 o superior (Hamilton)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad) con CFX Manager™ Dx versión de software 3.1 (Bio-Rad)

El flujo de trabajo incluye los pasos siguientes:

1. Programación de una AltoStar® run (serie).
2. Serie de purificación en el AltoStar® AM16 utilizando el kit AltoStar® Purification Kit 1.5 y el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno).
3. Serie de configuración de RT-PCR en el AltoStar® AM16 usando el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5.
4. Serie RT-PCR en tiempo real en un CFX96™ DW Dx.

Para más detalles de los pasos 3 y 4 del flujo de trabajo, consulte el capítulo 7. Uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo). Todo los tipos de muestras y volúmenes de muestras especificados para su uso con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5 pueden procesarse simultáneamente en el AltoStar® AM16. Cada muestra puede analizarse con tantos ensayos PCR en tiempo real en paralelo como permita el eluido disponible.

NOTA



Los ensayos con perfiles de temperatura de PCR diferentes se ordenan automáticamente en placas PCR separadas.

5.3.2 Otros flujos de trabajo

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se puede usar con flujos de trabajo compatibles (manuales o automatizados). Los instrumentos de PCR en tiempo real que se han validado para su uso con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 figuran en el capítulo 5.3.2.2 Instrumentos de PCR en tiempo real. El uso de procedimientos de extracción alternativos debe validarlo el usuario.

5.3.2.1 Extracción de ácido nucleico

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se puede usar con sistemas de extracción de ácido nucleico distintos del AltoStar® AM16. Los procedimientos alternativos usados para la extracción de ácido nucleico deben ser validados por el usuario. Consulte el capítulo 8.2.1 Preparación de las muestras para ver las instrucciones sobre cómo usar el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) en combinación con otros métodos de extracción distintos del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

5.3.2.2 Instrumentos de PCR en tiempo real

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se ha desarrollado y validado con los siguientes instrumentos de PCR en tiempo real:

- ABI Prism® 7500 SDS (Applied Biosystems)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)
- CFX96™ Dx System (Bio-Rad)
- LightCycler® 480 Instrument II (Roche)
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System (Applied Biosystems)
- Rotor-Gene® Q5/6 plex Platform (QIAGEN)

Usando uno de los instrumentos de PCR en tiempo real mencionados anteriormente (excepto el CFX96™ Deep Well Dx System), hay que realizar manualmente la configuración de PCR, la programación de los instrumentos y el análisis de datos (para obtener más información, consulte los capítulos desde el 8.2.2 Configuración de master mix hasta 8.2.5 Análisis de datos).

5.4 Muestras

5.4.1 Tipos de muestras

El siguiente tipo de muestras está validado para su uso con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5:

- Hisopos nasofaríngeos humanos

PRECAUCIÓN



¡No utilice otros tipos de muestras! El uso de otros tipos de muestras puede afectar al rendimiento del producto.

5.4.2 Recogida y manipulación de muestras

Para la recogida de las muestras, hay que usar hisopos disponibles comercialmente con varilla de plástico y punta de poliéster o de fibra Dacron. Los hisopos secos se deben resuspender en medio de transporte universal (por ejemplo, UTM® Copan). No deben utilizarse bastoncillos de alginato de calcio, bastoncillos con la varilla de madera o puntas de algodón, ni bastoncillos que contengan gel de agar. El transporte deberá realizarse de acuerdo con la legislación local o nacional relativa al transporte de material biológico.

Antes de su uso, las muestras de hisopos nasofaríngeos humanos resuspendidos en UTM® no deberían permanecer almacenado durante más de 48 horas a temperatura ambiente (de +20 °C a +25 °C), 5 días de +2 °C a +8 °C o 2 meses de -25 °C a -15 °C.

PRECAUCIÓN



Trate siempre las muestras como si fuera material infeccioso y (bio)peligroso conforme a los procedimientos de seguridad y de laboratorio. Si se derrama material de las muestras, utilice rápidamente un desinfectante adecuado. Manipule los materiales contaminados como si fueran biopeligrosos.

NOTA



El almacenamiento en congelación no pone en peligro el rendimiento del kit. Cuando trabaje con muestras congeladas, asegúrese de que se hayan descongelado y mezclado correctamente antes de su uso.

NOTA



Las muestras deben estar libres de sólidos y de componentes de alta viscosidad. Los sólidos y los componentes de alta viscosidad interferirán con la transferencia de muestras en el AltoStar® AM16 y las muestras no se procesarán.

NOTA



El uso de bastoncillos de alginato de calcio podría provocar resultados incorrectos o no válidos debido a la inhibición de la PCR.

NOTA



El uso de bastoncillos con la varilla de madera y/o puntas de algodón o de bastoncillos con gel de agar como medio de transporte pueden interferir con la transferencia de muestras al AltoStar® AM16 debido a los restos de madera, algodón y/o agar, por lo que las muestras no se procesarán.

6. Advertencias, precauciones y limitaciones

- Antes del primer uso, compruebe el producto y sus componentes para ver si están completos en cuanto a número, tipo y relleno. No utilice un producto incompleto o defectuoso, pues el rendimiento del mismo podría verse afectado.
- Unas condiciones de almacenamiento inadecuadas podrían afectar al rendimiento del producto.
- No use productos cuya fecha de caducidad haya expirado. El uso de productos caducados puede afectar al rendimiento del producto.
- No exceda la secuencia de congelación y descongelación ni las duraciones de manipulación especificadas en estas instrucciones de uso, ya que podría afectar al rendimiento del producto.
- La manipulación incorrecta de componentes de productos y muestras puede provocar contaminación y podría afectar al rendimiento del producto:
 - No intercambie tapones de viales y botes.
 - Almacene los materiales positivos y/o potencialmente positivos separados de los componentes del kit.
 - Utilice áreas de trabajo separadas para la preparación de las muestras, la configuración de reacción y las actividades de amplificación/detección.
 - Deseche siempre los guantes después de manipular material positivo y/o potencialmente positivo.
 - No abra los tubos y/o las PCR plates (placas PCR) después de la amplificación.
- No mezcle componentes de diferentes lotes de kits. El uso de diferentes lotes de kits puede afectar al rendimiento del producto.
- ¡No utilice otros tipos de muestras! El uso de otros tipos de muestras puede afectar al rendimiento del producto.
- Trate siempre las muestras como si fuera material infeccioso y (bio)peligroso conforme a los procedimientos de seguridad y de laboratorio. Si se derrama material de las muestras, utilice rápidamente un desinfectante adecuado. Manipule los materiales contaminados como si fueran biopeligrosos.
- El almacenamiento de eluidos en condiciones incorrectas puede provocar la degradación de la secuencia objetivo de MERS-CoV y podría afectar al rendimiento del producto.

- No use una versión del protocolo de ensayo distinta de la indicada en los códigos de barras 2D de estas instrucciones de uso. El uso de una versión incorrecta del protocolo de ensayo podría afectar al rendimiento del producto.
- La ausencia de centrifugación de los componentes del producto tras la descongelación podría provocar la contaminación con restos de reactivos en las tapas y podría afectar al rendimiento del producto.
- No reutilice los tapones de tubos para evitar la contaminación de los reactivos, ya que podría afectar al rendimiento del producto.
- Como con cualquier test diagnóstico, los resultados se interpretarán teniendo en cuenta todos los hallazgos clínicos y de laboratorio.
- La presencia de inhibidores de PCR podría provocar falsos negativos o resultados no válidos.
- No use volúmenes de Master A y Master B para la configuración de master mix distintos de los especificados en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.
- No supere el tiempo de almacenamiento de la mezcla de PCR, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.
- No mezcle muestras ni ID de muestras durante la configuración de PCR o la transferencia al instrumento PCR. Esto podría provocar resultados con falsos positivos o falsos negativos debido a una asignación de muestras incorrecta.
- No use otras condiciones de ciclo distintas de las especificadas en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.
- No use otra configuración de control para el análisis de datos que no sea la especificada en estas instrucciones de uso, ya que esto podría provocar unos resultados de examen IVD incorrectos.
- Si la muestra contiene otros patógenos distintos de MERS-CoV, puede darse competencia con la amplificación objetivo o reactividades cruzadas, lo que provocaría unos resultados de examen IVD incorrectos.
- La eliminación de los residuos peligrosos y biológicos deberá cumplir las normativas locales y nacionales para evitar la contaminación medioambiental.
- Las posibles mutaciones dentro de las regiones objetivo del genoma de MERS-CoV cubiertas por los cebadores o las sondas utilizados en el kit pueden provocar fallos al detectar la presencia del patógeno.

7. Uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

La parte siguiente de estas instrucciones de uso describe la utilización del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 junto con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo). El kit AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) está compuesto por distintos productos IVD (AltoStar® AM16, AltoStar® Connect software, kit AltoStar® Purification Kit 1.5, AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) y CFX96™ DW Dx). La utilización de estos productos se describe con detalle en las respectivas instrucciones de uso.

- AltoStar® Automation System AM16 Manual IVD del operador (Hamilton)
- AltoStar® Connect Software Manual IVD (Hamilton)
- Instrucciones de uso AltoStar® Purification Kit 1.5
- Instrucciones de uso AltoStar® Internal Control 1.5
- Sistemas CFX96™ Dx y CFX96™ Deep Well Dx Manual de funcionamiento (Bio-Rad)

7.1 Volumen de muestras

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 está validado para purificaciones de ácido nucleico de un volumen de muestras de 500 µl cuando se usa el AltoStar® AM16. Debe proporcionarse un volumen de muestras adicional para compensar el volumen muerto del tubo de muestras utilizado (consulte el capítulo 7.2 Tubos de muestras).

7.2 Tubos de muestras

Pueden comprarse tubos de muestras adecuados para su uso en el AltoStar® AM16 a alta Diagnostics (tubo de 7 ml con tapón, 82 x 13 mm, VK000010). El usuario puede probar la aplicabilidad de otros tubos de muestras. Para ver detalles, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.3 Códigos de barras de la muestra

Para la identificación automatizada de muestras con el AltoStar® AM16, deben etiquetarse todos los tubos de muestras con un código de barras adecuado. Para ver detalles, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.4 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados para el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

El material y los dispositivos que se muestran en la tabla 2 deben solicitarse a Altona Diagnostics.

Tabla 2: Material y dispositivos necesarios

| Material | Descripción | N.º de pedido |
|---|--|---------------|
| AltoStar® Molecular Diagnostic Workflow | El pack de productos contiene el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización), el AltoStar® Connect software (versión 1.7.4 o superior) y hardware informático | AM16 |
| AltoStar® Detection | El pack de productos contiene el CFX96™ Deep Well Dx System con el CFX Manager™ Dx software (versión 3.1), un escáner de código de barras y hardware informático | DT16 |
| AltoStar® Purification Kit 1.5 | Química de aislamiento y purificación de ácidos nucleicos para el uso con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) | PK15-46 |
| AltoStar® Internal Control 1.5 | Extracción de ácido nucleico y control de detección y amplificación de PCR | IC15-46 |
| PCR Plate | Placa de 96 pocillos con código de barras, semifaldón y pocillos blancos | VK000005 |
| PCR Plate Sealing Foil | Lámina sellante para la PCR plate (placa PCR) | VK000006 |

| Material | Descripción | N.º de pedido |
|--------------------------|---|---------------|
| 1,000 µl CO-RE Tips | Puntas de filtro de 1000 µl para usar con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) | VK000007 |
| 300 µl CO-RE Tips | Puntas de filtro de 300 µl para usar con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) | VK000008 |
| Pooling Tube | Tubo con código de barras para la agrupación de reactivos de PCR | VK000002 |
| Waste Bag | Bolsa estéril apta para autoclave para usar con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) | VK000009 |
| Screw Cap - red | Tapón de rosca para tubos de PC (upE + N gene) (rojo) | VK000012 |
| Screw Cap - orange | Tapón de rosca para tubos de PC (orf1a) (naranja) | VK000014 |
| Screw Cap - blue | Tapón de rosca para tubos de Master A (upE + N gene) (azul) | VK000013 |
| Screw Cap - light blue | Tapón de rosca para tubos de Master A (orf1a) (azul claro) | VK000035 |
| Screw Cap - purple | Tapón de rosca para tubos de Master B (upE + N gene) (violeta) | VK000015 |
| Screw Cap - light purple | Tapón de rosca para tubos de Master B (orf1a) (violeta claro) | VK000036 |
| Screw Cap - white | Tapón de rosca para tubos de NTC (upE + N gene) (blanco) | VK000016 |
| Screw Cap - transparent | Tapón de rosca para tubos de NTC (orf1a) (transparente) | VK000037 |

Tabla 3: Material y dispositivos adicionales de laboratorio

| Material | Descripción | N.º de pedido |
|--------------------|---|---------------|
| Sellador de placas | p. ej., AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) | VK000023 |
| | p. ej., el PX1 Plate Sealer (Bio-Rad) | VK000033 |

7.5 Material y dispositivos generales

- Agitador vortex
- Guantes sin polvo (desechables)
- Centrífuga para el centrifugado de componentes del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5
- Centrífuga para el centrifugado de PCR plates (placas PCR)

7.6 Procedimiento

7.6.1 Descripción general del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

Los pasos del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) completo se resumen en la tabla 4. Se proporciona información sobre configuraciones específicas para el uso con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 en el capítulo 7.6.2 Programación de una AltoStar® run (serie). Para instrucciones detalladas para los pasos 1-5, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el AltoStar® Connect software y el AltoStar® AM16.

Los pasos 6-11 se describen con más detalle en los capítulos 7.6.3 Iniciar una serie de configuración de PCR hasta 7.6.10 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual.

Tabla 4: Descripción general del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

| Paso | Acción |
|--|---|
| 1. Iniciar el AltoStar® AM16 | <ul style="list-style-type: none"> • Encienda el AltoStar® AM16. • Encienda el ordenador y el monitor. • Inicie el AltoStar® Connect software. |
| 2. Realizar mantenimiento | <ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en Application → Instrument Maintenance (aplicación → mantenimiento del instrumento). <ul style="list-style-type: none"> ◦ Si está pendiente el mantenimiento semanal, haga clic en Start Weekly Maintenance (iniciar mantenimiento semanal). ◦ Si está pendiente el mantenimiento diario, haga clic en Start Daily Maintenance (iniciar mantenimiento diario). • Siga las instrucciones en pantalla para completar el proceso de mantenimiento. |
| 3. Programación de una AltoStar® run (serie) | <ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en Program Run → Program Run (AltoStar® Purification) [programar serie → programar serie (AltoStar® Purification)]. De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio y haga clic en el botón Program Run (programar serie). • Introduzca muestras o impórtelas del LIMS (por sus siglas en inglés). • Seleccione los siguientes ensayos para las muestras a menos que ya los haya importados del LIMS: <ul style="list-style-type: none"> ◦ AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) ◦ AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) • Haga clic en el botón Create Run (crear serie) en la barra de herramientas para crear la AltoStar® run (serie). |

| Paso | Acción |
|---|---|
| <p>4. Iniciar una serie de purificación</p> | <ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en Purification → Start Purification (purificación → iniciar purificación). De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio y haga clic en el botón Start Purification (iniciar purificación). • Seleccione la serie de purificación que desea iniciar para mostrar las muestras incluidas en la serie de purificación seleccionada. • Prepare los reactivos de purificación: <ul style="list-style-type: none"> ◦ Asegúrese de que los reactivos de purificación que desea utilizar tengan el mismo número de carga [excepto el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)] y no hayan caducado. ◦ Si hay precipitados visibles en el Lysis Buffer (tampón de lisis), caliéntelo ($\leq +50$ °C) hasta que se disuelvan por completo. ◦ Descongele el IC [AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)] y aplique un vortex durante 5 segundos. ◦ Aplique un vortex a las Magnetic Bead (esferas magnéticas) durante 5 segundos sin mojar la tapa. • Prepare las muestras para iniciar la serie de purificación como se indica en las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5. • Haga clic en el botón Start Run (iniciar serie) en la barra de herramientas. • Siga los cuadros de diálogo de carga y cargue el instrumento en consonancia. • Confirme el mensaje Loading complete (carga completa) haciendo clic en OK (aceptar) o espere 10 segundos. <p>El sistema realizará a continuación la serie de purificación automáticamente.</p> |

| Paso | Acción |
|--|--|
| <p>5. Finalizar la serie de purificación</p> | <ul style="list-style-type: none"> • Asegúrese de que la bandeja de carga está vacía y confirme el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada) haciendo clic en OK (aceptar). • Siga las instrucciones del cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento) y confirme con OK (aceptar). • Selle y almacene los componentes del kit AltoStar® Purification Kit 1.5 que puedan reutilizarse. <p>Los eluidos de la eluate plate (placa de eluidos) sin sellar son estables a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante un total de 4 horas.</p> <ul style="list-style-type: none"> • Si la serie de configuración de PCR asociada no se inicia inmediatamente, selle la eluate plate (placa de eluidos) con una Eluate Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas de eluidos) y almacénela a una temperatura de entre +2 °C y +8 °C durante 24 horas. • Vea los resultados de la serie de purificación para confirmar el procesamiento correcto de cada muestra. |

| Paso | Acción |
|---|---|
| <p>6. Inicio de una serie de configuración de PCR</p> | <ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en PCR Setup → Start PCR Setup (configuración de PCR → iniciar configuración de PCR). De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio y haga clic en el botón Start PCR Setup (iniciar configuración de PCR). • Seleccione la serie de configuración de PCR que desea iniciar para mostrar la eluate plate (placa de eluidos) y los reactivos en la serie de configuración de PCR seleccionada. • Prepare los reactivos de PCR: <ul style="list-style-type: none"> ◦ Asegúrese de que los masters y los controles que se van a utilizar son del mismo lote de kits y no están caducados. ◦ Descongele la cantidad necesaria de tubos de master y control, aplique un vortex brevemente y centrifugue. • Si la eluate plate (placa de eluidos) está sellada, centrifúguela brevemente y quite el sello con cuidado. • Haga clic en el botón Start Run (iniciar serie) en la barra de herramientas. • Siga el cuadro de diálogo de Loading (carga) y cargue el instrumento en consonancia. • Confirme el mensaje Loading complete (carga completa) haciendo clic en OK (aceptar) o espere 10 segundos. <p>El sistema realizará a continuación la serie de configuración de PCR automáticamente.</p> |
| <p>7. Finalizar la serie de configuración de PCR</p> | <ul style="list-style-type: none"> • Asegúrese de que la bandeja de carga está vacía y confirme el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada) haciendo clic en OK (aceptar). • Siga las instrucciones del cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento) y confirme con OK (aceptar). • Selle y almacene los componentes del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 que puedan reutilizarse. • Vea los resultados de la serie de configuración de PCR para confirmar el procesamiento correcto de cada muestra. |

| Paso | Acción |
|---|---|
| 8. Sellar la PCR plate (placa PCR) | <ul style="list-style-type: none"> Selle la PCR plate (placa PCR) con una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR). |
| 9. Iniciar la serie PCR | <ul style="list-style-type: none"> Encienda el CFX96™ DW Dx, el ordenador conectado y el monitor. Inicie el CFX Manager™ Dx software. Abra el CFX96™ DW Dx. Centrifugue la PCR plate (placa PCR) e insértela en el CFX96™ DW Dx. Seleccione File → Open → LIMS File... (archivo → abrir → archivo de LIMS...) en la barra de menú. Escanee el código de barras de la PCR plate (placa PCR) con el escáner de código de barras de mano. Cierre el CFX96™ DW Dx. Haga clic en el botón Start Run (iniciar serie) para iniciar la serie PCR. Ponga nombre al archivo de la serie PCR y guárdelo. <p>El CFX96™ DW Dx realizará a continuación la serie PCR automáticamente.</p> |
| 10. Separar ensayos para el análisis individual | <ul style="list-style-type: none"> Separe todos los ensayos en la serie PCR en grupos de pocillos diferentes. |
| 11. Analizar los datos e interpretar los resultados de la serie PCR | <p>Para cada grupo de pocillos individualmente:</p> <ul style="list-style-type: none"> Realice la corrección de la línea de base en todos los pocillos para todos los canales de detección utilizados. Excluya los pocillos con señales de PCR irregulares. Establezca los umbrales de todos los canales de detección conforme a los controles. Excluya los pocillos que contengan datos no válidos. Genere el archivo de resultados LIMS para exportar los resultados al LIMS. Genere el informe de resultados para la interpretación de resultados manual. |

PRECAUCIÓN



El almacenamiento de eluidos en condiciones incorrectas puede provocar la degradación de la secuencia objetivo de MERS-CoV y podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.2 Programación de una AltoStar® run (serie)

Para obtener información detallada sobre cómo iniciar una AltoStar® run (serie), consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el AltoStar® Connect software y el AltoStar® AM16. A continuación figuran las configuraciones específicas para usar con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5:

- Se han seleccionado PC y NTC para el ensayo upE + N gene respectivamente orf1a.
- El volumen de muestras necesario es de 500 µl más el volumen muerto para el tubo de muestras correspondiente (consulte los capítulos 7.1 Volumen de muestras y 7.2 Tubos de muestras).
- El volumen de eluido requerido para cada uno de los dos ensayos del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 es de 10 µl.
- Asegúrese de que se usa la versión correcta de protocolo de ensayo para la serie. Para obtener más información sobre la versión del protocolo actual, consulte el capítulo 16. Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS. Los protocolos de ensayo respectivos están codificados en los códigos de barras en 2D que se muestran allí. Para obtener más información sobre la importación del protocolo de ensayo y purificación en el AltoStar® Connect software, consulte las instrucciones de uso pertinentes.

PRECAUCIÓN



No use una versión del protocolo de ensayo distinta de la indicada en los códigos de barras 2D de estas instrucciones de uso. El uso de una versión incorrecta del protocolo de ensayo podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.3 Inicio de una serie de configuración de PCR

1. Seleccione **PCR Setup** → **Start PCR Setup** (configuración de PCR → iniciar configuración de PCR) en la barra de menú. De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio del AltoStar® Connect software y seleccione el botón **Start PCR Setup** (iniciar configuración de PCR). Se muestra la pantalla Start PCR Setup (iniciar configuración de PCR).

Las series de configuración de PCR pendientes se muestran en la tabla Programmed PCR Setup Runs (series de configuración de PCR programadas) en la parte izquierda de la pantalla.

2. Seleccione la serie de configuración de PCR que desea iniciar en la tabla Programmed PCR Setup Runs (series de configuración de PCR programadas).
 - Las muestras incluidas en la serie de configuración de PCR seleccionada se muestran en la tabla de la parte superior derecha de la pantalla [Samples in selected PCR Setup Run (muestras en la serie de configuración de PCR seleccionada)].
 - Los controles necesarios para la serie de configuración de PCR seleccionada se muestran en la tabla de la parte central derecha de la pantalla [Controls in selected PCR Setup Run (controles en la serie de configuración de PCR seleccionada)].
 - El número de tubos maestros necesarios para la serie de configuración de PCR seleccionada se muestra en la tabla de la parte inferior derecha de la pantalla [Required master tubes for the selected PCR Setup Run (tubos maestros necesarios para la serie de configuración de PCR seleccionada)].

NOTA



El n.º de muestras priorizadas en una serie de configuración de PCR se muestra en la columna **No. of prioritized Samples** (n.º de muestras priorizadas). Realice series de configuración de PCR con muestras priorizadas primero para facilitar un procesamiento más rápido de las muestras priorizadas.

Antes de hacer clic en el botón **Start Run** (iniciar serie) de la barra de herramientas, prepare los reactivos necesarios como se describe en el capítulo 7.6.3.1 Preparación de reactivos para una serie de configuración de PCR. Si la eluate plate (placa de eluidos) necesaria para la serie de configuración de PCR seleccionada se ha sellado para su almacenamiento, prepárela como se describe en las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.6.3.1 Preparación de reactivos para una serie de configuración de PCR

1. Descongele los controles y el número necesario de tubos maestros completamente a temperatura ambiente (máx. +30 °C).
2. Mezcle los reactivos aplicando un vortex suave.
3. Centrifugue los tubos brevemente para quitar las gotas de la tapa.

PRECAUCIÓN



La ausencia de centrifugación de los componentes del producto tras la descongelación podría provocar la contaminación con restos de reactivos en las tapas y podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.3.2 Carga del AltoStar® AM16 para una serie de configuración de PCR

Para obtener información más detallada sobre el proceso de carga, consulte las instrucciones de uso del AltoStar® AM16 y del AltoStar® Connect software.

1. Haga clic en el botón **Start Run** (iniciar serie) en la barra de herramientas de la pantalla Start PCR Setup Run (iniciar serie de configuración de PCR) para mostrar el cuadro de diálogo Loading (carga).

El cuadro de diálogo Loading (carga) se compone de una representación visual de la plataforma del AltoStar® AM16 sobre una tabla que especifica los portadores, los raíles respectivos en la plataforma del AltoStar® AM16 para cada portador, el material que debe cargarse en cada portador y comentarios sobre la carga de los portadores.

NOTA

Para visualizar la posición de un elemento en un portador y la posición del portador en la plataforma del AltoStar® AM16, seleccione la fila respectiva en la tabla del cuadro diálogo Loading (carga).



Se visualiza la posición del elemento y de su portador:

- Resaltada en rojo en la representación visual de la plataforma del instrumento.
- En el AltoStar® AM16, haciendo que parpadeen las luces de carga sobre los raíles en los que debe colocarse el portador seleccionado.

2. Cargue el material necesario, la eluate plate (placa de eluidos) preparada y los reactivos preparados en los portadores adecuados.
 - Únicamente cambie bastidores de puntas de 1000 µl **completamente vacíos** por bastidores de puntas de 1000 µl **completamente llenos** en el portador de puntas.
 - Únicamente cambie bastidores de puntas de 300 µl **completamente vacíos** por bastidores de puntas de 300 µl **completamente llenos** en el portador de puntas y placas.

NOTA

El intercambio de bastidores de puntas que no están completamente vacíos y la manipulación de puntas individuales puede interferir con la gestión automática de las puntas y provocar cancelaciones de las series.

- Coloque la eluate plate (placa de eluidos) necesaria con el pocillo A1 a la izquierda de la posición de la placa negra.
- Coloque una PCR plate (placa PCR) con el pocillo A1 a la izquierda de la posición de la placa frontal plateada.
- Cargue un portador de 24 tubos con un tubo de agrupación sin utilizar para cada ensayo en la serie de configuración de PCR.
- Empuje suavemente los tubos hasta la parte inferior del portador y gire los tubos hasta que los códigos de barras de los tubos se vean a través de la ventana del portador.
- Cargue el portador de 32 tubos de reactivo con los componentes del ensayo necesarios para la serie de configuración de PCR.

- Empuje suavemente los tubos hasta la parte inferior del portador y gire los tubos hasta que los códigos de barras de los tubos se vean a través de la ventana del portador.

NOTA



La posición de los tubos individuales en los portadores es arbitraria.

NOTA



El sistema no comprueba el volumen de los componentes cargados antes del procesamiento. Un volumen de componentes insuficiente impedirá la correcta configuración de PCR para el ensayo en cuestión.

NOTA



Iniciar una serie de configuración de PCR con las tapas aún puestas en los tubos podría provocar que la serie se cancelase durante el procesamiento.

3. Cargue los portadores con el código de barras del portador hacia la parte posterior mirando a la derecha.
4. Inserte los portadores rellenos en los raíles respectivos entre los bloques deslizantes delanteros y traseros de la bandeja de carga hasta que toquen los ganchos de parada en la parte alejada de la bandeja.

NOTA



Empujar los portadores más allá de los ganchos de parada puede dañar el instrumento e interferir con el proceso de carga.

5. Compruebe que la hoja de eyección de puntas y el contenedor de puntas desechadas estén en la posición correcta y que se haya colocado una nueva bolsa de desechos en el contenedor.
6. Haga clic en **OK** (aceptar) en el cuadro de diálogo Loading (carga) para continuar con el proceso de carga.

NOTA



Al hacer clic en **Cancel** (cancelar), se cancelará la serie de configuración de PCR, pero puede volver a iniciarse (consulte el capítulo 7.6.3 Inicio de una serie de configuración de PCR).

El AltoStar® AM16 introduce los portadores en el instrumento y realiza la verificación del código de barras.

NOTA



El AltoStar® AM16 verifica automáticamente:

- Tipo y localización correctos de los portadores cargados
- Identidad y posición correctas de los elementos cargados en los portadores
- Congruencia de lote de los componentes de los kits de ensayos AltoStar® individuales
- No caducidad de todos los componentes de ensayos AltoStar® cargados
- Posición correcta de la hoja de eyección de puntas

Si no se supera alguna de estas comprobaciones, se presenta al usuario un cuadro de diálogo de mensaje que especifica el problema en cuestión, con instrucciones para corregirlo adecuadamente. Para obtener más información sobre la gestión de errores, consulte las instrucciones de uso del AltoStar® Connect software.

NOTA



Alterar la posición de algún elemento cargado cuando el portador ya se ha introducido en el instrumento puede provocar la cancelación de la serie de configuración de PCR y/o daños en el instrumento.

Cuando se hayan superado todas las comprobaciones, se muestra el cuadro de diálogo Loading complete (carga completa).

7. Confirme el cuadro de diálogo Loading complete (carga completa) haciendo clic en **OK** (aceptar) o espere 10 segundos a que se produzca el inicio automático del proceso.

NOTA



Al hacer clic en **Cancel** (cancelar), se cancelará la serie de configuración de PCR, pero puede volver a iniciarse (consulte el capítulo 7.6.3 Inicio de una serie de configuración de PCR).

Se inicia la serie de configuración de PCR, que se realizará sin interacción del usuario.

7.6.3.3 Durante la serie de configuración de PCR

No se requiere más interacción del usuario hasta que finaliza la serie de configuración de PCR. Se abre la pantalla Processing Status (estado del procesamiento), que muestra el estado de la serie de configuración de PCR y una estimación del tiempo restante.

NOTA



Empujar los portadores o tirar de ellos o de la puerta del AltoStar® AM16 durante una serie de configuración de PCR podría anular la serie.

7.6.4 Fin de la serie de configuración de PCR

Al final de la serie de configuración de PCR, se muestra el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada).

1. Asegúrese de que la bandeja de carga está vacía.
2. Confirme el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada) haciendo clic en **OK** (aceptar).

El AltoStar® AM16 descargará los portadores. Asegúrese de no interponerse en el recorrido de los portadores que están descargándose.

Tras la descarga, se muestra el cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento).

3. Siga las instrucciones del cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento).

La tabla del cuadro de diálogo muestra el número de reacciones en los tubos maestros que no se han utilizado en la serie de configuración de PCR.

4. Si se va a iniciar inmediatamente otra serie de configuración de PCR que utiliza la eluate plate (placa de eluidos) cargada actualmente, la eluate plate (placa de eluidos) puede permanecer sin sellar en la posición del portador. Si **no** es el caso, selle y almacene la eluate plate (placa de eluidos). Para obtener más información, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

NOTA



Los eluidos de la eluate plate (placa de eluidos) son estables a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante un total de 4 horas tras completarse la serie de purificación.

5. Cierre los tubos de reactivo con los tapones de tubos adecuados sin usar.

PRECAUCIÓN



No reutilice los tapones de tubos para evitar la contaminación de los reactivos, ya que podría afectar al rendimiento del producto.

6. Almacene los reactivos para su reutilización como se describe en el capítulo 4.2 Manipulación.
7. Deseche los materiales utilizados (consulte el capítulo 10. Eliminación).
8. Confirme el cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento) haciendo clic en **OK** (aceptar).

7.6.4.1 Resultados de serie de configuración de PCR

Los resultados de serie de configuración de PCR se guardan en el AltoStar® Connect software.

1. Haga clic en **PCR Setup** → **PCR Setup Results** (configuración de PCR → resultados de configuración de PCR) en la barra de menú para acceder a la pantalla de resultados.

La pantalla Results (resultados) muestra una tabla con todas las muestras utilizadas en la última serie de configuración de PCR y una columna de **Status** (estado) a la derecha que indica si se ha realizado completamente el proceso de configuración de PCR para una muestra concreta (consulte la tabla 5).

Tabla 5: Resultados de serie de configuración de PCR

| Status (estado) | Resultado de serie de configuración de PCR |
|-----------------------|---|
| Processed (procesado) | <ul style="list-style-type: none"> • El eluido se ha procesado correctamente en la serie de configuración de PCR. • La mezcla de RT-PCR resultante está lista para su uso en una serie PCR. |
| Error (error) | <ul style="list-style-type: none"> • El eluido no se ha procesado correctamente. • La mezcla de RT-PCR respectiva se omitirá automáticamente en el siguiente análisis de PCR. |

2. Para ver los resultados de series de configuración de PCR anteriores, haga clic en el botón **Load** (cargar) de la barra de menú, seleccione la serie de configuración de PCR deseada en la lista del cuadro de diálogo Load Results (cargar resultados) que se abre y haga clic en **OK** (aceptar).

El AltoStar® Connect software genera automáticamente 3 archivos de resultado de serie de configuración de PCR:

- Un archivo LIMS (.xml) para transferir información detallada sobre la serie de configuración de PCR, incluidos los resultados de nuevo al LIMS
- Un informe (.pdf) que contiene información detallada sobre la serie de configuración de PCR, incluidos los resultados para fines de documentación
- Un archivo de ciclador (.plrn) para la programación automática del CFX96™ DW Dx

Estos archivos se guardan en la ubicación especificada en los System Settings (ajustes del sistema) del AltoStar® Connect software.

NOTA

Los archivos de resultado de serie de configuración de PCR pueden volver a generarse cargando la serie de configuración de PCR respectiva y haciendo clic en el botón **Create LIMS File** (crear archivo LIMS) para generar el archivo LIMS, en el botón **Create Report** (crear informe) para generar el informe o en el botón **Create Bio-Rad Cycler File** (crear archivo de ciclador Bio-Rad) para generar el archivo de ciclador.

7.6.5 Sellado de la PCR plate (placa PCR)

Tras completar la serie de configuración de PCR, la PCR plate (placa PCR) debe sellarse con una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR). Se recomienda usar el AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)] o el PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad). La idoneidad de los selladores de placas distintos a los recomendados debe evaluarla el usuario.

Si va a utilizar los selladores de placas recomendados, proceda de este modo:

1. Encienda el sellador de placas y asegúrese de que el adaptador de placas no está en el cajón.
2. Asegúrese de que los ajustes del sellador de placas son los siguientes:

Tabla 6: Ajustes del sellador de placas

| Sellador de placas | Configuración | |
|--|------------------|------------|
| | Temperatura [°C] | Tiempo [s] |
| AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)] | 170 | 2 |
| PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad) | 175 | 3 |

3. Espere a que se alcance la temperatura configurada. Esto puede tardar unos minutos.
4. Coloque la PCR plate (placa PCR) sobre el adaptador de placas del sellador de placas.
5. Coloque una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) en la PCR plate (placa PCR) de modo que se pueda leer la impresión «THIS SIDE UP» (este lado hacia arriba). Asegúrese de que todos los pocillos de la PCR plate (placa PCR) están cubiertos por la lámina y de que la escritura no oculte ninguno de ellos.

NOTA






Si se usa el sellador de placas sin el adaptador de placas colocado en el cajón, el sellador puede averiarse. En este caso, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics para conseguir asistencia (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

NOTA



Si la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) o el bastidor están mal colocados, la lámina podría quedarse pegada a la placa calentadora del interior del sellador de placas durante el sellado. Esto inutilizará el sellador. En este caso, o si se ha iniciado el paso de sellado sin la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR), deje que el sellador de placas se enfríe hasta alcanzar la temperatura ambiente y póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics para que le ayuden (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

6. Ensamble el bastidor de sellado en la parte superior para sujetar la lámina sellante.

7. Abra el cajón pulsando el botón **Operate** (operar)*/ **.
8. Coloque el ensamblaje que se compone del adaptador de placas, la PCR plate (placa PCR), la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) y el bastidor de sellado en el sellador de placas y pulse el botón **Operate** (operar)*/ **.
9. El cajón se cierra automáticamente, sella durante el tiempo configurado y se vuelve a abrir automáticamente.
10. Saque la PCR plate (placa PCR) sellada y el adaptador de placas del sellador de placas y cierre el sellador de placas pulsando el botón **Close** (cerrar)*/ **.

* AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)]

** PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad)

7.6.5.1 Estabilidad de la mezcla de PCR

Tras completarse la serie de configuración de PCR, la mezcla de RT-PCR de la PCR plate (placa PCR) sellada es estable a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante 30 minutos.

PRECAUCIÓN



No supere el tiempo de almacenamiento de la mezcla de PCR, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.6 Inicio de una serie PCR

La serie PCR se realiza en un CFX96™ DW Dx bajo el control del CFX Manager™ Dx software.

1. Encienda el CFX96™ DW Dx, el ordenador conectado y el monitor.
2. Inicie el CFX Manager™ Dx software.
3. En la barra de menú del CFX Manager™ Dx software, seleccione **File** → **Open** → **LIMS File...** (archivo → abrir → archivo LIMS...) para abrir el cuadro de diálogo Open LIMS File (abrir archivo LIMS).

4. En el cuadro de diálogo Open LIMS File (abrir archivo LIMS) que se abre, asegúrese de que el cursor está parpadeando en el campo **File name** (nombre de archivo) en la parte inferior. Si no es así, haga clic en el campo **File name** (nombre de archivo).
5. Escanee el código de barras de la PCR plate (placa PCR) con el escáner de código de barras de mano para seleccionar y abrir automáticamente el archivo LIMS correcto. Se muestra el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie).

NOTA



Todos los parámetros necesarios para el inicio de la serie PCR se transfieren automáticamente desde el AltoStar® Connect software al CFX96™ DW Dx mediante el archivo de ciclador.

6. Haga clic en el botón **Open Lid** (abrir tapa) en el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie) para abrir la tapa del CFX96™ DW Dx.
7. Centrifugue brevemente la PCR plate (placa PCR) sellada para asegurarse de que todo el líquido se quede en el fondo de los pocillos.
8. Inserte la PCR plate (placa PCR) sellada en el bloque calentador del CFX96™ DW Dx con el pocillo A1 a la izquierda.
9. Cierre el CFX96™ DW Dx haciendo clic en el botón **Close Lid** (cerrar tapa) en el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie).
10. Inicie la serie PCR haciendo clic en el botón **Start Run** (iniciar serie) en el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie).

7.6.6.1 Durante la serie PCR

No se requiere interacción del usuario hasta que finaliza la serie PCR. Se abre el cuadro de diálogo Run Details (detalles de la serie) que muestra el estado de la serie PCR y una estimación del tiempo restante.

NOTA



Abrir la tapa del CFX96™ DW Dx durante una serie PCR operando el botón de la parte frontal de la tapa o haciendo clic en **Open Lid** (abrir tapa) en el cuadro de diálogo Run Details (detalles de la serie) cancelará la serie y se invalidarán todos los resultados.

Al final de una serie PCR, se muestra la ventana Data Analysis (análisis de datos), la cual muestra las curvas de amplificación, la disposición de la placa y los resultados.

7.6.6.2 Asignación de ensayos a grupos de pocillos

El AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) procesa uno o varios ensayos PCR simultáneamente en una PCR plate (placa PCR). Sin embargo, el usuario debe analizar cada ensayo por separado conforme a las instrucciones de uso del ensayo respectivo. El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 consta de dos ensayos independientes [AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) y AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)]. Ambos ensayos se deben analizar en un grupo de pocillos separado.

Con este fin, el usuario debe asignar todos los ensayos de una PCR plate (placa PCR) a grupos de pocillos individuales en el CFX Manager™ Dx software.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en el botón **Plate Setup** (configuración de la placa) en la barra de herramientas y seleccione **View/Edit Plate** (ver/editar placa). Se muestra el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa) (consulte la figura 1).

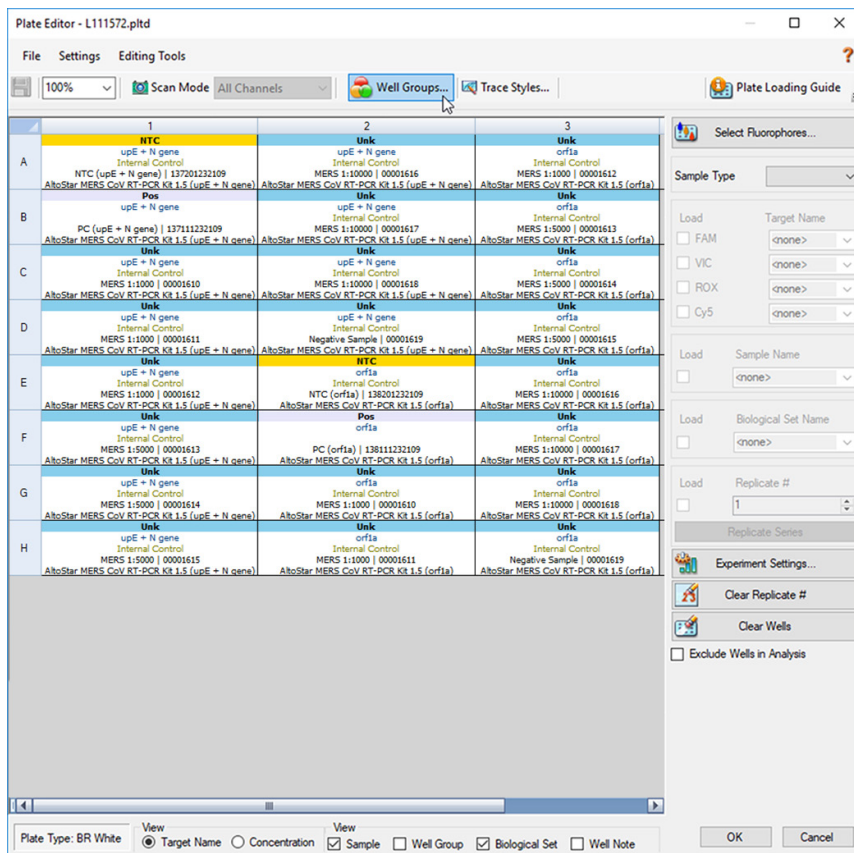


Figura 1: Cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa)

2. En el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa), haga clic en **Well Groups...** (grupos de pocillos...) en la barra de herramientas. Se muestra el cuadro de diálogo Well Groups Manager (gestor de grupos de pocillos) (consulte la figura 2).
3. Haga clic en el botón **Add** (añadir).

4. Escriba el nombre del primer ensayo (AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 upE + N gene respectivamente orf1a) en el cuadro de texto.
5. Seleccione todos los pocillos en el área de la PCR plate (placa PCR) que pertenezcan al primer ensayo (consulte la figura 2). Los pocillos que pertenecen a un ensayo individual pueden identificarse en el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa) mediante la entrada del campo **Biological Set** (conjunto biológico).

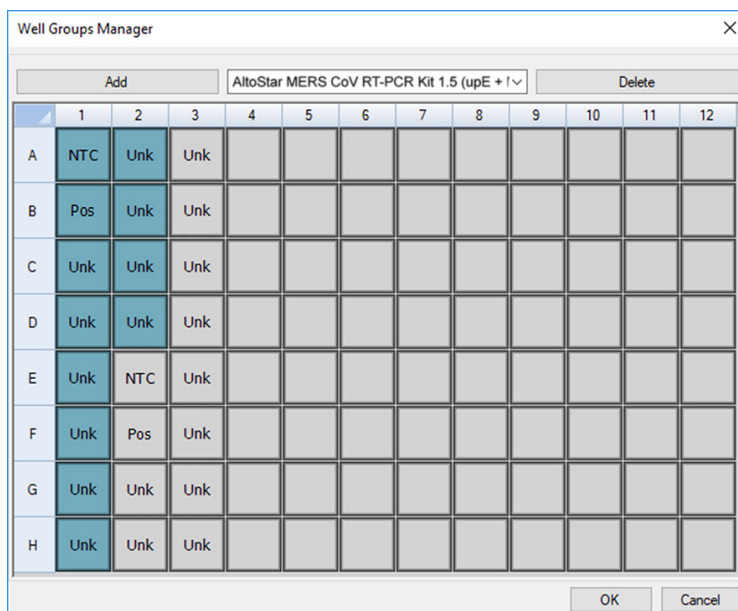


Figura 2: Cuadro de diálogo Well Groups Manager (gestor de grupos de pocillos)

6. Repita los pasos 3-5 para el segundo ensayo del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene respectivamente orf1a) y para todos los demás ensayos en la PCR plate (placa PCR).
7. Confirme la asignación de grupos de pocillos haciendo clic en **OK** (aceptar). Se cierra el cuadro de diálogo Well Groups Manager (gestor de grupos de pocillos).
8. Cierre el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa) haciendo clic en **OK** (aceptar).
9. Confirme para aplicar los cambios haciendo clic en **Yes** (sí).

7.6.7 Análisis de datos PCR

Los resultados de todos los ensayos (grupos de pocillos) en la PCR plate (placa PCR) deben analizarse en la secuencia que se indica en la figura 3.

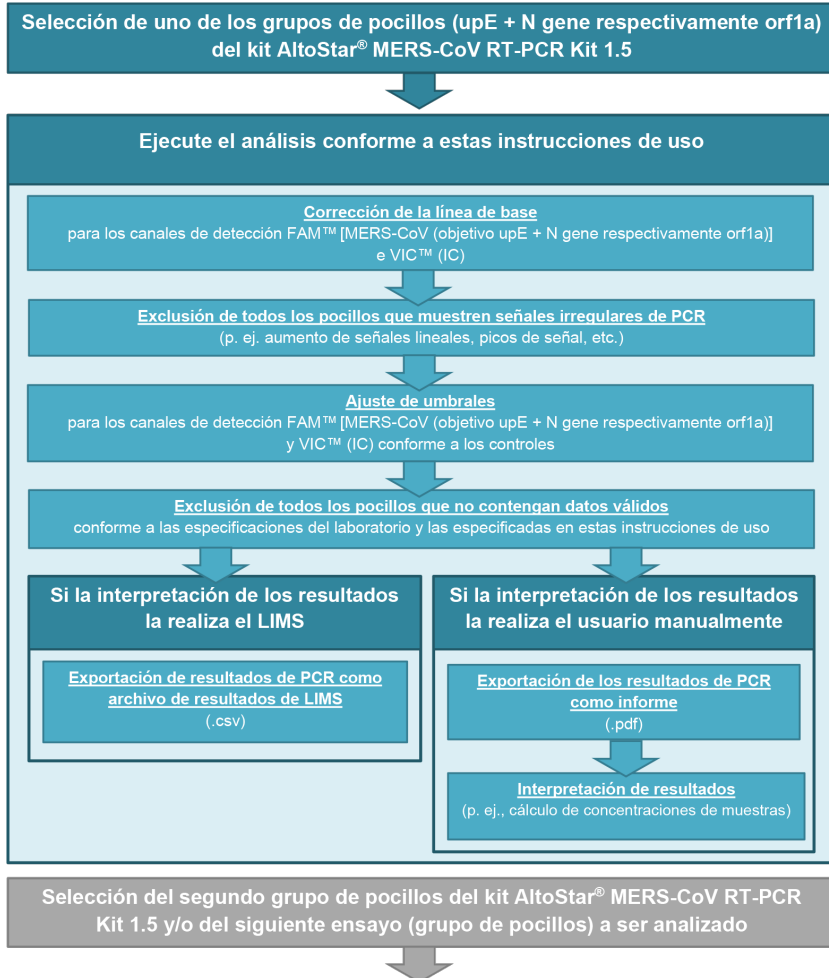


Figura 3: Proceso de análisis de datos PCR

En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el respectivo **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas. No utilice el **Well Group** (grupo de pocillos) «All Wells» (todos los pocillos). La selección de la figura 4 se usa como vista de ejemplo general.

Ambos ensayos de AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se deben analizar en un grupo de pocillos separado. Antes de analizar los resultados, asegúrese de que los grupos de pocillos [AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) y AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)] contienen todos los pocillos del ensayo respectivo AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 y ningún pocillo de otros ensayos.

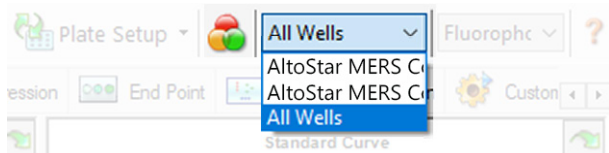


Figura 4: Botón Well Group (grupo de pocillos) y menú desplegable Well Group (grupo de pocillos)

NOTA



Los análisis combinados de más de un ensayo pueden arrojar resultados incorrectos.

PRECAUCIÓN



Como con cualquier test diagnóstico, los resultados se interpretarán teniendo en cuenta todos los hallazgos clínicos y de laboratorio.

7.6.7.1 Corrección de la línea de base

Es posible que sea necesario corregir los ajustes de línea de base utilizados por el CFX Manager™ Dx software para pocillos individuales del ensayo [**Well Group** (grupo de pocillos)] que se están analizando.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) marque únicamente la casilla de verificación **FAM** para el canal de detección del MERS-CoV objetivo.
3. En la barra de menú de la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en **Settings** → **Baseline Threshold...** (ajustes → umbral de línea de base...) para abrir el cuadro de diálogo Baseline Threshold (umbral de línea de base) (consulte la figura 5).
4. Haga clic una vez en el símbolo \diamond en el encabezado de columna **Baseline End** (final de línea de base) para ordenar la tabla por valores ascendentes de **Baseline End** (final de línea de base).

5. Seleccione todas las líneas que muestren un valor de **Baseline End** (final de línea de base) de 1 a 9 (consulte la figura 5).

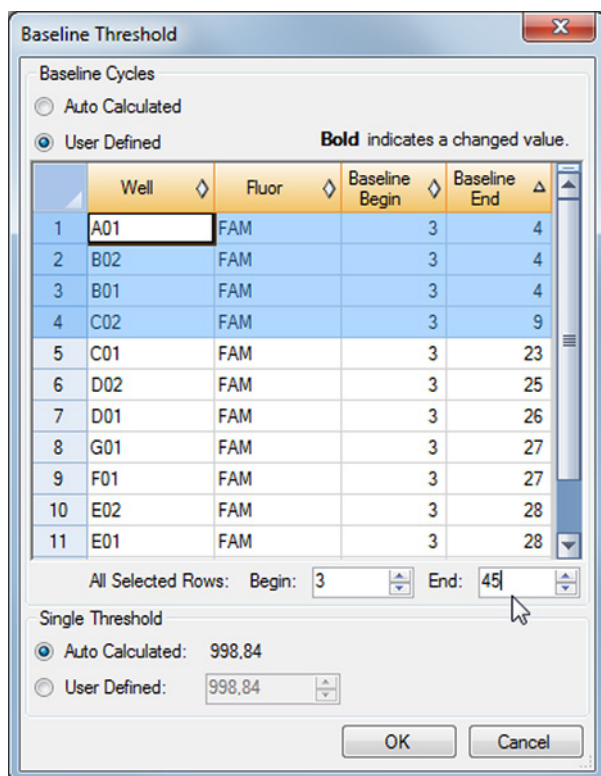


Figura 5: Cuadro de diálogo Baseline Threshold (umbral de línea de base)

6. Establezca el valor en el campo **End:** (final:) en 45 para las líneas seleccionadas (consulte la figura 5).
7. Confirme los ajustes haciendo clic en **OK** (aceptar).
8. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) quite la marca de la casilla de verificación **FAM** y marque únicamente la casilla **VIC** para el canal de detección de IC objetivo.
9. Repita los pasos del 3 al 7 para el canal de detección VIC™ (IC).

7.6.7.2 Exclusión de señales de PCR irregulares

Los resultados válidos solo pueden derivarse de señales de PCR que estén libres de artefactos de señales, que pueden ser provocados, por ejemplo, por impurezas o burbujas en la mezcla de RT-PCR. El usuario debe excluir las señales de PCR que contengan artefactos de señales.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.

2. Identifique pocillos con señales de PCR irregulares (aumento de señal lineal, picos de señal, etc.) en cualquiera de los canales de detección FAM™ [MERS-CoV (objetivo upE + N gene respectivamente orf1a)] y VIC™ (IC) (consulte la figura 6).

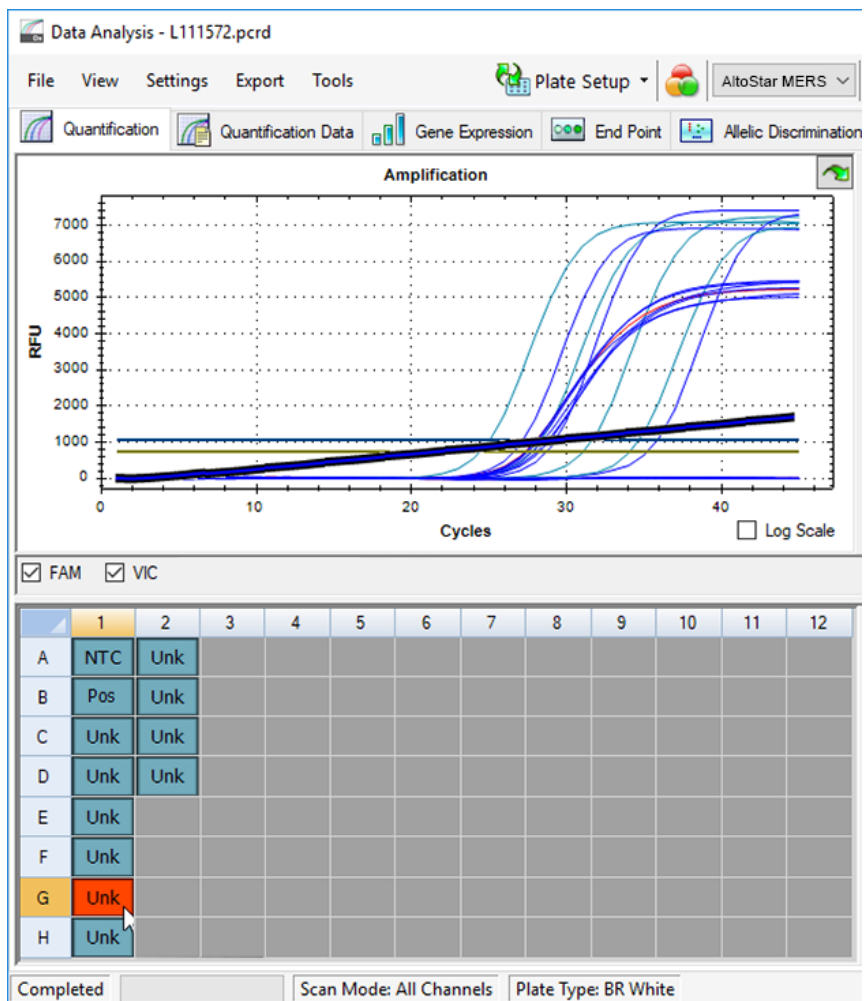


Figura 6: Ventana Data Analysis (análisis de datos): señal de PCR irregular

- Haga clic en cada pocillo afectado con el botón derecho del ratón y seleccione **Well...** → **Exclude from Analysis** (pocillo... → excluir del análisis) (consulte la figura 7).

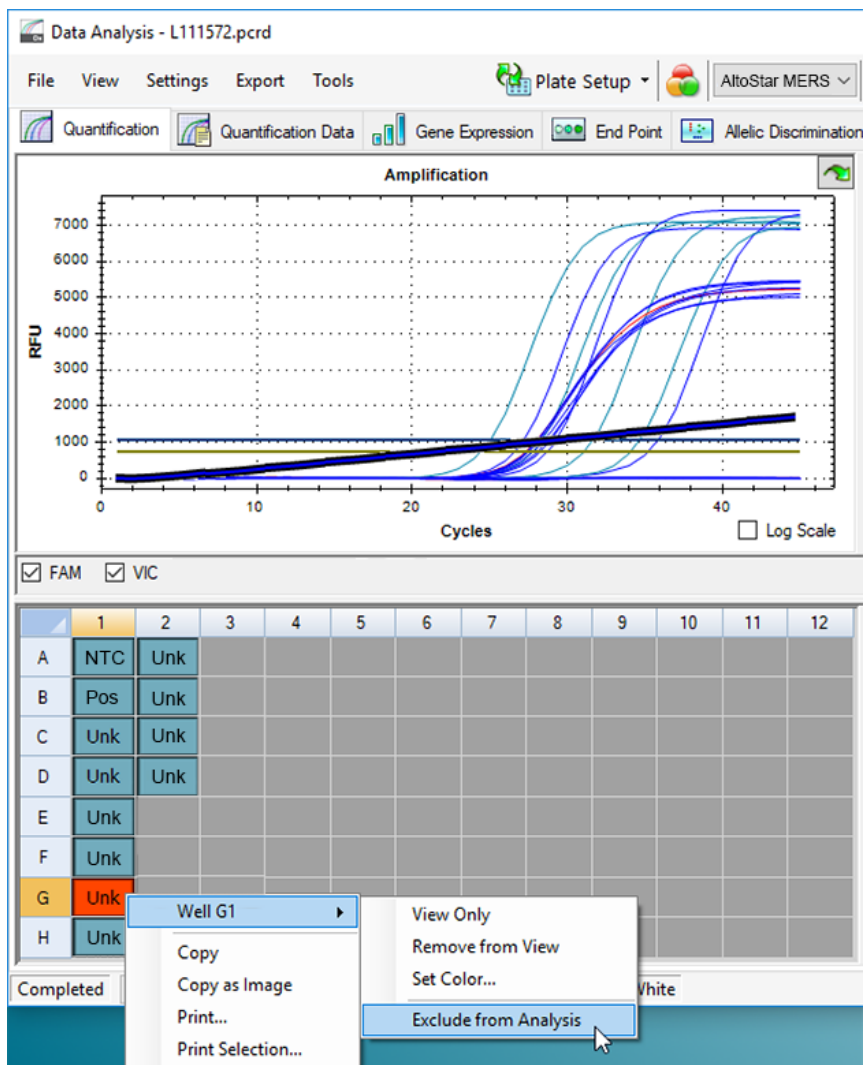


Figura 7: Ventana Data Analysis (análisis de datos): exclusión de un pocillo del análisis

4. El pocillo seleccionado se excluye del análisis. No se generarán resultados para este pocillo (consulte la figura 8).

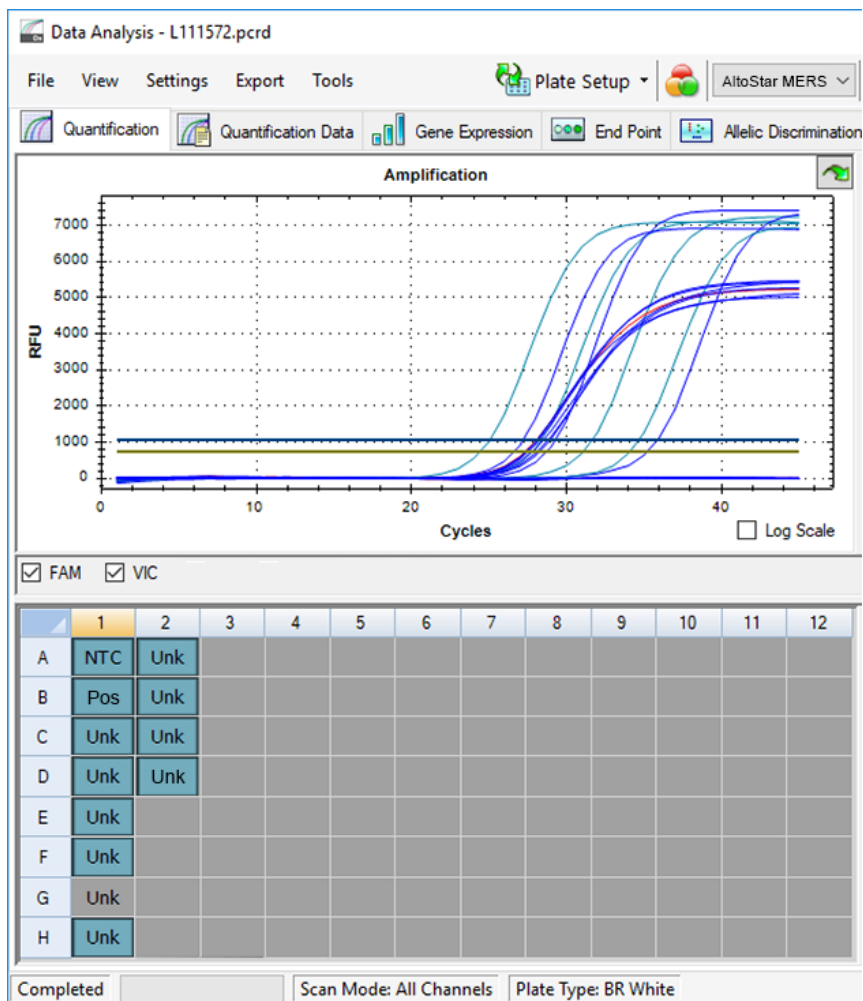


Figura 8: Ventana Data Analysis (análisis de datos): pocillo excluido

7.6.7.3 Ajuste de umbrales

Los umbrales para los canales de detección FAM™ [MERS-CoV (objetivo upE + N gene respectivamente orf1a)] y VIC™ (IC) debe ajustarlos manualmente el usuario conforme a las señales de los controles.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el respectivo **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.

- En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) marque únicamente la casilla de verificación **VIC** para el canal de detección del IC (consulte la figura 9).

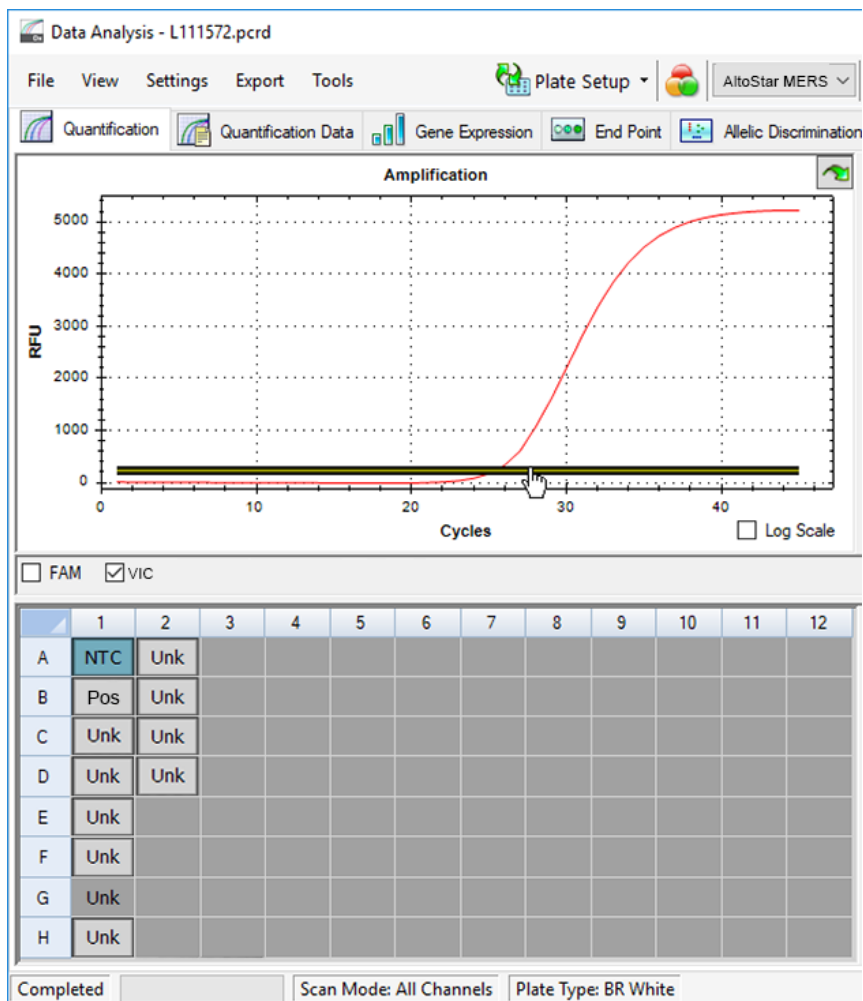


Figura 9: Ventana Data Analysis (análisis de datos): configuración del umbral VIC™

- Seleccione únicamente el pocillo de NTC en la vista de placa de la ventana Data Analysis (análisis de datos) (consulte la figura 9).

4. Arrastre el umbral hasta el área exponencial de la señal de NTC (consulte la figura 9).

NOTA



Los NTC contienen la plantilla del IC, que produce una señal de IC en un pocillo de NTC válido.

5. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) quite la marca de la casilla de verificación **VIC** y marque la casilla **FAM** para el canal de detección del MERS-CoV objetivo (consulte la figura 10).

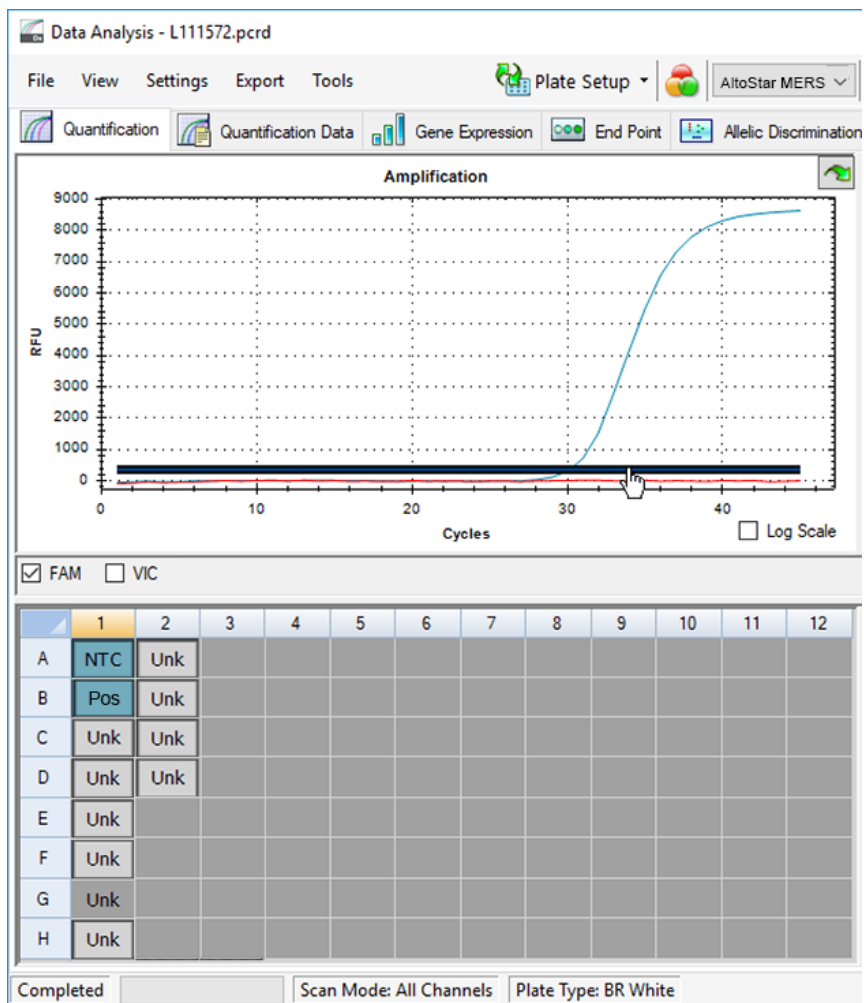


Figura 10: Ventana Data Analysis (análisis de datos): configuración del umbral FAM™

6. Seleccione únicamente los pocillos que contienen el NTC y el PC en la vista de placa de la ventana Data Analysis (análisis de datos) (consulte la figura 10).
7. Arrastre el pocillo de umbral por encima de la señal del NTC hacia el área exponencial de la señal de PC (consulte la figura 10).

7.6.8 Validez de los resultados de PCR

7.6.8.1 Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos

El usuario debe excluir los pocillos que no contienen datos válidos de la generación de resultados.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el respectivo **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. Identifique todos los pocillos que contengan datos no válidos. Un pocillo no es válido si existe cualquiera de las condiciones siguientes:
 - a) La serie completa no es válida (consulte el capítulo 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico).
 - b) Los datos de pocillos no cumplen las condiciones de control para un resultado válido (consulte el capítulo 7.6.8.3 Validez de los resultados para una muestra).

3. Haga clic en cada pocillo que contenga datos no válidos conforme a los capítulos que van desde el 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico hasta el 7.6.8.3 Validez de los resultados para una muestra con el botón derecho del ratón y seleccione **Well...** → **Exclude from Analysis** (pocillo... → excluir del análisis) (consulte las figuras 11 y 12).

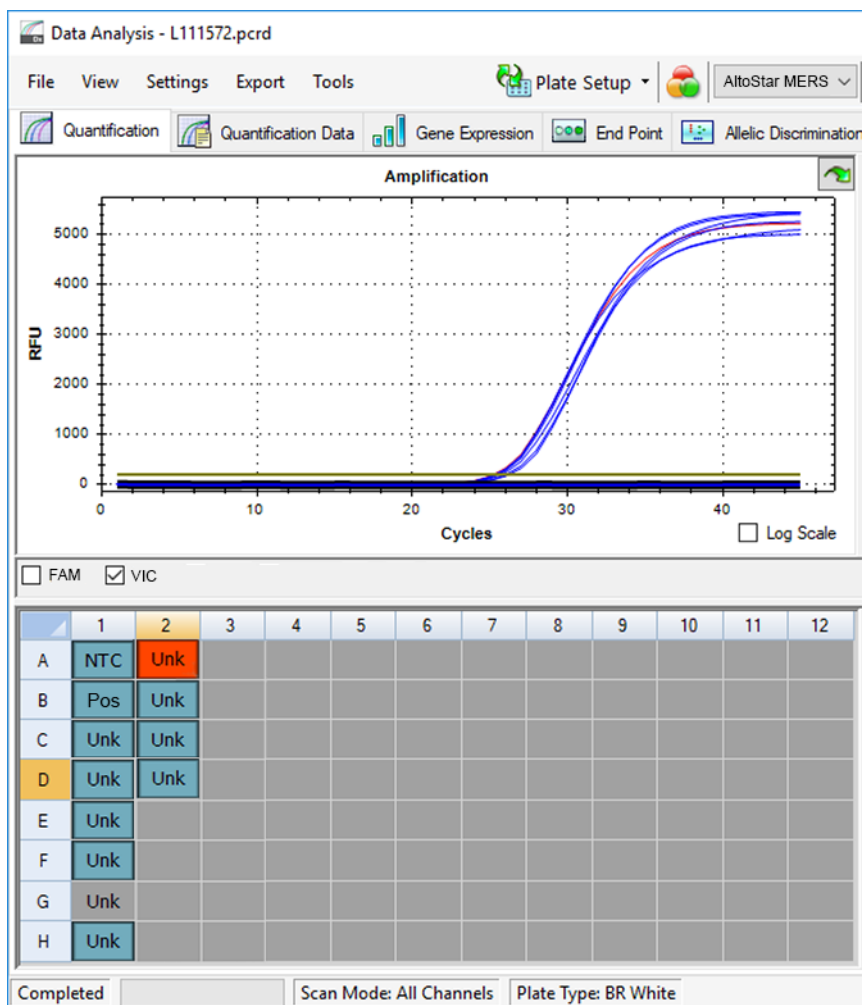


Figura 11: Ventana Data Analysis (análisis de datos): pocillo no válido

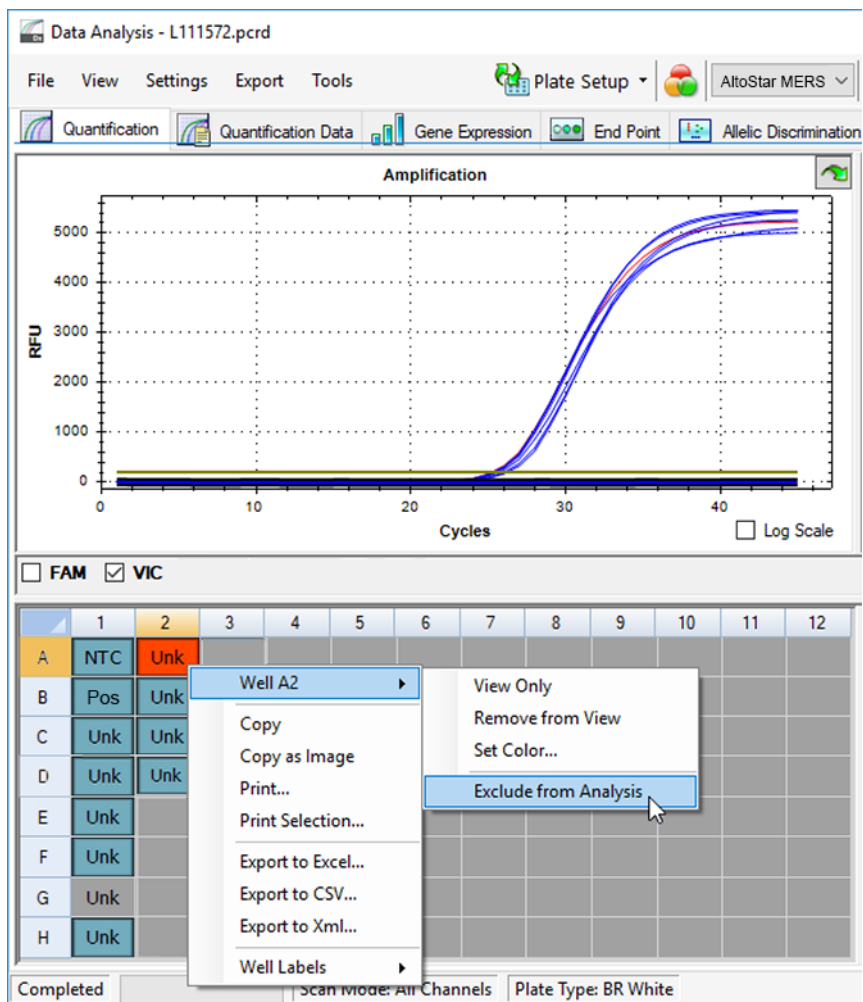


Figura 12: Ventana Data Analysis (análisis de datos): exclusión de un pocillo no válido del análisis

El pocillo seleccionado se excluye del análisis. No se generarán resultados para este pocillo.

7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico

Una serie PCR diagnóstica es **válida** si se cumplen las siguientes condiciones de control:

Tabla 7: Condiciones de control para una serie PCR válida

| Control | Canal de detección | | | |
|--|-----------------------------------|--------------|---------------------------------|--------------|
| | Ensayo específico de upE + N gene | | Ensayo específico del gen orf1a | |
| | FAM™ (MERS-CoV objetivo) | VIC™ (IC) | FAM™ (MERS-CoV objetivo) | VIC™ (IC) |
| PC (upE + N gene respectivamente orf1a) | + | No aplicable | + | No aplicable |
| NTC (upE + N gene respectivamente orf1a) | - | + | - | + |

Una serie PCR de diagnóstico **no es válida** si:

- No se ha completado la serie.
- No se cumple alguna de las condiciones de control para una serie PCR de diagnóstico válida.

En caso de serie PCR de diagnóstico no válida, excluya todos los pocillos del análisis y repita la AltoStar® run (serie) empezando por las muestras originales.

7.6.8.3 Validez de los resultados para una muestra

El resultado de una muestra individual **no es válido** si las señales tanto del canal de detección VIC™ (IC) como del canal de detección FAM™ [MERS-CoV (objetivo upE + N gene) y MERS-CoV (gen orf1a objetivo)] son negativas (consulte la tabla 8). En caso de resultado no válido para una muestra, excluya el pocillo del análisis y repita los tests desde la muestra original o recoja y pruebe una nueva muestra.

Tabla 8: Validez del resultado

| Canal de detección | | | | Validez del resultado |
|-----------------------------------|------|---------------------------------|------|----------------------------|
| Ensayo específico de upE + N gene | | Ensayo específico del gen orf1a | | |
| FAM™ | VIC™ | FAM™ | VIC™ | |
| + | +* | + | +* | Resultado válido |
| + | +* | - | + | Resultado válido** |
| - | + | + | +* | Resultado válido** |
| - | + | - | + | Resultado válido |
| - | - | - | - | Resultado no válido |

* La detección del IC no es necesaria cuando se detecta el objetivo upE + N gene o orf1a. Una elevada carga de ARN de MERS-CoV en la muestra puede generar una señal reducida o ausente del IC.

**El resultado general solo es válido si el IC se detecta en ambos ensayos, gen upE + N y gen orf1a. Si el IC no se detecta en ambos ensayos, el resultado es inválido y la muestra se debe analizar de nuevo con el ensayo que no detectó el IC.

7.6.9 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados automatizada

Para que los resultados de la serie PCR estén disponibles para que un LIMS (por sus siglas en inglés) conectado para la interpretación de resultados automatizada, deben exportarse en forma de archivo de resultados de LIMS (.csv).

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. Asegúrese de que se hayan completado todos los pasos del proceso de análisis (consulte los capítulos que van del 7.6.7.1 Corrección de la línea de base hasta el 7.6.8.1 Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos) para el grupo de pocillos del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5.

3. En la barra de menú de la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en **Export** → **Export All Data Sheets** (exportar → exportar todas las hojas de datos) para abrir el cuadro de diálogo Browse For Folder (buscar carpeta).
4. En el cuadro de diálogo Browse For Folder (buscar carpeta), especifique la ubicación para los archivos de resultados de LIMS que se van a generar y haga clic en **OK** (aceptar).

NOTA

La integración de LIMS debe implementarse de conformidad con las especificaciones de Altona Diagnostics. Para obtener más información sobre la integración de LIMS, consulte el capítulo 16. Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS y/o contacte con el soporte técnico de Altona Diagnostics (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

NOTA

Si se guardan los resultados de más de un ensayo (grupo de pocillos) de una serie PCR en la misma carpeta, se sustituyen los archivos de resultados de LIMS del primer ensayo (grupo de pocillos) por los archivos de resultados de LIMS del segundo ensayo (grupo de pocillos). En este caso, los archivos de resultados de LIMS del primer ensayo (grupo de pocillos) pueden volver a exportarse.

7.6.10 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual

Si los resultados no se transfieren a un LIMS para la interpretación de resultados automatizada, la interpretación de resultados debe realizarla manualmente el usuario. Con ese fin, los resultados de análisis de cada ensayo (grupo de pocillos) deben exportarse en forma de informe.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el respectivo **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos), marque la casilla de verificación **VIC** y la casilla de verificación **FAM**.

3. Asegúrese de que se hayan completado todos los pasos del proceso de análisis (consulte los capítulos que van del 7.6.7.1 Corrección de la línea de base hasta el 7.6.8.1 Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos) para el grupo de pocillos del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5.
4. En la barra de menú de la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en **Tools** → **Reports...** (herramientas → informes...) para abrir el cuadro de diálogo Report (informe).
5. Asegúrese de que se seleccione al menos el siguiente contenido para la generación de informes en la parte superior izquierda del cuadro de diálogo Report (informe) (consulte la figura 13):

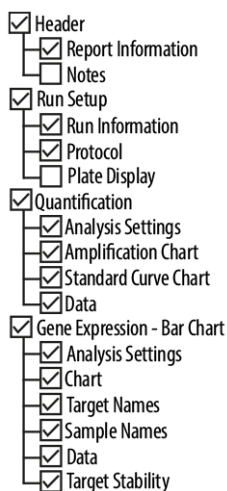


Figura 13: Cuadro de diálogo Report (informe)

6. Seleccione o anule la selección del contenido adicional del informe marcando las casillas de verificación respectivas como proceda.
7. En la barra de menú del cuadro de diálogo Report (informe), haga clic en **File** → **Save As...** (archivo → guardar como...) para abrir el cuadro de diálogo Save Report (guardar informe).
8. En el cuadro de diálogo Save Report (guardar informe), especifique el nombre y la ubicación para el archivo de informe que se va a generar y haga clic en **Save** (guardar).

7.6.10.1 Interpretación manual de los resultados

1. Abra el archivo de informe generado para el respectivo grupo de pocillos del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (consulte el capítulo 7.6.10 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual).
2. Consulte la tabla Quantification Data (datos de cuantificación) en el informe (consulte la figura 14). La tabla incluye 2 filas para cada **Sample** (muestra): una para el **Target** (objetivo) *MERS-CoV upE + N gene* respectivamente *orf1a* y una para el **Target** (objetivo) *Internal Control* (control interno).

Quantification Data

| Well/Floor | Target | Content | Sample | Biological Set Name | Cq | Cq Mean | Cq Std. Dev | Well Note |
|------------|--------|------------------|----------|-----------------------------------|---|---------|-------------|-------------------|
| A01 | FAM | upE + N gene | NTC | NTC (upE + N gene) 137201232109 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 |
| A02 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 7 00000007 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| B01 | FAM | upE + N gene | Pos Ctrl | PC (upE + N gene) 137111232109 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 |
| B02 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 8 00000008 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| C01 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 1 00000001 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| C02 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 9 00000009 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| D01 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 2 00000002 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| D02 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 10 00000010 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 1.90 | 1.90 | 0.000 qualitative |
| E01 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 3 00000003 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| F01 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 4 00000004 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| G01 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 5 00000005 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| H01 | FAM | upE + N gene | Unkn | Sample 6 00000006 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | N/A | 0.00 | 0.000 qualitative |
| A01 | VIC | Internal Control | NTC | NTC (upE + N gene) 137201232109 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 29.70 | 29.70 | 0.000 |
| A02 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 7 00000007 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 30.78 | 30.78 | 0.000 qualitative |
| B02 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 8 00000008 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 29.89 | 29.89 | 0.000 qualitative |
| C01 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 1 00000001 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 34.85 | 34.85 | 0.000 qualitative |
| C02 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 9 00000009 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 29.90 | 29.90 | 0.000 qualitative |
| D01 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 2 00000002 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 34.54 | 34.54 | 0.000 qualitative |
| D02 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 10 00000010 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 30.11 | 30.11 | 0.000 qualitative |
| E01 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 3 00000003 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 34.78 | 34.78 | 0.000 qualitative |
| F01 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 4 00000004 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 32.12 | 32.12 | 0.000 qualitative |
| G01 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 5 00000005 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 31.84 | 31.84 | 0.000 qualitative |
| H01 | VIC | Internal Control | Unkn | Sample 6 00000006 | AltoStar MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | 31.23 | 31.23 | 0.000 qualitative |

Figura 14: Informe: Datos de cuantificación

Los resultados cualitativos se marcan con el término *qualitative* (cualitativo) en la columna **Well Note** (nota de pocillo) de la tabla Quantification Data (datos de cuantificación).

3. Identifique cada fila con el **Target** (objetivo) *MERS-CoV upE + N gene* respectivamente *orf1a* y el término *qualitative* (cualitativo) en la columna **Well Note** (nota de pocillo).
4. En estas filas, consulte la columna **C_q** para el resultado de la respectiva **Sample** (muestra). [Tenga en cuenta que el término elegido **C_q** es equivalente a la designación de **C_t**, la cual podrían usar otros cicladores distintos del CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)].
5. Consulte la tabla 9 para ver la interpretación de los resultados.

Tabla 9: Interpretación del resultado

| Ciclo de umbral (C_q) del MERS-CoV objetivo | Interpretación del resultado |
|---|---|
| 1-45 | Se ha detectado ARN específico de MERS-CoV. |
| N/A | No se ha detectado ARN específico de MERS-CoV. La muestra no contiene cantidades detectables de ARN específico de MERS-CoV. |

8. Uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con otros instrumentos PCR en tiempo real que no sean el CFX96™ Deep Well Dx System

Además del CFX96™ DW Dx, el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se ha validado con otros instrumentos de PCR en tiempo real (consulte el capítulo 5.3.2.2 Instrumentos de PCR en tiempo real). Los siguientes capítulos 8.1 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados y 8.2 Procedimiento describen cómo usar el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con estos instrumentos.

8.1 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados

Se requieren los siguientes instrumentos y materiales:

- Materiales y dispositivos generales (consulte el capítulo 7.5 Material y dispositivos generales)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)
 - PCR plates (placas PCR) de 96 pocillos y lámina sellante (para obtener más información, consulte la tabla 2)
- CFX96™ Dx System (Bio-Rad)
 - PCR plates (placas PCR) de 96 pocillos y lámina sellante (para obtener más información, consulte la tabla 2)

- Rotor-Gene® Q5/6 plex Platform (QIAGEN)
 - Tiras de tubos y tapas de 0,1 ml [STRIP Tubes 0.1 ml for Rotor-Gene® cyclers (LTF Labortechnik) o equivalente]
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System y ABI Prism® 7500 SDS (Applied Biosystems)
 - PCR plates (placas PCR) de 96 pocillos y lámina sellante [MicroAmp™ Optical 96-Well Reaction Plate and MicroAmp™ Optical Adhesive Film (Applied Biosystems) o equivalente]
- LightCycler® 480 Instrument II (Roche)
 - PCR plate (placa PCR) de 96 pocillos y lámina sellante [LightCycler® 480 Multiwell Plate 96, blanco y LightCycler® 480 Sealing Foil (Roche) o equivalente]

NOTA



No se recomienda usar otros materiales o dispositivos distintos de los especificados en estas instrucciones de uso.

8.2 Procedimiento

8.2.1 Preparación de las muestras

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se validó utilizando el AltoStar® AM16 en combinación con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

También pueden resultar adecuados sistemas alternativos de extracción de ácido nucleico. La idoneidad del procedimiento de extracción de ácido nucleico para su uso con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 debe validarla el usuario.

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 debe usarse con un IC heterólogo [AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)], que sirve para controlar el procedimiento de preparación de las muestras (extracción de ácido nucleico) y la posterior PCR.

- Si se usan otros métodos para la extracción de ácido nucleico distintos del AltoStar® AM16 en combinación con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el IC se debe añadir durante el paso de lisis del procedimiento de extracción de ácido nucleico.
- El IC debe añadirse siempre a la mezcla de muestra o tampón de lisis.
- El volumen del IC que debe añadirse dependerá siempre y únicamente del volumen de la elución. Representa el 50 % del volumen de la elución. Por ejemplo, si se va a eluir el ácido nucleico en 60 µl de tampón de elución o agua, deberán añadirse 30 µl de IC por muestra a la mezcla de muestra o tampón de lisis.

PRECAUCIÓN



El almacenamiento de eluidos en condiciones incorrectas puede provocar la degradación de la secuencia objetivo de MERS-CoV y podría afectar al rendimiento del producto.

8.2.2 Configuración de master mix

Todos los componentes del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 y las muestras deben descongelarse del todo, mezclarse (pipeteando o aplicando un vortex suave) y centrifugarse brevemente antes de su uso. Configure la master mix conforme al siguiente esquema de pipeteo:

Tabla 10: Esquema de pipeteo (configuración de master mix)

| Número de reacciones (rxns) | 1 | 12 |
|------------------------------|--------------|---------------|
| Master A | 5 µl | 60 µl |
| Master B | 15 µl | 180 µl |
| Volumen de master mix | 20 µl | 240 µl |

PRECAUCIÓN



No use volúmenes de Master A y Master B para la configuración de master mix distintos de los especificados en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN

La ausencia de centrifugación de los componentes del producto tras la descongelación podría provocar la contaminación con restos de reactivos en las tapas y podría afectar al rendimiento del producto.

8.2.3 Configuración de reacción

1. Pipetee 20 μ l de la master mix en cada pocillo necesario de una PCR plate (placa PCR) óptica de 96 pocillos o un tubo de reacción óptica adecuado.
2. Añada 10 μ l de la muestra (eluido de la extracción de ácido nucleico) o 10 μ l de los controles (PC o NTC).

Tabla 11: Esquema de pipeteo (configuración de reacción)

| Configuración de reacción | |
|---------------------------|-----------------------------|
| Master mix | 20 μ l |
| Muestra o control | 10 μ l |
| Volumen total | 30 μl |

3. Asegúrese de que se usa al menos 1 PC y que se usa 1 NTC por serie.
4. Mezcle a fondo las muestras y los controles con la master mix pipeteando hacia arriba y hacia abajo.
5. Cierre la PCR plate (placa PCR) de 96 pocillos con una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) y los tubos de reacción con las tapas apropiadas (consulte el capítulo 8.1 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados).
6. Centrifugue la PCR plate (placa PCR) de 96 pocillos en una centrífuga con un rotor de placa de microtítulos durante 30 segundos a aproximadamente 1000 x g (~3000 rpm).

Tras completarse la configuración de PCR, la mezcla de PCR es estable a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante 30 minutos.

PRECAUCIÓN

No supere el tiempo de almacenamiento de la mezcla de PCR, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN

No mezcle muestras ni ID de muestras durante la configuración de PCR o la transferencia al instrumento PCR. Esto podría provocar resultados con falsos positivos o falsos negativos debido a una asignación de muestras incorrecta.

8.2.4 Serie PCR**8.2.4.1 Programación del instrumento de PCR en tiempo real**

Para ver información básica en relación con la configuración y la programación de los diferentes instrumentos de PCR en tiempo real, consulte las instrucciones de uso del instrumento en cuestión.

Para ver instrucciones de programación detalladas sobre el uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 en instrumentos específicos de PCR en tiempo real, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics (ver capítulo 12. Soporte técnico).

8.2.4.2 Configuración de la serie

Defina la siguiente configuración básica:

Tabla 12: Configuración de la serie

| Configuración | |
|---------------------|----------------|
| Volumen de reacción | 30 µl |
| Índice de aumento | Predeterminado |
| Referencia pasiva* | ROX™ |

* Si procede

Defina los siguientes detectores de fluorescencia (colorantes):

Tabla 13: Detectores de fluorescencia AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene)

| Objetivo | Nombre del detector | Marcador | Amortiguador de la fluorescencia |
|------------------------------------|---------------------|----------|----------------------------------|
| MERS-CoV | upE + N gene | FAM™ | (Ninguno) |
| Internal control (control interno) | Internal Control | JOE™ | (Ninguno) |

Tabla 14: Detectores de fluorescencia kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)

| Objetivo | Nombre del detector | Marcador | Amortiguador de la fluorescencia |
|------------------------------------|---------------------|----------|----------------------------------|
| MERS-CoV | orf1a | FAM™ | (Ninguno) |
| Internal control (control interno) | Internal Control | JOE™ | (Ninguno) |

Defina el siguiente perfil de temperatura y la detección de fluorescencia:

Tabla 15: Perfil de temperatura y detección de fluorescencia

| | Fase | Repeti- ciones de ciclo | Obtención | Temperatura [°C] | Tiempo [min:s] |
|--------------------------|-----------|-------------------------------|-----------|---------------------|-------------------|
| Transcripción inversa | Retención | 1 | - | 55 | 20:00 |
| Desnaturalización | Retención | 1 | - | 95 | 2:00 |
| Amplificación | Ciclo | 45 | - | 95 | 0:15 |
| | | | Sí | 55 | 0:45 |
| | | | - | 72 | 0:15 |

PRECAUCIÓN



No use otras condiciones de ciclo distintas de las especificadas en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

8.2.5 Análisis de datos

Para ver información básica en relación con el análisis de datos en instrumentos específicos de PCR en tiempo real, consulte las instrucciones de uso del instrumento en cuestión.

Para ver instrucciones detalladas sobre el análisis de los datos generados con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 en diferentes instrumentos específicos de PCR en tiempo real, póngase en contacto el soporte técnico de Altona Diagnostics (ver capítulo 12. Soporte técnico).

Los criterios para la validez de las series PCR de diagnóstico y la interpretación de los resultados, independientemente del instrumento PCR en tiempo real, se describen en los capítulos 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico y 7.6.8.3 Validez de los resultados para una muestra, capítulo 7.6.10.1 Interpretación manual de los resultados y la tabla 9.

PRECAUCIÓN



No use otra configuración de control para el análisis de datos que no sea la especificada en estas instrucciones de uso, ya que esto podría provocar unos resultados de examen IVD incorrectos.

PRECAUCIÓN



Como con cualquier test diagnóstico, los resultados se interpretarán teniendo en cuenta todos los hallazgos clínicos y de laboratorio.

9. Datos de rendimiento

El rendimiento del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se evaluó usando material disponible comercialmente de MERS-CoV.

9.1 Hisopos nasofaríngeos

9.1.1 Sensibilidad analítica

Para la determinación del límite de detección (LoD), se generó una serie de dilución del material disponible comercialmente de MERS-CoV en medio de transporte universal (UTM®, Copan) que contenía matriz nasal simulada [5 % p/v de mucina, 5 % v/v de sangre, 0,8 % v/v de NaCl (95 % de suero salino) y 0,00002 % p/v de ADN genómico humano (entrega de 510k para el ensayo BD MAX™ MRSA XT; número de entrada: K133605)] desde 1,00E+04 copias/ml hasta 1,00E+00 copias/ml.

Cada dilución se probó en 8 réplicas en 3 series diferentes (total n = 24 por dilución) usando combinaciones de:

- 3 lotes del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5
- 3 lotes del kit AltoStar® Purification Kit 1.5
- 3 lotes del AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)
- 3 instrumentos AltoStar® AM16
- 3 instrumentos CFX96™ DW Dx

Los datos de todas las series se combinaron y se realizó un análisis de probit para determinar el valor de LoD del 95 %.

Tabla 16: Resultados de PCR utilizados para calcular la sensibilidad analítica del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene)

| Concentración [copias/ml] | N [total] | N [positivo] | Índice de éxito [%] |
|---------------------------|-----------|--------------|---------------------|
| 1,00E+04 | 24 | 24 | 100 |
| 3,16E+03 | 24 | 24 | 100 |
| 1,00E+03 | 24 | 24 | 100 |
| 3,16E+02 | 23* | 23 | 100 |
| 1,00E+02 | 24 | 24 | 100 |
| 3,16E+01 | 24 | 17 | 71 |
| 1,00E+01 | 24 | 6 | 25 |
| 3,16E+00 | 24 | 1 | 4 |
| 1,00E+00 | 24 | 0 | 0 |

* Una muestra no se procesó.

El LoD del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) para la detección de MERS-CoV en UTM® es de 72,9 copias/ml (intervalo de confianza del 95 %: 47,4-152 copias/ml).

Tabla 17: Resultados de PCR utilizados para calcular la sensibilidad analítica del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)

| Concentración [copias/ml] | N [total] | N [positivo] | Índice de éxito [%] |
|---------------------------|-----------|--------------|---------------------|
| 1,00E+04 | 24 | 24 | 100 |
| 3,16E+03 | 24 | 24 | 100 |
| 1,00E+03 | 24 | 24 | 100 |
| 3,16E+02 | 23* | 23 | 100 |
| 1,00E+02 | 24 | 18 | 75 |
| 3,16E+01 | 24 | 10 | 42 |
| 1,00E+01 | 24 | 5 | 21 |
| 3,16E+00 | 24 | 1 | 4 |
| 1,00E+00 | 24 | 1 | 4 |

* Una muestra no se procesó.

El LoD del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) para la detección de MERS-CoV en UTM® es de 332 copias/ml (intervalo de confianza del 95 %: 186-805 copias/ml).

9.1.2 Especificidad analítica

La especificidad analítica del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se garantiza mediante la selección exhaustiva de los oligonucleótidos (cebadores y sondas). Los oligonucleótidos se comprobaron mediante un análisis de comparación con secuencias disponibles públicamente para asegurar que se detectarán todas las cepas relevantes de MERS-CoV.

Para la verificación de la especificidad analítica del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se realizaron los siguientes experimentos (consulte los capítulos desde el 9.1.2.1 Muestras negativas hasta el 9.1.2.3 Reactividad cruzada).

9.1.2.1 Muestras negativas

Se analizaron 32 muestras de hisopos nasofaríngeos negativas en MERS-CoV de donantes individuales con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5. Todas las muestras (32 de 32) dieron negativo para el ARN específico de MERS-CoV y positivo para el IC. La especificidad analítica del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 para muestras de hisopos nasofaríngeos es de ≥ 95 %.

9.1.2.2 Sustancias interferentes

Para evaluar la influencia de las sustancias endógenas y exógenas potencialmente interferentes en el rendimiento del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se añadieron las sustancias seleccionadas a la UTM® que contenía MERS-CoV en una concentración final de 3 x LoD ($9,96E+02$ copias/ml) y a UTM® que no contenía MERS-CoV.

Los resultados obtenidos para las muestras que contenían sustancias potencialmente interferentes se compararon con los resultados generados para UTM® que no se enriquecieron con interferentes. Cada muestra se procesó en 3 réplicas.

No se observó interferencia para las muestras que contenían niveles elevados de:

- Sustancias endógenas
 - ADN genómico humano
 - Sangre entera humana
 - Mucina
- Sustancias exógenas
 - Spray nasal antialérgico (con dipropionato de beclometasona)
 - Spray descongestionador nasal (con hidrocloreuro de xilometazolina y dexpanthenol)

PRECAUCIÓN

La presencia de inhibidores de PCR podría provocar falsos negativos o resultados no válidos.

9.1.2.3 Reactividad cruzada

Se evaluó la especificidad analítica del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 con respecto a la reactividad cruzada con otros patógenos distintos de MERS-CoV mediante análisis:

- Patógenos relacionados con MERS-CoV
- Patógenos que provocan síntomas similares a una infección por MERS-CoV

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 no mostró reacciones cruzadas con ninguno de los siguientes patógenos:

- Adenovirus
- *Bordetella pertussis*
- *Chlamydia pneumoniae*
- *Haemophilus influenzae*
- Coronavirus humano 229E
- Coronavirus humano NL63
- Coronavirus humano OC43
- Metapneumovirus humano (MPVh)
- Virus de la gripe A
- Virus de la gripe B
- *Klebsiella pneumoniae*
- *Legionella pneumophila*
- *Mycobacterium tuberculosis*
- *Mycoplasma pneumoniae*
- Virus parainfluenza 1-4
- Virus sincitial respiratorio A
- Virus sincitial respiratorio B
- Rinovirus
- SARS-CoV- 2
- *Streptococcus pneumoniae*
- *Streptococcus pyogenes*

PRECAUCIÓN

Si la muestra contiene otros patógenos distintos de MERS-CoV, puede darse competencia con la amplificación objetivo o reactividades cruzadas, lo que provocaría unos resultados de examen IVD incorrectos.

9.1.3 Precisión

Se evaluó la precisión del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 usando un panel compuesto por:

- 1 muestra positiva con carga viral alta de MERS-CoV [50 x LoD (1,66E+04 copias/ml)] en UTM® que contiene matriz nasal simulada
- 1 muestra positiva con carga viral baja de MERS-CoV [3 x LoD (9,96E+02 copias/ml)] en UTM® que contiene matriz nasal simulada
- 1 muestra negativa para MERS-CoV (UTM® que contiene matriz nasal simulada)

Cada miembro del panel se probó en 6 réplicas por serie.

Se ejecutaron 5 series en 5 días diferentes usando combinaciones de:

- 3 lotes del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5
- 3 lotes del kit AltoStar® Purification Kit 1.5
- 3 lotes del AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)
- 3 instrumentos AltoStar® AM16
- 3 instrumentos CFX96™ DW Dx

Se determinó la repetibilidad (variabilidad intraserie), la variabilidad interlote y la reproducibilidad (variabilidad total) en función de:

- Valores de ciclo de umbral (C_q^*) en las muestras positivas de MERS-CoV de carga viral alta (consulte la tabla 18)
- Valores de ciclo de umbral (C_q^*) del IC en las muestras negativas de MERS-CoV (consulte la tabla 19)

* Tenga en cuenta que el término elegido C_q es equivalente a la designación de C_t , la cual podría ser usada por otros cicladores distintos del CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad).

Tabla 18: Datos de precisión (valores C_q expresados en CV %) usando el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) y el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) para muestras positivas con carga viral alta de MERS-CoV

| | AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) con muestras positivas con carga viral alta [CV % basado en valores de C_q] | AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) con muestra positiva con carga viral alta [CV % basado en valores de C_q] |
|-------------------------|---|--|
| Variabilidad intraserie | 0,27-0,93 | 0,29-0,75 |
| Variabilidad interlote | 0,67 | 0,66 |
| Variabilidad total | 1,29 | 1,59 |

Todas las muestras analizadas con 3 x LoD (muestras bajo positivo) dieron positivo con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) y el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a).

Tabla 19: Datos de precisión (valores C_q expresados en CV %) para el IC en muestras negativas en MERS-CoV analizadas con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) y el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)

| | IC AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) | IC AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) |
|-------------------------|---|--|
| Variabilidad intraserie | 0,22-0,79 | 0,21-0,30 |
| Variabilidad interlote | 0,84 | 0,31 |
| Variabilidad total | 1,05 | 0,63 |

9.1.4 Índice de fallo total

Se evaluó la robustez del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 analizando 32 muestras de hisopos nasofaríngeos negativas en MERS-CoV de donantes individuales enriquecidas con MERS-CoV hasta una concentración final de 3 x LoD (9,96E+02 copias/ml). Todas las muestras (32 de 32) dieron positivo con el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) y el kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) en el canal de detección de fluorescencia específico de MERS-CoV (FAM™).

9.1.5 Arrastre

La contaminación por arrastre es un riesgo que depende del flujo de trabajo y no del ensayo PCR que se utilice. Para el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo), se utilizó el kit AltoStar® Parvovirus B19 PCR Kit 1.5 como modelo de ejemplo. Se evaluó la posible contaminación cruzada por arrastre de muestras de carga viral alta analizando muestras alternativas de parvovirus B19 de carga viral alta (1,00E+07 UI/ml) y muestras negativas (n = 44 cada una por serie, 2 series) con el kit AltoStar® Parvovirus B19 PCR Kit 1.5. No se observó arrastre, es decir, todas las muestras negativas para el parvovirus B19 dieron negativo.

9.1.6 Rendimiento clínico

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se evaluó en un estudio comparativo con el kit RealStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.0 (altona Diagnostics) con marcado CE. Retrospectivamente, se analizaron 87 muestras de hisopos nasofaríngeos en paralelo:

El kit RealStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.0 (altona Diagnostics) se utilizó en combinación con el *ExiPrep*™ 96 Viral DNA/RNA Kit (Bioneer) y el *ExiPrep*™ 96 Lite (Bioneer).

El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se utilizó en combinación con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5 y el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) en el AltoStar® AM16 y el CFX96™ DW Dx.

Para el análisis cualitativo, se han excluido todas las muestras con un resultado no válido para uno o ambos ensayos.

Los resultados para las 85 muestras restantes figuran en la tabla 20.

Tabla 20: Resultados de la evaluación de la sensibilidad y la especificidad del diagnóstico para MERS-CoV en muestras de hisopos nasofaríngeos

| | | RealStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.0 (altona Diagnostics) | |
|--------------------------------------|----------|--|----------|
| | | POSITIVO | NEGATIVO |
| AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 | POSITIVO | 40 | 1 |
| | NEGATIVO | 0 | 44 |

La sensibilidad y la especificidad diagnósticas del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 comparadas con RealStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.0 (altona Diagnostics) fueron del 100 % y del 97,78 %, respectivamente.

10. Eliminación

Elimine los desechos peligrosos y biológicos conforme a las regulaciones locales y nacionales. No debe permitirse que los componentes sobrantes de producto ni los desechos lleguen al alcantarillado, a cursos de agua o al suelo exterior.

PRECAUCIÓN



Trate siempre las muestras como si fuera material infeccioso y (bio)peligroso conforme a los procedimientos de seguridad y de laboratorio. Si se derrama material de las muestras, utilice rápidamente un desinfectante adecuado. Manipule los materiales contaminados como si fueran biopeligrosos.

PRECAUCIÓN



La eliminación de los residuos peligrosos y biológicos deberá cumplir las normativas locales y nacionales para evitar la contaminación medioambiental.

NOTA



La PCR plate (placa PCR) debe eliminarse sellada, ya que no se puede retirar la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR).

11. Control de calidad

De acuerdo con el sistema de control de calidad con certificación EN ISO 13485 de alta Diagnostics GmbH, cada lote del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 se somete a tests con especificaciones predeterminadas para asegurar una calidad del producto uniforme.

12. Soporte técnico

Si necesita asistencia, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics:

email: support@altona-diagnostics.com

teléfono: +49-(0)40-5480676-0

NOTA



Cualquier incidente grave que se haya producido en relación con este producto, se notificará a Altona Diagnostics y a la autoridad competente del país.

13. Bibliografía

- [1] Chan, Jasper F. W., et al. «Middle East Respiratory Syndrome Coronavirus: Another Zoonotic Betacoronavirus Causing SARS-Like Disease.» *Clinical Microbiology Reviews*, vol. 28, no. 2, 2015, pp. 465–522., doi:10.1128/cmr.00102-14.
- [2] Omrani, Ali S., et al. «Middle East respiratory syndrome coronavirus (MERS-CoV): animal to human interaction.» *Pathogens and Global Health*, vol. 109, no. 8, 2015, pp. 354–362., doi:10.1080/20477724.2015.1122852.
- [3] Mackay, Ian M. y Katherine E. Arden. «MERS coronavirus: diagnostics, epidemiology and transmission.» *Virology Journal*, vol. 12, no. 1, 2015, doi:10.1186/s12985-015-0439-5.
- [4] Arabi, Yaseen M., et al. «Middle East Respiratory Syndrome.» *New England Journal of Medicine*, vol. 376, no. 6, Sept. 2017, pp. 584–594., doi:10.1056/nejmsr1408795.
- [5] «Laboratory testing for Middle East respiratory syndrome coronavirus (MERS-CoV): Interim guidance (revised).» Organización Mundial de la Salud, enero de 2018 <https://apps.who.int/iris/handle/10665/259952>.

14. Marcas comerciales y aviso legal

4s3™ (4titude); AltoStar®, RealStar® (altona Diagnostics); ABI Prism®, QuantStudio™ (Applied Biosystems); *ExiPrep*™ (Bioneer); CFX96™, CFX Manager™ (Bio-Rad); Rotor-Gene® (QIAGEN); UTM® (Copan); LOINC® (Regenstrief Institute, Inc.); LightCycler® (Roche); FAM™, JOE™, MicroAmp™, ROX™, VIC™ (Thermo Fisher Scientific).

Los nombres registrados, las marcas comerciales, etc. usados en este documento, incluso si no están marcados específicamente como tales, no se deben considerar privados de protección legal.
















El kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 es un kit de diagnóstico con marcado CE de conformidad con la directiva 98/79/CE de diagnóstico *in vitro*.




Producto sin licencia de Health Canada y no aprobado ni autorizado por la FDA.

No disponible en todos los países.

© 2022 altona Diagnostics GmbH; reservados todos los derechos.

15. Símbolos

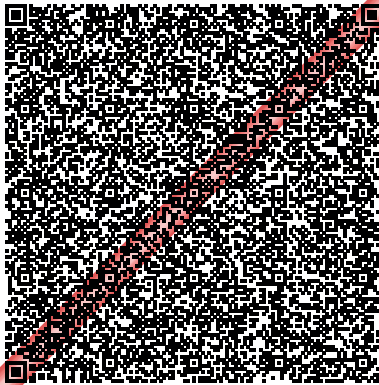
| Símbolo | Explicación |
|---|--|
|  | Dispositivo médico de diagnóstico <i>in vitro</i> |
|  | Número mundial de artículo comercial |
|  | Código de lote |
|  | Contenido |
|  | Color del tapón |
|  | Número de catálogo |
|  | Número |
|  | Componente |
|  | Consultar instrucciones de uso |
|  | Contiene suficiente para «n» pruebas/ reacciones (rxns) |
|  | Límite de temperatura |
|  | Fecha de vencimiento |
|  | Fabricante |
|  | Precaución |
|  | Número de material |

| Símbolo | Explicación |
|---|--|
|  | Versión |
|  | Nota |
|  | Contiene material biológico de origen animal |

16. Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS

Los códigos de barras en 2D en las figuras 15 y 16 se deben usar para instalar el último protocolo de ensayo para el uso del kit AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 en el AltoStar® AM16. Los códigos de barras solo se pueden escanear en forma impresa. Puede escanear los códigos de barras directamente desde el manual o imprimirlos en una hoja independiente. Tenga en cuenta que el tamaño de la impresión afecta a la capacidad de escaneo del código de barras. Asegúrese de que el tamaño de la escala es del 100 %. Para escanear, dirija el escáner hacia la línea roja en el código de barras. Para obtener más información sobre la gestión de los protocolos de ensayo, consulte el capítulo respectivo en las instrucciones de uso del AltoStar® Connect software. Para obtener más información para la integración de LIMS, consulte las tablas 22 y 23.

AltoStar® MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene)



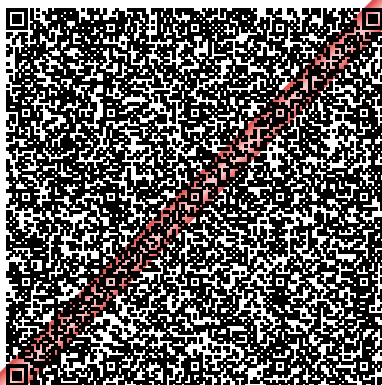
Protocol Version:

Checksum: 0668ABA766F3FC54537B5F2E96A0D0EE937FA321

1

Figura 15: Código de barras para el protocolo de ensayo para el AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene)

AltoStar® MERS CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)



Protocol Version:

1

Checksum: B74A026D0147C4EAE079D3E07C8C50AD44C977FC

Figura 16: Código de barras para el protocolo de ensayo para el AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)

Tabla 21: Registro de cambios para el protocolo de ensayo

| Versión del protocolo | Actualizaciones de versiones |
|-----------------------|------------------------------|
| 1 | Versión inicial |

Tabla 22: Información para la integración de LIMS del AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene)

| Uso | Datos |
|---|---|
| Pedido de prueba (LIMS → AltoStar® AM16) | AltoStar MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (upE + N gene) |
| Unidad del resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) | cp/ml |
| Resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) canal 1 | upE + N gene |
| Resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) canal 2 | Internal Control |

Tabla 23: Información para la integración de LIMS del AltoStar® MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a)

| Uso | Datos |
|---|--|
| Pedido de prueba (LIMS → AltoStar® AM16) | AltoStar MERS-CoV RT-PCR Kit 1.5 (orf1a) |
| Unidad del resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) | cp/ml |
| Resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) canal 1 | orf1a |
| Resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) canal 2 | Internal Control |

Para LOINC® (Logical Observation Identifiers Names and Codes), consulte el sitio web de altona Diagnostics GmbH (www.altona-diagnostics.com) o póngase en contacto con el soporte técnico de altona Diagnostics (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

17. Historial de revisiones

Tabla 24: Historial de revisiones

| Identificador | Fecha de emisión [mes/año] | Modificaciones |
|----------------------|----------------------------|---------------------|
| MAN-AS0391540-ES-S01 | 04/2022 | Lanzamiento inicial |

página en blanco a propósito

página en blanco a propósito

página en blanco a propósito

always a drop ahead.

altona Diagnostics GmbH
Mörkenstr. 12
22767 Hamburg, Germany

phone +49 40 548 0676 0
fax +49 40 548 0676 10
e-mail info@altona-diagnostics.com

www.altona-diagnostics.com

