

Instrukcja użytkowania

AltoStar[®] JCV PCR Kit 1.5

04/2022 PL

AltoStar[®]

JCV PCR Kit 1.5

Do stosowania z

ABI Prism[®] 7500 SDS (Applied Biosystems)

CFX96[™] Deep Well Dx System (Bio-Rad)

CFX96[™] Dx System (Bio-Rad)

LightCycler[®] 480 Instrument II (Roche)

QuantStudio[™] 5 Real-Time PCR System (Applied Biosystems)

Rotor-Gene[®] Q5/6 plex Platform (QIAGEN)



AS0041543



96



04 2022



altona Diagnostics GmbH • Mörkenstr. 12 • D-22767 Hamburg

Spis treści

1.	Informacje na temat instrukcji użytkowania.....	8
2.	Przeznaczenie zestawu.....	9
3.	Zawartość zestawu	10
4.	Przechowywanie i zastosowanie	11
4.1	Przechowywanie.....	11
4.2	Zastosowanie	12
4.2.1	Mieszanki reakcyjne Master A i Master B.....	12
4.2.2	Standardy ilościowe i No Template Control (kontrola negatywna)	13
5.	Opis wyrobu	13
5.1	Podstawowe informacje.....	14
5.2	Opis składników zestawu	14
5.2.1	Mieszanki reakcyjne Master A i Master B.....	14
5.2.2	Standardy ilościowe.....	15
5.2.3	No Template Control (kontrola negatywna)	15
5.3	Procedury wykonywania badań.....	16
5.3.1	Zautomatyzowana procedura badania AltoStar® Workflow	16
5.3.2	Inne procedury wykonywania badań	17
5.3.2.1	Izolacja kwasu nukleinowego.....	17
5.3.2.2	Urządzenia PCR w czasie rzeczywistym	17
5.4	Materiał do badań.....	18
5.4.1	Rodzaje materiału do badań.....	18
5.4.2	Pobieranie i postępowanie z pobranym materiałem.....	18
6.	Ostrzeżenia, środki ostrożności i ograniczenia	19
7.	Korzystanie z zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z zautomatyzowaną procedurą badania AltoStar® Workflow	22

7.1	Objętość próbki.....	22
7.2	Probówki.....	22
7.3	Kody kreskowe próbek.....	23
7.4	Materiały i urządzenia wymagane, ale nie dołączone do zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow.....	23
7.5	Podstawowe materiały i wyposażenie.....	24
7.6	Procedura.....	25
7.6.1	Opis zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow.....	25
7.6.2	Programowanie badania AltoStar®.....	31
7.6.3	Rozpoczęcie konfiguracji płytki do PCR.....	32
7.6.3.1	Przygotowanie odczynników do konfiguracji płytki do PCR.....	33
7.6.3.2	Przygotowanie systemu AltoStar® AM16 do konfiguracji płytki do PCR.....	33
7.6.3.3	Postępowanie podczas konfiguracji płytki do PCR.....	37
7.6.4	Zakończenie konfiguracji płytki do PCR.....	37
7.6.4.1	Wyniki konfiguracji płytki do PCR.....	38
7.6.5	Zamykanie płytki do PCR.....	40
7.6.5.1	Stabilność mieszaniny PCR.....	41
7.6.6	Rozpoczęcie badania PCR.....	42
7.6.6.1	Postępowanie podczas badania PCR.....	43
7.6.6.2	Przyporządkowanie testów do grup studzienek reakcyjnych.....	43
7.6.7	Analiza wyników PCR.....	46
7.6.7.1	Korekta linii bazowej.....	48
7.6.7.2	Wykluczenie nieregularnych sygnałów PCR.....	50
7.6.7.3	Ustawienie wartości progowych.....	54
7.6.8	Prawidłowość wyników badania PCR.....	58
7.6.8.1	Wykluczenie studzienek reakcyjnych zawierających nieprawidłowe dane.....	58
7.6.8.2	Prawidłowość jakościowego badania diagnostycznego PCR.....	61

7.6.8.3	Prawidłowość ilościowego badania diagnostycznego PCR	61
7.6.8.4	Prawidłowość wyników dla danej próbki	63
7.6.9	Eksport wyników badania PCR do automatycznej analizy	63
7.6.10	Eksport wyników badania PCR do manualnej analizy.....	64
7.6.10.1	Manualna analiza	65
8.	Użycie zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z urządzeniami PCR w czasie rzeczywistym innymi niż CFX96™ Deep Well Dx System	68
8.1	Materiały i urządzenia wymagane, ale nie dołączone	68
8.2	Procedura	69
8.2.1	Przygotowanie próbki	69
8.2.2	Przygotowanie mieszaniny master mix	70
8.2.3	Konfiguracja reakcji	71
8.2.4	Badanie PCR.....	72
8.2.4.1	Programowanie urządzeń PCR w czasie rzeczywistym.....	72
8.2.4.2	Ustawienia badania PCR	72
8.2.5	Analiza danych	73
9.	Charakterystyka działania testu	74
9.1	Osocze	75
9.1.1	Czułość analityczna.....	75
9.1.2	Swoistość analityczna	76
9.1.2.1	Próbki negatywne.....	77
9.1.2.2	Substancje interferujące.....	77
9.1.2.3	Reaktywność krzyżowa	78
9.1.3	Zakres liniowości	79
9.1.4	Precyzja	80
9.1.5	Całkowity odsetek nieudanych	82
9.1.6	Efekt przeniesienia	82
9.1.7	Parametry kliniczne	83

10.	Utylizacja.....	85
11.	Kontrola jakości	86
12.	Pomoc techniczna.....	86
13.	Literatura.....	86
14.	Znaki towarowe i zastrzeżenia	87
15.	Symbole	88
16.	Protokół testu dla oprogramowania AltoStar® Connect i informacje na temat integracji z systemem LIMS	90
17.	Historia zmian.....	92

1. Informacje na temat instrukcji użytkowania

Niniejsza instrukcja użytkowania zawiera informacje na temat używania zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. W rozdziałach 1–6 i 9–14 zawarte są podstawowe informacje i instrukcje, które dotyczą wszystkich procedur pracy z zestawem AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. W rozdziale 7 podano instrukcje na temat sposobów używania wyrobu z systemem AltoStar® Automation System AM16 (Hamilton; w dalszej części instrukcji określanym jako system AltoStar® AM16), oprogramowaniem AltoStar® Connect (wersja 1.7.4 lub wyższa, Hamilton) dla automatycznych badań PCR oraz urządzeniem CFX96™ Deep Well Dx System* (Bio-Rad, w dalszej części instrukcji określanym jako urządzenie CFX96™ DW Dx) z oprogramowaniem CFX Manager™ Dx (wersja 3.1, Bio-Rad) dla badań PCR w czasie rzeczywistym. W rozdziale 8 podano instrukcje dotyczące sposobu używania zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z innymi metodami izolacji kwasu nukleinowego i urządzeniami PCR w czasie rzeczywistym. Szczegółowe informacje na temat używania systemu AltoStar® AM16, oprogramowania AltoStar® Connect, zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5, AltoStar® Internal Control 1.5 oraz urządzenia CFX96™ DW Dx, znajdują się w odpowiednich instrukcjach obsługi:

- Instrukcja obsługi systemu do diagnostyki IVD AltoStar® Automation System AM16 (Hamilton)
- Instrukcja obsługi oprogramowania AltoStar® Connect IVD (Hamilton)
- Instrukcja użytkowania AltoStar® Purification Kit 1.5
- Instrukcja użytkowania AltoStar® Internal Control 1.5
- Systemy CFX96™ Dx i CFX96™ Deep Well Dx Instrukcja obsługi (Bio-Rad)

* „CFX96™ Deep Well Dx System” to nowa nazwa firmowa systemu CFX96™ Deep Well Real-Time PCR Detection System (system detekcji) (Bio-Rad) w wersji do IVD.

W niniejszej instrukcji, terminy OSTROŻNIE i UWAGA mają następujące znaczenie:

OSTROŻNIE



Instrukcje lub procedury operacyjne, których nieprzestrzeganie może stać się przyczyną obrażeń ciała lub negatywnie wpływać na działanie wyrobu. Skontaktuj się z działem pomocy technicznej altona Diagnostics, aby uzyskać pomoc.

UWAGA



Przydatne informacje dla użytkownika, które nie są kluczowe dla wykonywanego zadania.

Należy uważnie zapoznać się z treścią instrukcji użytkownika przed użyciem wyrobu.

2. Przeznaczenie zestawu

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 to test diagnostyczny *in vitro*, oparty na technologii do wykonywania badań PCR w czasie rzeczywistym, służący do wykrywania i oznaczania ilościowego DNA właściwego dla JCV (wirus JC) w osoczu ludzkim.

Jest on przeznaczony do stosowania jako pomoc w diagnozie zakażeń JCV oraz monitorowania obciążenia JCV u osób zakażonych JCV.

Wyniki wygenerowane przez zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 muszą być interpretowane w połączeniu z innymi danymi klinicznymi i laboratoryjnymi.

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 jest przeznaczony do użycia przez osoby wykwalifikowane, przeszkolone w technikach biologii molekularnej oraz procedurach diagnostyki *in vitro*.

3. Zawartość zestawu

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 obejmuje następujące składniki:

Tabela 1: Składniki zestawu

Kolor zakrętki	Składnik	Liczba probówek	Objętość nominalna [μl/probówkę]
Niebieski	Master A ¹⁾	8	60 ²⁾
Fioletowy	Master B ¹⁾	8	180 ³⁾
Czerwony	QS1 ⁴⁾	2	250
Czerwony	QS2 ⁴⁾	2	250
Czerwony	QS3 ⁴⁾	2	250
Czerwony	QS4 ⁴⁾	2	250
Biały	NTC ⁵⁾	2	250

¹⁾ Zawiera materiał biologiczny pochodzenia zwierzęcego

²⁾ Zawiera dodatkową objętość 25 μl w celu kompensacji martwej objętości w systemie AltoStar® AM16

³⁾ Zawiera dodatkową objętość 55 μl w celu kompensacji martwej objętości w systemie AltoStar® AM16

⁴⁾ Standardy ilościowe (kontrola pozytywna)

⁵⁾ No Template Control (kontrola negatywna)

OSTROŻNIE



Przed pierwszym użyciem sprawdź kompletność zestawu i jego składników, jak również numer, typ i stopień napełnienia. Nie używaj wadliwego lub niekompletnego wyrobu, ponieważ może to negatywnie wpływać na jego działanie.

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 zawiera wystarczającą liczbę odczynników, na wykonanie 96 reakcji przy liczbie badań nieprzekraczającej 8.

Zestaw jest transportowany w suchym lodzie. Po odbiorze i przed pierwszym użyciem, sprawdź zestaw i jego składniki:

- Integralność
- Kompletność, numer, typ i stopień napełnienia
- Prawdliwość etykiet
- Termin ważności
- Stopień zamrożenia
- Przejrzystość i brak zanieczyszczeń

W przypadku, gdy jeden lub więcej składników zestawu nie jest zamrożony podczas dostawy, jeśli próbki zostały uszkodzone podczas transportu lub występują ich braki, należy skontaktować się z działem pomocy technicznej Altona Diagnostics (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

4. Przechowywanie i zastosowanie

Wszystkie odczynniki dołączone do zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 stanowią roztwory gotowe do użycia.

4.1 Przechowywanie

Wszystkie składniki zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 po dostawie powinny być przechowywane w temperaturze od -25 °C do -15 °C.

OSTROŻNIE



Nieprawidłowe warunki przechowywania mogą negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

OSTROŻNIE



Nie używaj wyrobów po terminie ważności. Użycie elementów zestawu po terminie ważności może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

4.2 Zastosowanie

OSTROŻNIE



Nie należy przekraczać liczby cykli zamrażania/rozmarzania oraz czasów przetwarzania podanych w niniejszej instrukcji użytkowania, ponieważ mogą one negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

OSTROŻNIE



Nieprawidłowe stosowanie składników zestawu i próbek może stać się przyczyną kontaminacji i negatywnie wpływać na działanie wyrobu:

- Nie zamieniać zakrętek do fiolek lub butelek.
- Materiał, dla którego stwierdzono wynik pozytywny lub potencjalnie pozytywny należy przechowywać osobno od składników zestawu.
- Należy korzystać z oddzielnych obszarów roboczych do przygotowania próbki/konfiguracji reakcji oraz amplifikacji/detekcji.
- Zawsze używać rękawiczki po kontakcie z materiałem, którego test dał wynik pozytywny lub potencjalnie pozytywny.
- Nie otwierać płytek do PCR i/lub próbek po amplifikacji.

OSTROŻNIE



Nie mieszać składników zestawu pochodzących z różnych numerów partii. Użycie różnych numerów partii zestawów może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

4.2.1 Mieszanki reakcyjne Master A i Master B

Po rozmrożeniu, mieszanki reakcyjne Master A i Master B zachowują stabilność przez 5 godzin w temperaturze do +30 °C.

UWAGA



Jeśli mieszanki reakcyjne Master A i Master B zostały rozmrożone i niewykorzystane, mogą być one zamrożone i rozmrożone ponownie do użycia podczas kolejnych badań. Po otwarciu, należy zutylizować dotychczasowe zakrętki i użyć nowych zakrętek, aby uniknąć kontaminacji odczynników.

4.2.2 Standardy ilościowe i No Template Control (kontrola negatywna)

1. Po rozmrożeniu, standardy ilościowe (QS) oraz No Template Control (NTC, kontrola negatywna) zachowują stabilność przez 5 godzin w temperaturze do +30 °C.
2. Należy utylizować zakrętki probówek QS i NTC po każdym użyciu i używać nowych zakrętek, aby uniknąć kontaminacji odczynników.
3. Po użyciu zamknąć probówki QS i NTC nowymi zakrętkami i natychmiast zamrozić.
4. Nie przekraczać liczby cykli zamrażania-rozmrażania dla probówek QS i NTC: *Rozmrażanie 1 → Zamrażanie 1 → Rozmrażanie 2 → Zamrażanie 2 → Rozmrażanie 3 → Zamrażanie 3 → Rozmrażanie 4*

5. Opis wyrobu

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 to test diagnostyczny *in vitro* służący do wykrywania i oznaczania ilościowego DNA właściwego dla JCV w następujących próbkach: osocze ludzkie.

Jest on oparty na technologii do wykonywania badań PCR w czasie rzeczywistym, wykorzystuje reakcję łańcuchową polimerazy (PCR) w celu amplifikacji sekwencji docelowych właściwych dla JCV oraz oznakowane barwnikiem fluorescencyjnym sondy właściwe dla sekwencji docelowej, umożliwiające detekcję amplifikowanego DNA.

Poza systemem detekcji i amplifikacji DNA właściwego dla JCV, test zawiera również oligonukleotydy umożliwiające amplifikację i detekcję kontroli wewnętrznej (w dalszej części instrukcji określanej jako IC; AltoStar® Internal Control 1.5).

Sondy właściwe dla DNA JCV są oznakowane fluoroforem FAM™. Sonda właściwa dla IC jest oznakowana fluoroforem JOE™ wykrywanym na przykład w kanale VIC™.

Użycie sond związanych z różnymi barwnikami umożliwi równoległe wykrywanie DNA właściwego dla JCV oraz IC w danych kanałach detekcji stosowanego urządzenia PCR w czasie rzeczywistym.

5.1 Podstawowe informacje

Rodzina *Polyomaviridae* obejmuje co najmniej 16 wirusów powodujących zakażenie u ssaków różnych gatunków. Dwa z nich, poliomavirus BK (wirus BK, BKV) oraz poliomavirus JC (wirus JC, JCV) powodują dużą liczbę zakażeń u ludzi na całym świecie.

Poliomawirusy to niewielkie wirusy bez osłonki o kształcie ikozaedralnym, zawierające genom o dwuniciowym, superskręconym DNA składający się z około 5000 par zasad (bp). Ludzkie poliomawirusy współdzielią około ~70% sekwencji z małym wirusem 40 (SV40). Pomimo wysokiej homologii sekwencji, poliomawirusy charakteryzują się ograniczonym zakresem gospodarzy oraz odrębnym zachowaniem biologicznym i patogenezą choroby.

Zakażenia pierwotne wirusem JCV występują głównie we wczesnym dzieciństwie oraz są zwykle niewykrywalne klinicznie, następnie obserwowane jest utrzymywanie się zakażenia trwające całe życie. Jako dominujące typy komórek podlegające przewlekłym zakażeniom wirusem JCV zidentyfikowane zostały komórki nabłonkowe nerek, limfocyty i oligodendrocyty.

Pomimo że zakażenia poliomawirusem nie są jawne/nie są oczywiste u osób immunokompetentnych, reaktywacja wirusa BKV i/lub JCV w połączeniu z immunosupresją może prowadzić do poważnych chorób. Reaktywacja wirusa JCV może powodować rozwój postępującej wielogniskowej leukoencefalopatii (PML), choroby demielinizacyjnej ośrodkowego układu nerwowego [1,2,3].

5.2 Opis składników zestawu

5.2.1 Mieszanie reakcyjne Master A i Master B

Mieszanie reakcyjne Master A i Master B zawierają wszystkie składniki (roztwór buforowy PCR, polimerazę DNA, sól magnezu, startery i sondy) umożliwiające amplifikację oraz wykrycie sekwencji docelowej DNA właściwej dla JCV oraz IC w pojedynczej konfiguracji reakcji.

5.2.2 Standardy ilościowe

QS zawierają standardowe stężenia DNA właściwego dla JCV (patrz tabela 2). Zostały one skalibrowane względem 1st WHO International Standard for JC Virus (JCV) DNA for Nucleic Acid Amplification Techniques (NIBSC code: 14/114) [4]. QS są stosowane do weryfikowania funkcjonalności systemu detekcji i amplifikacji DNA właściwego dla JCV, jak również do wyznaczenia krzywej wzorcowej, która umożliwia oznaczenie ilościowe DNA właściwego dla JCV w próbce.

Tabela 2: Standardy ilościowe

Standard ilościowy	Stężenie [IU/μl]
QS1	1,00E+04
QS2	1,00E+03
QS3	1,00E+02
QS4	1,00E+01

5.2.3 No Template Control (kontrola negatywna)

NTC nie zawiera DNA właściwego dla JCV, natomiast zawiera matrycę IC. NTC jest stosowana jako kontrola negatywna podczas analizy PCR w czasie rzeczywistym DNA właściwego dla JCV oraz wskazuje ewentualną kontaminację mieszaniny reakcyjnej Master A i Master B.

5.3 Procedury wykonywania badań

5.3.1 Zautomatyzowana procedura badania AltoStar® Workflow

Zautomatyzowana procedura badania AltoStar® Workflow obejmuje następujące wyroby do IVD:

- System AltoStar® Automation System AM16 (Hamilton)
- Oprogramowanie AltoStar® Connect w wersji 1.7.4 lub nowszej (Hamilton)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad) z oprogramowaniem CFX Manager™ Dx w wersji 3.1 (Bio-Rad)

Procedura wykonywania badań obejmuje następujące kroki:

1. Programowanie badania AltoStar®.
2. Seria oczyszczania w systemie AltoStar® AM16 z użyciem zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5 oraz AltoStar® Internal Control 1.5.
3. Konfiguracja płytki do PCR wykonana w systemie AltoStar® AM16 z użyciem zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5.
4. Badanie PCR w czasie rzeczywistym na urządzeniu CFX96™ DW Dx.

Szczegółowe informacje o kroku 3 i 4 procedury wykonywania badań znajdują się w rozdziale 7. Korzystanie z zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z zautomatyzowaną procedurą badania AltoStar® Workflow. Wszystkie typy próbek i objętości próbek kompatybilne z zestawem AltoStar® Purification Kit 1.5 mogą być przetwarzane równocześnie w systemie AltoStar® AM16. Każdą próbkę można analizować równoległe taką liczbą testów PCR w czasie rzeczywistym, na jaką pozwala ilość dostępnego eluatu.

UWAGA



Testy, dla których wymagane są różne profile temperaturowe analizy PCR, są automatycznie sortowane do oddzielnych płytek do PCR.

5.3.2 Inne procedury wykonywania badań

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 może być stosowany w innych procedurach wykonywania badań (manualnych lub automatycznych). Urządzenia PCR w czasie rzeczywistym, które zostały zatwierdzone do używania z zestawem AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 zostały podane w rozdziale 5.3.2.2 Urządzenia PCR w czasie rzeczywistym. Możliwość stosowania alternatywnych procedur izolacji wymaga dodatkowej walidacji przez użytkownika.

5.3.2.1 Izolacja kwasu nukleinowego

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 może być stosowany z systemami izolacji kwasu nukleinowego innymi niż system AltoStar® AM16. Możliwość stosowania alternatywnych procedur izolacji kwasu nukleinowego wymaga dodatkowej walidacji przez użytkownika. W rozdziale 8.2.1 Przygotowanie próbki znajdują się instrukcje dotyczące użytkowania AltoStar® Internal Control 1.5 w połączeniu z metodami izolacji innymi niż zestaw AltoStar® Purification Kit 1.5.

5.3.2.2 Urządzenia PCR w czasie rzeczywistym

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 został opracowany i zwalidowany do pracy z następującymi urządzeniami PCR w czasie rzeczywistym:

- ABI Prism® 7500 SDS (Applied Biosystems)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)
- CFX96™ Dx System (Bio-Rad)
- LightCycler® 480 Instrument II (Roche)
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System (Applied Biosystems)
- Rotor-Gene® Q5/6 plex Platform (QIAGEN)

W przypadku używania jednego z podanych powyżej urządzeń PCR w czasie rzeczywistym (za wyjątkiem urządzenia CFX96™ Deep Well Dx System), konfiguracja badania PCR, programowanie urządzenia i analiza danych muszą być wykonane manualnie (szczegółowe informacje znajdują się w rozdziałach od 8.2.2 Przygotowanie mieszaniny master mix do 8.2.5 Analiza danych).

5.4 Materiał do badań

5.4.1 Rodzaje materiału do badań

Następujące rodzaje materiału do badań są zwalidowane do użycia z zestawem AltoStar® JCV PCR Kit 1.5:

- Osocze ludzkie pobrane na EDTA
- Osocze ludzkie pobrane na cytrynian sodu

OSTROŻNIE



Nie używać innych rodzajów materiału do badań! Użycie innych rodzajów materiału do badań może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

5.4.2 Pobieranie i postępowanie z pobranym materiałem

Krew należy pobrać z użyciem dostępnych w sprzedaży standardowych systemów pobierania krwi (np. Sarstedt, Becton Dickinson, Greiner lub równoważny). Zawartość probówek należy wymieszać bezpośrednio po pobraniu próbki. Próbki krwi należy transportować w chłodzie, w temperaturze od +2 °C do +8 °C zgodnie z przepisami lokalnymi i krajowymi dotyczącymi transportu materiału biologicznego.

Podczas przygotowywania osocza z EDTA, krew pełną należy odwirować zgodnie z instrukcjami dostarczonymi przez producenta systemu pobierania próbek w przeciągu 24 godzin od pobrania. Przed użyciem, osocze z EDTA można przechowywać nie dłużej niż 48 godzin w temperaturze pokojowej (od +20 °C do +25 °C), 5 dni w temperaturze od +2 °C do +8 °C lub 2 miesiące w temperaturze od -25 °C do -15 °C.

OSTROŻNIE

Próbki należy zawsze traktować jako materiał zakaźny i stanowiący zagrożenie biologiczne, zgodnie z procedurami bezpieczeństwa i praktykami obowiązującymi w danym laboratorium. W przypadku rozlania materiału próbki, natychmiast użyć odpowiedniego środka dezynfekującego. Skażone materiały należy traktować jako zagrożenie biologiczne.

UWAGA

Przechowywanie zamrożonych próbek nie wpływa negatywnie na działanie zestawu. W przypadku użycia próbek zamrożonych należy upewnić się, że próbki są całkowicie rozmrożone i prawidłowo wymieszane przed użyciem.

6. Ostrzeżenia, środki ostrożności i ograniczenia

- Przed pierwszym użyciem sprawdź kompletność zestawu i jego składników, jak również numer, typ i stopień napełnienia. Nie używaj wadliwego lub niekompletnego wyrobu, ponieważ może to negatywnie wpływać na jego działanie.
- Nieprawidłowe warunki przechowywania mogą negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie używaj wyrobów po terminie ważności. Użycie elementów zestawu po terminie ważności może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie należy przekraczać liczby cykli zamrażania/rozmrażania oraz czasów przetwarzania podanych w niniejszej instrukcji użytkowania, ponieważ mogą one negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nieprawidłowe stosowanie składników zestawu i próbek może stać się przyczyną kontaminacji i negatywnie wpływać na działanie wyrobu:
 - Nie zamieniać zakrętek do fiolek lub butelek.
 - Materiał, dla którego stwierdzono wynik pozytywny lub potencjalnie pozytywny należy przechowywać osobno od składników zestawu.
 - Należy korzystać z oddzielnych obszarów roboczych do przygotowania próbki/konfiguracji reakcji oraz amplifikacji/detekcji.

- Zawsze utylizować rękawiczki po kontakcie z materiałem, którego test dał wynik pozytywny lub potencjalnie pozytywny.
- Nie otwierać płytek do PCR i/lub probówek po amplifikacji.
- Nie mieszać składników zestawu pochodzących z różnych numerów partii. Użycie różnych numerów partii zestawów może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie używać innych rodzajów materiału do badań! Użycie innych rodzajów materiału do badań może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Próbkę należy zawsze traktować jako materiał zakaźny i stanowiący zagrożenie biologiczne, zgodnie z procedurami bezpieczeństwa i praktykami obowiązującymi w danym laboratorium. W przypadku rozlania materiału próbki, natychmiast użyć odpowiedniego środka dezynfekującego. Skażone materiały należy traktować jako zagrożenie biologiczne.
- Przechowywanie eluatów w nieprawidłowych warunkach może stać się przyczyną degradacji sekwencji docelowej JCV i może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie należy używać wersji protokołu testu innego, niż wskazany na kodzie kreskowym 2D w niniejszej instrukcji użytkowania. Użycie nieprawidłowej wersji protokołu testu może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Brak odwirowania składników zestawu po rozmrożeniu może spowodować kontaminację pozostałościami odczynników na zakrętkach i negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie używaj ponownie zakrętek do probówek, aby uniknąć kontaminacji odczynników, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Podobnie jak w przypadku innych badań diagnostycznych, wyniki należy interpretować z uwzględnieniem danych klinicznych i laboratoryjnych.
- Obecność inhibitorów PCR (np. heparyny) może powodować nieprawidłowe lub fałszywie negatywne wyniki.
- Nie należy używać innych objętości mieszaniny reakcyjnej Master A i Master B dla konfiguracji mieszaniny master mix, niż podane w niniejszej instrukcji użytkowania, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie należy przekraczać czasu przechowywania mieszaniny PCR, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

- Nie należy mieszać próbek lub identyfikatorów próbek podczas badania PCR lub przenoszenia do urządzenia PCR. Może to powodować wyniki fałszywie pozytywne lub fałszywie negatywne ze względu na nieprawidłowe przypisanie próbek.
- Nie używaj innych parametrów profilu termicznego niż podany w niniejszej instrukcji użytkowania, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.
- Nie używaj innych ustawień analizy danych niż podane w niniejszej instrukcji użytkowania, ponieważ może to powodować nieprawidłowe wyniki IVD.
- W przypadku próbki zawierającej patogeny inne niż JCV, może występować konkurencja z amplifikowaną sekwencją docelową lub reaktywność krzyżowa, powodujące nieprawidłowe wyniki IVD.
- Odpady niebezpieczne i biologiczne należy utylizować zgodnie z obowiązującymi przepisami lokalnymi i krajowymi, aby uniknąć skażenia środowiska.
- Potencjalne mutacje w obszarach sekwencji docelowej genomu JCV objęte starterami i/lub sondami użytymi w zestawie mogą powodować nieprawidłowe oznaczenie ilościowe i/lub niewykrycie obecności patogenu.

7. Korzystanie z zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z zautomatyzowaną procedurą badania AltoStar® Workflow

W tej części instrukcji użytkownika opisane zostało użycie zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z zautomatyzowaną procedurą badania AltoStar® Workflow. Zautomatyzowana procedura badania AltoStar® Workflow obejmuje wykorzystanie różnych wyrobów przeznaczonych do IVD (System AltoStar® AM16, oprogramowanie AltoStar® Connect, zestaw AltoStar® Purification Kit 1.5, AltoStar® Internal Control 1.5 oraz urządzenie CFX96™ DW Dx). Szczegółowe informacje na temat sposobu używania tych wyrobów znajdują się w odpowiednich instrukcjach obsługi i użytkownika.

- Instrukcja obsługi systemu do diagnostyki IVD AltoStar® Automation System AM16 (Hamilton)
- Instrukcja obsługi oprogramowania AltoStar® Connect IVD (Hamilton)
- Instrukcja użytkownika AltoStar® Purification Kit 1.5
- Instrukcja użytkownika AltoStar® Internal Control 1.5
- Systemy CFX96™ Dx i CFX96™ Deep Well Dx Instrukcja obsługi (Bio-Rad)

7.1 Objętość próbki

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 jest zwalidowany do badania próbek kwasu nukleinowego oczyszczonych z 500 µl próbki wyjściowej w przypadku użycia go z systemem AltoStar® AM16. Należy uwzględnić dodatkową objętości próbki ze względu na martwą objętość stosowanej probówki (patrz rozdział 7.2 Probówki).

7.2 Probówki

Probówki kompatybilne z systemem AltoStar® AM16 można zakupić w firmie Altona Diagnostics (probówka 7 ml z zakrętką, 82 x 13 mm, VK000010). Możliwość stosowania innych probówek wymaga dodatkowej walidacji przez użytkownika. Szczegółowe informacje znajdują się w instrukcji użytkownika zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.3 Kody kreskowe próbek

W celu automatycznej identyfikacji próbek przez system AltoStar® AM16, wszystkie próbki muszą być oznakowane odpowiednim kodem kreskowym. Szczegółowe informacje znajdują się w instrukcji użytkowania zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.4 Materiały i urządzenia wymagane, ale nie dołączone do zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow

Materiały i urządzenia podane w tabeli 3 należy zamówić w firmie Altona Diagnostics.

Tabela 3: Wymagane materiały i urządzenia

Material	Opis	Numer katalogowy
AltoStar® Molecular Diagnostic Workflow	Zestaw wyrobów obejmujący system AltoStar® Automation System AM16, oprogramowanie AltoStar® Connect (wersja 1.7.4 lub nowsza) oraz wyposażenie IT	AM16
AltoStar® Detection	Zestaw wyrobów obejmujący urządzenie CFX96™ Deep Well Dx System z oprogramowaniem CFX Manager™ Dx (wersja 3.1), skaner kodów kreskowych oraz wyposażenie IT	DT16
AltoStar® Purification Kit 1.5	Zestaw odczynników do izolowania i oczyszczania kwasu nukleinowego do użycia z systemem AltoStar® Automation System AM16	PK15-16/ PK15-46
AltoStar® Internal Control 1.5	Kontrola izolacji kwasu nukleinowego oraz amplifikacji i detekcji PCR	IC15-16/ IC15-46
PCR Plate	96-studzienkowa płytką z niską ramką boczną z kodem kreskowym i białymi studzienkami reakcyjnymi	VK000005
PCR Plate Sealing Foil	Folia do zamykania płytek do PCR	VK000006

Material	Opis	Numer katalogowy
1,000 µl CO-RE Tips	Końcówki z filtrem 1000 µl do użycia z systemem AltoStar® Automation System AM16	VK000007
300 µl CO-RE Tips	Końcówki z filtrem 300 µl do użycia z systemem AltoStar® Automation System AM16	VK000008
Pooling Tube	Probówki z kodem kreskowym do łączenia odczynników PCR	VK000002
Waste Bag	Sterylny woreczek, z możliwością sterylizacji w autklawie, do użycia z systemem AltoStar® Automation System AM16	VK000009
Screw Cap - red	Zakrętka na probówce z QS1–QS4 (czerwony)	VK000012
Screw Cap - blue	Zakrętka na probówce z mieszaniną reakcyjną Master A (niebieski)	VK000013
Screw Cap - purple	Zakrętka na probówce z mieszaniną reakcyjną Master B (fioletowy)	VK000015
Screw Cap - white	Zakrętka na probówce z NTC (biały)	VK000016

Tabela 4: Dodatkowe materiały i urządzenia laboratoryjne

Material	Opis	Numer katalogowy
Urządzenie do zamykania płytek	np. AltoStar® Plate Sealer	VK000023
	np. PX1 Plate Sealer (Bio-Rad)	VK000033

7.5 Podstawowe materiały i wyposażenie

- Wyrząsarka
- Rękawiczki bezpudrowe do jednorazowego użytku
- Wirówka do odwirowania składników zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5
- Wirówka do odwirowania płytek do PCR

Kontrole procesu

Pozytywne i negatywne kontrole procesu, które są traktowane jako próbki i podlegają tej samej procedurze izolowania kwasu nukleinowego, wymagają oznaczenia zgodnie z wytycznymi lub wymaganiami przepisów lokalnych, stanowych i/lub federalnych lub organizacji akredytujących w celu monitorowania całego procesu.

Kontrole procesu nie są dostarczane przez Altona Diagnostics. W tym celu mogą być stosowane wcześniej scharakteryzowane próbki lub materiały firmy Qnostics (JCV Medium Q Control; nr katalogowy JCVMQC), które wymagają walidacji przez laboratorium.

7.6 Procedura

7.6.1 Opis zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow

Etapy analizy dla zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow zostały przedstawione w tabeli 5. Informacje na temat szczegółowych ustawień do użycia z zestawem AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 są podane w rozdziale 7.6.2 Programowanie badania AltoStar®. Szczegółowe instrukcje dla etapów 1–5 znajdują się w instrukcji użytkownika zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5, oprogramowania AltoStar® Connect oraz systemu AltoStar® AM16.

Kroki 6–11 zostały opisane szczegółowo w rozdziałach 7.6.3 Rozpoczęcie konfiguracji płytki PCR do 7.6.10 Eksport wyników badania PCR do manualnej analizy.

Tabela 5: Przegląd zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow

Krok	Działanie
1. Uruchom system AltoStar® AM16	<ul style="list-style-type: none"> • Włącz zasilanie systemu AltoStar® AM16. • Włącz zasilanie komputera i monitora. • Uruchom oprogramowanie AltoStar® Connect.
2. Wykonaj konserwację	<ul style="list-style-type: none"> • Na pasku menu kliknij opcję Application → Instrument Maintenance (Aplikacja → Konserwacja urządzenia). <ul style="list-style-type: none"> ◦ Jeśli wymagana jest konserwacja cotygodniowa, kliknij opcję Start Weekly Maintenance (Rozpocznij konserwację cotygodniową). ◦ Jeśli wymagana jest konserwacja codzienna, kliknij opcję Start Daily Maintenance (Rozpocznij konserwację codzienną). • Postępuj zgodnie z instrukcjami konserwacji wyświetlanymi na ekranie.
3. Zaprogramuj serię testów AltoStar®	<ul style="list-style-type: none"> • Na pasku menu kliknij Program Run → Program Run (AltoStar® Purification) [Programuj serię → Programuj serię (AltoStar® Purification)]. Możesz również wrócić do ekranu początkowego i kliknąć przycisk Program Run (Programuj serię). • Wprowadź próbki lub importuj dane z systemu LIMS. • Wybierz następujące testy dla próbek, jeśli nie zostały one wcześniej zaimportowane z systemu LIMS: <ul style="list-style-type: none"> ◦ AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 • Kliknij przycisk Create Run (Utwórz serię) na pasku narzędzi, aby utworzyć serię AltoStar®.

Krok	Działanie
4. Rozpocznij serię oczyszczania	<ul style="list-style-type: none"> • Na pasku menu kliknij opcję Purification → Start Purification (Oczyszczanie → Rozpocznij oczyszczanie). Możesz również wrócić do ekranu początkowego i kliknąć przycisk Start Purification (Rozpocznij oczyszczanie). • Wybierz serię oczyszczania, która ma być rozpoczęta, aby wyświetlić próbki uwzględnione w wybranej serii oczyszczania. • Przygotuj odczynniki do oczyszczania: <ul style="list-style-type: none"> ◦ Upewnij się, że stosowane odczynniki do oczyszczania mają taki sam numer załadunkowy (za wyjątkiem AltoStar® Internal Control 1.5) oraz nie został przekroczony ich termin ważności. ◦ Jeśli w Lysis Buffer (Bufor lizujący) widoczne są osady, należy go ogrzać ($\leq +50$ °C) do momentu ich całkowitego rozpuszczenia. ◦ Poczekaj do rozmrożenia IC (AltoStar® Internal Control 1.5) oraz wytrząsaj przez 5 sekund. ◦ Wytrząsaj Magnetic Beads (Kulki magnetyczne) przez 5 sekund bez zwilżania zakrętki. • Przygotuj próbki do serii oczyszczania zgodnie z opisem podanym w instrukcji użytkowania zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5. • Kliknij przycisk Start Run (Rozpocznij badanie) na pasku narzędzi. • Postępuj zgodnie z informacjami podanymi w oknach dialogowych załadunek i załaduj urządzenie zgodnie z procedurą. • Zatwierdź okno dialogowe Loading complete (Załadunek zakończony) wybierając OK lub zaczekaj 10 sekund. <p>System automatycznie rozpocznie serię oczyszczania.</p>

Krok	Działanie
5. Zakończ serię oczyszczania	<ul style="list-style-type: none"><li data-bbox="445 229 995 304">• Upewnij się, że tacka załadunkowa jest pusta i naciśnij przycisk OK, aby zamknąć okno dialogowe Run finished (Badanie zakończone).<li data-bbox="445 320 995 395">• Postępuj zgodnie z instrukcjami wyświetlanymi w oknie dialogowym Maintenance (Konserwacja) i kliknij przycisk OK, aby potwierdzić.<li data-bbox="445 411 995 486">• Zamknij i przechowuj składniki zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5, nadające się do ponownego wykorzystania. <p data-bbox="421 502 995 561">Eluaty w otwartej płytce z eluatem zachowują stabilność w temperaturze pokojowej (maks. +30 °C) przez 4 godziny.</p> <ul style="list-style-type: none"><li data-bbox="445 577 995 707">• Jeśli dana konfiguracja płytki do PCR nie zostanie wykonana natychmiast, zamknij płytkę z eluatem z użyciem folii do zamykania płytek z eluatem i przechowuj w temperaturze od +2 °C do +8 °C przez okres nieprzekraczający 24 godzin.<li data-bbox="445 722 995 770">• Przejrzyj wyniki serii oczyszczania, aby potwierdzić, że wszystkie próbki zostały prawidłowo przetworzone.

Krok	Działanie
<p>6. Rozpocznij konfigurację płytki do PCR</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Na pasku menu kliknij PCR Setup → Start PCR Setup (Konfiguracja płytki do PCR → Rozpocznij konfigurację płytki do PCR). Możesz również wrócić do ekranu początkowego i kliknąć przycisk Start PCR Setup (Rozpocznij konfigurację płytki do PCR). • Wybierz konfigurację płytki do PCR, która ma zostać wykonana, aby wyświetlić płytkę z eluatem i odczynniki uwzględnione w wybranej konfiguracji płytki do PCR. • Przygotuj odczynniki PCR: <ul style="list-style-type: none"> ◦ Upewnij się, że mieszaniny reakcyjne master i kontrole są z tego samego numeru partii zestawu, a ich termin ważności nie został przekroczony. ◦ Odczekaj do rozmrożenia wymaganej liczby próbek z mieszaniną reakcyjną master i kontrolami, krótko wytrząśnij i odwiruj w wirówce. • Jeśli płytka z eluatem jest zamknięta, odwiruj ją krótko i ostrożnie otwórz. • Kliknij przycisk Start Run (Rozpocznij badanie) na pasku narzędzi. • Postępuj zgodnie z informacjami podanymi w oknie dialogowym Loading (Załadunek) i załaduj urządzenie zgodnie z procedurą. • Zatwierdź okno dialogowe Loading complete (Załadunek zakończony) wybierając OK lub zaczekaj 10 sekund. <p>System automatycznie rozpocznie konfigurację płytki do PCR.</p>
<p>7. Zakończ konfigurację płytki do PCR</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Upewnij się, że tacka załadunkowa jest pusta i naciśnij przycisk OK, aby zamknąć okno dialogowe Run finished (Badanie zakończone). • Postępuj zgodnie z instrukcjami wyświetlanymi w oknie dialogowym Maintenance (Konserwacja) i kliknij przycisk OK, aby potwierdzić. • Zamknij i przechowuj składniki zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5, nadające się do ponownego wykorzystania. • Przejrzyj wyniki konfiguracji płytki do PCR, aby potwierdzić, że wszystkie próbki zostały prawidłowo przetworzone.

Krok	Działanie
8. Zamknij płytkę do PCR	<ul style="list-style-type: none"> Zamknij płytkę do PCR folią do zamykania płytek do PCR.
9. Rozpocznij badanie PCR	<ul style="list-style-type: none"> Włącz zasilanie urządzenia CFX96™ DW Dx oraz podłączonego komputera i monitora. Uruchom oprogramowanie CFX Manager™ Dx. Otwórz urządzenie CFX96™ DW Dx. Odwiruj płytkę do PCR i włóż ją do urządzenia CFX96™ DW Dx. Na pasku menu wybierz polecenie File → Open → LIMS File... (Plik → Otwórz → Plik LIMS...). Zeskanuj kod kreskowy płytki do PCR za pomocą ręcznego skanera kodów kreskowych. Zamknij urządzenie CFX96™ DW Dx. Kliknij przycisk Start Run (Rozpocznij badanie), aby rozpocząć badanie PCR. Podaj nazwę i zapisz plik badania PCR. <p>Urządzenie CFX96™ DW Dx automatycznie wykona badanie PCR.</p>
10. Przygotuj testy do indywidualnej analizy	<ul style="list-style-type: none"> Przygotuj wszystkie testy w badaniu PCR do indywidualnych studzienek reakcyjnych.
11. Przeanalizuj dane i zinterpretuj wyniki badania PCR	<p>Dla każdej grupy studzienek reakcyjnych indywidualnie:</p> <ul style="list-style-type: none"> Wykonaj korektę linii bazowej we wszystkich studzienkach reakcyjnych dla wszystkich stosowanych kanałów detekcji. Wyklucz wszystkie studzienki reakcyjne z nieregularnymi sygnałami PCR. Ustaw wartości progowe dla wszystkich kanałów detekcji zgodnie z kontrolami. Wyklucz wszystkie studzienki reakcyjne zawierające nieprawidłowe dane. Utwórz plik wyników LIMS, aby wyeksportować wyniki do systemu LIMS. Utwórz raport z wynikami do manualnej interpretacji wyników.

OSTROŻNIE

Przechowywanie eluatów w nieprawidłowych warunkach może stać się przyczyną degradacji sekwencji docelowej JCV i może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

7.6.2 Programowanie badania AltoStar®

Szczegółowe informacje na temat sposobu wykonywania badań AltoStar® znajdują się w instrukcji użytkowania zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5, oprogramowania AltoStar® Connect oraz systemu AltoStar® AM16. Szczegółowe ustawienia dla zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 zostały podane poniżej:

- Dla oznaczeń ilościowych wybierane są QS1–4 i NTC, natomiast do oznaczeń jakościowych wybierane są QS4 i NTC.
- Wymagana objętość próbki wynosi 500 µl plus objętość martwa odpowiedniej probówki (patrz rozdział 7.1 Objętość próbki i 7.2 Probówki).
- Wymagana objętość eluatu dla zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 wynosi 10 µl.
- Upewnij się, że stosowana jest prawidłowa wersja protokołu testu. Informacje na temat aktualnej wersji protokołu znajdują się w rozdziale 16. Protokół testu dla oprogramowania AltoStar® Connect i informacje na temat integracji z systemem LIMS. Dany protokół testu jest zakodowany w postaci kodu kreskowego 2D przedstawionego poniżej. Informacje na temat oczyszczania i importowania protokołu testu do oprogramowania AltoStar® Connect znajdują się w odpowiedniej instrukcji użytkowania.

OSTROŻNIE

Nie należy używać wersji protokołu testu innego, niż wskazany na kodzie kreskowym 2D w niniejszej instrukcji użytkowania. Użycie nieprawidłowej wersji protokołu testu może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

7.6.3 Rozpoczęcie konfiguracji płytki do PCR

1. Kliknij **PCR Setup** → **Start PCR Setup** (Konfiguracja płytki do PCR → Rozpocznij konfigurację płytki do PCR) na pasku menu. Możesz również wrócić do ekranu początkowego oprogramowania AltoStar® Connect i nacisnąć przycisk **Start PCR Setup** (Rozpocznij konfigurację płytki do PCR). Wyświetlany jest ekran Start PCR Setup Run (Rozpocznij konfigurację płytki do PCR).

Badania oczekujące na wykonanie konfiguracji płytki do PCR są podane w tabeli Programmed PCR Setup Runs (Zaprogramowane konfiguracje płytki do PCR) po lewej stronie ekranu.

2. Wybierz z tabeli Programmed PCR Setup Runs (Zaprogramowane konfiguracje płytki do PCR) protokół PCR, który ma zostać wykonany.
 - Próbki włączone do wybranej konfiguracji płytki do PCR są wyświetlane w tabeli w prawym górnym rogu ekranu [Samples in selected PCR Setup Run (Próbki w wybranej konfiguracji płytki do PCR)].
 - QS i kontrole wymagane dla wybranej konfiguracji płytki do PCR są widoczne w tabeli na środku po prawej stronie ekranu [Controls in selected PCR Setup Run (Kontrole w wybranej konfiguracji płytki do PCR)].
 - Liczba probówek z mieszaniną reakcyjną master wymagana dla wybranej konfiguracji płytki do PCR jest widoczna w tabeli na dole po prawej stronie ekranu [Required master tubes for the selected PCR Setup Run (Wymagane probówki z mieszaniną reakcyjną master dla wybranej konfiguracji płytki do PCR)].

UWAGA



Liczba priorytetowych próbek w konfiguracji płytki do PCR jest widoczna w kolumnie **No. of prioritized Samples** (Liczba priorytetowych próbek). Wykonaj konfigurację płytki do PCR z priorytetowymi próbkami jako pierwszą, aby przyspieszyć przetwarzanie priorytetowych próbek.

Przed kliknięciem przycisku **Start Run** (Rozpocznij badanie) na pasku narzędzi, przygotuj wymagane odczynniki zgodnie z opisem w rozdziale 7.6.3.1 Przygotowanie odczynników do konfiguracji płytki do PCR. Jeśli płytka z eluatem wymagana dla konfiguracji płytki do PCR została zamknięta w celu przechowywania, należy ją przygotować zgodnie z instrukcjami użytkownika zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.6.3.1 Przygotowanie odczynników do konfiguracji płytki do PCR

1. Pozostaw do całkowitego rozmrożenia wymagane QS, kontrole i wymaganą liczbę probówek z mieszaniną reakcyjną master w temperaturze pokojowej (maks. +30 °C).
2. Wymieszaj odczynniki przez delikatne wytrząsanie.
3. Odwiruj krótko probówki, aby usunąć krople z zakrętki.

OSTROŻNIE



Brak odwirowania składników zestawu po rozmrożeniu może spowodować kontaminację pozostałościami odczynników na zakrętkach i negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

7.6.3.2 Przygotowanie systemu AltoStar® AM16 do konfiguracji płytki do PCR

Szczegółowe informacje na temat procesu przygotowania systemu AltoStar® AM16 znajdują się w instrukcji użytkowania systemu AltoStar® AM16 oraz oprogramowania AltoStar® Connect.

1. Kliknij przycisk **Start Run** (Rozpocznij badanie) na pasku narzędzi na ekranie Start PCR Setup Run (Rozpocznij konfigurację płytki do PCR), aby wyświetlić okno dialogowe Loading (Załadunek).

Okno dialogowe Loading (Załadunek) składa się w górnej części z graficznej prezentacji obszaru roboczego AltoStar® AM16 oraz z tabeli przedstawiającej potrzebne statywy i sposób ich umieszczenia w odpowiednich miejscach obszaru roboczego systemu AltoStar® AM16 oraz z materiału który ma zostać umieszczony w każdym ze statywów oraz uwagi dotyczące załadunku statywów.

UWAGA

W celu wizualizacji pozycji elementu na statywie oraz pozycji statywu na obszarze roboczym systemu AltoStar® AM16 wybierz odpowiedni wiersz w tabeli w oknie dialogowym Loading (Załadunek).



Pozycje elementu i statywu są przedstawione w postaci wizualnej:

- Wyróżnione kolorem czerwonym na schemacie graficznym obszaru roboczego urządzenia
- Na systemie AltoStar® AM16 za pomocą migających kontrolki załadunku nad obszarem, w którym ustawiony jest wybrany statyw

2. Załaduj wymagany materiał, przygotowane płytki z eluatem i przygotowane odczynniki na odpowiednie statywy.

- Wymieniaj wyłącznie **całkowicie puste** zestawy końcówek 1000 µl na **całkowicie pełne** zestawy końcówek 1000 µl na statywie końcówek.
- Wymieniaj wyłącznie **całkowicie puste** zestawy końcówek 300 µl na **całkowicie pełne** zestawy końcówek 300 µl na statywie końcówek i płytek.

UWAGA

Wymiana zestawów końcówek, które nie są całkowicie puste, jak również manipulowanie pojedynczymi końcówkami może zakłócać automatyczne zarządzanie końcówkami i spowodować anulowanie badania.

- Wstaw płytkę z eluatem w taki sposób, aby studzienka A1 znalazła się po lewej stronie czarnej pozycji płytki.
- Wstaw płytkę do PCR w taki sposób, aby studzienka A1 znalazła się w pozycji po lewej stronie srebrnej przedniej pozycji płytki.
- Załaduj statyw na 24 probówki z jedną nową probówką zbiorczą dla każdego testu w konfiguracji płytki do PCR.
- Ostrożnie dociśnij probówki do dna statywu i obróć je tak, aby ich kody kreskowe były widoczne przez okienko statywu.
- Załaduj statyw na 32 probówki komponentami wymaganymi do badania PCR potrzebnymi do konfiguracji płytki PCR.
- Ostrożnie dociśnij probówki do dna statywu i obróć je tak, aby ich kody kreskowe były widoczne przez okienko statywu.

UWAGA

Pozycja pojedynczych probówek na statywie jest dowolna.

UWAGA

Objętość załadowanych składników nie jest sprawdzana przez system przed przetwarzaniem. Nieprawidłowa objętość składnika uniemożliwi prawidłowe wykonanie badania PCR.

UWAGA

Rozpoczęcie konfiguracji płytki do PCR z założonymi zakrętkami probówek może spowodować anulowanie badania.

3. Załaduj statywy w taki sposób, aby kod kreskowy statywu znajdował się na jego tylnej części po prawej stronie.
4. Ustaw wypełnione statywy w odpowiednich prowadnicach pomiędzy przednimi i tylnymi bloczkami przesuwnej tacki załadunkowej do momentu, gdy zetkną się one z haczykami ograniczającymi po przeciwnej stronie tacki załadunkowej.

UWAGA

Wsuwanie statywów za haczyki ograniczające może spowodować uszkodzenie urządzenia i wpływać na proces załadunku.

5. Sprawdź, czy tacka do zrzutu końcówek i pojemnik na zużyte końcówki są ustawione w prawidłowym położeniu, a w pojemniku umieszczony jest nowy woreczek na odpady.
6. Kliknij przycisk **OK** w oknie dialogowym Loading (Załadunek), aby kontynuować proces załadunku.

UWAGA

Kliknij przycisk **Cancel** (Anuluj), aby anulować konfigurację płytki do PCR. Badanie może być uruchomione ponownie (patrz rozdział 7.6.3 Rozpoczęcie konfiguracji płytki do PCR).

System AltoStar® AM16 pobiera statywy do wnętrza urządzenia i weryfikuje kody kreskowe.

UWAGA

System AltoStar® AM16 automatycznie weryfikuje:



- Prawidłowy typ i lokalizację załadowanych statywów
- Prawidłową identyfikację i pozycję elementów załadowanych na statywy
- Zgodność partii składników indywidualnych zestawów AltoStar®
- Termin ważności załadowanych składników zestawów AltoStar®
- Prawidłowe ustawienie tacki do zrzutu końcówek

W razie nieprawidłowych rezultatów weryfikacji, wyświetlany jest komunikat z opisem problemu oraz instrukcje dotyczące jego rozwiązania. Szczegółowe informacje na temat rozwiązywania problemów znajdują się w instrukcji użytkownika oprogramowania AltoStar® Connect.

UWAGA



Zmiana pozycji jakichkolwiek elementów po umieszczeniu statywu w urządzeniu może spowodować anulowanie konfiguracji płytki do PCR i/ lub uszkodzenie urządzenia.

Po zakończeniu weryfikacji wyświetlane jest okno dialogowe Loading complete (Załadunek zakończony).

7. Zatwierdź okno dialogowe Loading complete (Załadunek zakończony) wybierając **OK** lub zaczekaj 10 sekund do automatycznego uruchomienia procesu.

UWAGA



Kliknij przycisk **Cancel** (Anuluj), aby anulować konfigurację płytki do PCR. Badanie może być uruchomione ponownie (patrz rozdział 7.6.3 Rozpoczęcie konfiguracji płytki do PCR).

Konfiguracja płytki do PCR zostanie uruchomiona i wykonana bez udziału użytkownika.

7.6.3.3 Postępowanie podczas konfiguracji płytki do PCR

Nie są wymagane żadne działania użytkownika do momentu zakończenia konfiguracji płytki do PCR. Wyświetlany jest ekran Processing Status (Stan przetwarzania), na którym wyświetlany jest stan konfiguracji płytki do PCR oraz szacunkowy pozostały czas.

UWAGA



Popchnięcie lub pociągnięcie statywów lub drzwiczek systemu AltoStar® AM16 podczas konfiguracji płytki do PCR może spowodować anulowanie badania.

7.6.4 Zakończenie konfiguracji płytki do PCR

Po zakończeniu konfiguracji płytki do PCR wyświetlane jest okno dialogowe Run finished (Badanie zakończone).

1. Upewnij się, że taca załadunkowa jest pusta.
2. Kliknij przycisk **OK**, aby zamknąć okno dialogowe Run finished (Badanie zakończone).

System AltoStar® AM16 wyładuje wszystkie statywy. Nie należy blokować obszaru wyładunku statywów.

Po wyładunku wyświetlane jest okno dialogowe Maintenance (Konserwacja).

3. Należy postępować zgodnie z instrukcjami wyświetlanymi w oknie dialogowym Maintenance (Konserwacja).

W oknie dialogowym, w tabeli wyświetlana jest liczba reakcji w probówkach z mieszaniną reakcyjną master, które nie zostały użyte w konfiguracji płytki do PCR.

4. Jeśli ma być rozpoczęta kolejna konfiguracja płytki do PCR, w której wykorzystywana ma być ta sama płytka z eluatem, płytkę można pozostawić otwartą w tym samym położeniu na statywie. W **innym** przypadku, płytkę z eluatem należy zamknąć i przechowywać w odpowiednim miejscu. Szczegółowe informacje znajdują się w instrukcji użytkowania zestawu AltoStar® Purification Kit 1.5.

UWAGA



Eluaty na płytce z eluatem zachowują stabilność w temperaturze pokojowej (maks. +30 °C) przez 4 godziny po zakończeniu serii oczyszczania.

5. Zamknąć probówki z odczynnikami odpowiednimi nowymi zakrętkami.

OSTROŻNIE



Nie używaj ponownie zakrętek do probówek, aby uniknąć kontaminacji odczynników, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

6. Odczynniki można przechowywać do ponownego wykorzystania zgodnie z instrukcjami w rozdziale 4.2 Zastosowanie.
7. Należy utylizować wszystkie zużyte materiały (patrz rozdział 10. Utylizacja).
8. Kliknij przycisk **OK**, aby zamknąć okno dialogowe Maintenance (Konserwacja).

7.6.4.1 Wyniki konfiguracji płytki do PCR

Wyniki konfiguracji płytki do PCR są zapisywane w oprogramowaniu AltoStar® Connect.

1. Kliknij **PCR Setup** → **PCR Setup Results** (Konfiguracja płytki do PCR → Wyniki konfiguracji płytki do PCR) na pasku menu, aby przejść do ekranu Results (Wyniki).

Na ekranie Results (Wyniki) widoczna jest tabela ze wszystkimi próbkami użytymi podczas ostatniej konfiguracji płytki do PCR oraz kolumna **Status** (Stan) po prawej stronie, w której widoczna jest informacja, czy proces konfiguracji płytki do PCR dla danej próbki został ukończony (patrz tabela 6).

Tabela 6: Wyniki konfiguracji płytki do PCR

Status (Stan)	Wynik konfiguracji płytki do PCR
Processed (Przetworzono)	<ul style="list-style-type: none"> • Eluat został pomyślnie wykorzystany podczas konfiguracji płytki do PCR. • Otrzymana mieszanina PCR jest gotowa do użycia podczas badania PCR.
Error (Błąd)	<ul style="list-style-type: none"> • Wykorzystanie/Przetwarzanie eluatu nie powiodło się. • Dana mieszanina PCR zostanie automatycznie pominięta podczas następującego testu PCR.

2. Aby wyświetlić wyniki poprzednich konfiguracji płytek do PCR, kliknij przycisk **Load** (Wczytaj) na pasku menu, wybierz wymaganą konfigurację płytek do PCR z listy w oknie dialogowym Load Results (Wczytaj wyniki) i kliknij przycisk **OK**.

Oprogramowanie AltoStar® Connect generuje automatycznie 3 pliki z wynikami konfiguracji płytki do PCR:

- Plik LIMS file (.xml) zawiera szczegółowe informacje na temat wyników konfiguracji płytki do PCR wraz z wynikami do systemu LIMS
- Plik raportu (.pdf) zawiera szczegółowe informacje na temat wyników konfiguracji płytki do PCR wraz z wynikami do celów dokumentacji
- Plik cyklera (.plrn) przeznaczony jest do automatycznego programowania urządzenia CFX96™ DW Dx

Pliki te są zapisywane w lokalizacji podanej w ustawieniach systemu w oprogramowaniu AltoStar® Connect.

UWAGA



Pliki z wynikami konfiguracji płytki do PCR mogą być wygenerowane ponownie przez wczytanie odpowiedniej konfiguracji płytki do PCR i kliknięcie przycisku **Create LIMS File** (Utwórz plik LIMS) w celu utworzenia pliku LIMS, przycisku **Create Report** (Utwórz raport) w celu utworzenia pliku raportu lub przycisku **Create Bio-Rad Cycler File** (Utwórz plik cyklera Bio-Rad) w celu utworzenia pliku cyklera.

7.6.5 Zamykanie płytki do PCR

Po zakończeniu konfiguracji płytki do PCR, płytkę do PCR należy zamknąć folią do zamykania płytek do PCR. Zalecane jest użycie urządzenia AltoStar® Plate Sealer [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)] lub PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad). Możliwość stosowania urządzeń do zamykania płytek innych niż zalecane wymaga dodatkowej walidacji przez użytkownika.

W przypadku użycia jednego z zalecanych urządzeń do zamykania płytek:

1. Włącz urządzenie do zamykania płytek i upewnij się, że adapter płytki nie jest umieszczony w szufladzie.
2. Upewnij się, że wybrano następujące ustawienia urządzenia do zamykania płytek:

Tabela 7: Ustawienia urządzenia do zamykania płytek

Urządzenie do zamykania płytek	Ustawienia	
	Temperatura [°C]	Czas [s]
AltoStar® Plate Sealer [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)]	170	2
PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad)	175	3

3. Odczekaj do osiągnięcia ustawionej temperatury. Może to trwać kilka minut.
4. Umieść płytkę do PCR na adapterze płytki urządzenia do zamykania płytek.
5. Umieść folię do zamykania płytek do PCR nadrukiem „THIS SIDE UP” w widocznym miejscu u góry. Upewnij się, że wszystkie studzienki reakcyjne płytki do PCR są zakryte folią i żadna studzienka nie jest zasłonięta napisem.

UWAGA

Obsługa urządzenia do zamykania płytek bez adaptera płytki w szufladzie może uniemożliwić prawidłowe działanie urządzenia do zamykania płytek. Skontaktuj się z działem pomocy technicznej altona Diagnostics, aby uzyskać pomoc (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

UWAGA

W przypadku nieprawidłowego ułożenia folii do zamykania płytek do PCR lub ramki, folia może przylec do płyty grzejnej urządzenia do zamykania płytek. Może to uniemożliwić prawidłowe działanie urządzenia do zamykania płytek. W takim przypadku, lub jeśli płytki zostały zamknięte bez użycia folii do zamykania płytek, należy odczekać do obniżenia się temperatury urządzenia do zamykania płytek i skontaktować się z działem pomocy technicznej altona Diagnostics, aby uzyskać pomoc (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

6. Zamocuj w górnej części ramkę zamykającą, która przytrzymuje folię do zamykania płytek.
7. Naciśnij przycisk **Operate** (Uruchom)*/ **, aby otworzyć szufladę.
8. Umieść zestaw składający się z adaptera płytki, płytki do PCR, folii do zamykania płytek do PCR oraz ramki zamykającej w urządzeniu do zamykania płytek i naciśnij przycisk **Operate** (Uruchom)*/ **.
9. Szuflada zamyka się automatycznie, przez ustawiony czas płytka jest zamykana, a następnie szuflada otwiera się automatycznie.
10. Wyjmij zamkniętą płytkę do PCR oraz adapter płytki z urządzenia do zamykania płytek i naciśnij przycisk **Close** (Zamknij)*/ **, aby zamknąć urządzenie do zamykania płytek.

* AltoStar® Plate Sealer [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)]

**PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad)

7.6.5.1 Stabilność mieszaniny PCR

Po zakończeniu konfiguracji płytki do PCR, mieszanina PCR w zamkniętej płytce do PCR zachowuje stabilność w temperaturze pokojowej (maks. +30 °C) przez 30 minut.

OSTROŻNIE

Nie należy przekraczać czasu przechowywania mieszaniny PCR, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

7.6.6 Rozpoczęcie badania PCR

Badanie PCR jest wykonywane na urządzeniu CFX96™ DW Dx pod kontrolą oprogramowania CFX Manager™ Dx.

1. Włącz zasilanie urządzenia CFX96™ DW Dx, podłączonego komputera i monitora.
2. Uruchom oprogramowanie CFX Manager™ Dx.
3. Na pasku menu oprogramowania CFX Manager™ Dx wybierz **File** → **Open** → **LIMS File...** (Plik → Otwórz → Plik LIMS...), aby otworzyć okno dialogowe Open LIMS File (Otwórz plik LIMS).
4. W oknie dialogowym Open LIMS File (Otwórz plik LIMS) upewnij się, że kursor w polu **File name** (Nazwa pliku) w dolnej części okna miga. W innym przypadku kliknij pole **File name** (Nazwa pliku).
5. Zeskanuj kod kreskowy płytki do PCR za pomocą ręcznego skanera kodów kreskowych, aby automatycznie wybrać i otworzyć prawidłowy plik LIMS. Wyświetlane jest okno dialogowe Run Setup (Konfiguracja badania).

UWAGA

Wszystkie parametry wymagane do rozpoczęcia badania PCR są przenoszone automatycznie z oprogramowania AltoStar® Connect do urządzenia CFX96™ DW Dx w postaci pliku cyklera.

6. Kliknij przycisk **Open Lid** (Otwórz pokrywę) w oknie dialogowym Run Setup (Konfiguracja badania), aby otworzyć pokrywę urządzenia CFX96™ DW Dx.
7. Odwiruj krótko zamkniętą płytkę do PCR, aby upewnić się, że cała zawartość znajduje się na dnie studzienek reakcyjnych.
8. Włóż zamkniętą płytkę do PCR do bloku grzejnego urządzenia CFX96™ DW Dx w taki sposób, aby studzienka A1 znalazła się po lewej stronie.

9. Zamknij urządzenie CFX96™ DW Dx klikając przycisk **Close Lid** (Zamknij pokrywę) w oknie dialogowym Run Setup (Konfiguracja badania).
10. Rozpocznij badanie PCR klikając **Start Run** (Rozpocznij badanie) w oknie dialogowym Run Setup (Konfiguracja badania).

7.6.6.1 Postępowanie podczas badania PCR

Nie są wymagane żadne działania użytkownika do momentu zakończenia badania PCR. Wyświetlane jest okno dialogowe Run Details (Szczegóły badania), w którym widoczny jest stan badania PCR oraz szacunkowy pozostały czas.

UWAGA



Otwarcie pokrywy urządzenia CFX96™ DW Dx podczas wykonywania badania PCR przez naciśnięcie przycisku z przodu pokrywy lub kliknięcie przycisku **Open Lid** (Otwórz pokrywę) w oknie dialogowym Run Details (Szczegóły badania) spowoduje anulowanie badania i unieważnienie wszystkich wyników.

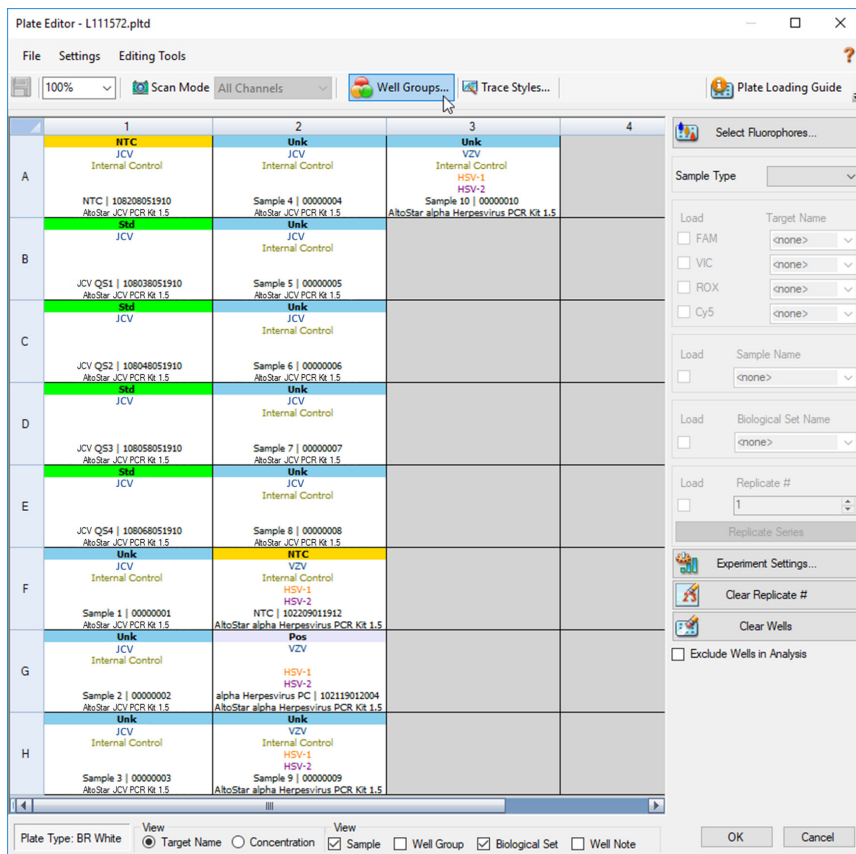
Po zakończeniu badania PCR wyświetlane jest okno Data Analysis (Analiza danych), w którym widoczne są krzywe amplifikacji, układ płytki i wyniki.

7.6.6.2 Przyporządkowanie testów do grup studzienek reakcyjnych

Zautomatyzowana procedura badania AltoStar® Workflow obejmuje przetwarzanie jednego lub kilku testów równocześnie na jednej płytce PCR. Każdy test wymaga indywidualnej analizy przez użytkownika zgodnie z instrukcjami użytkownika danego testu.

W tym celu, wszystkie testy na płytce PCR powinny być przyporządkowane przez użytkownika do poszczególnych grup studzienek reakcyjnych w oprogramowaniu CFX Manager™ Dx.

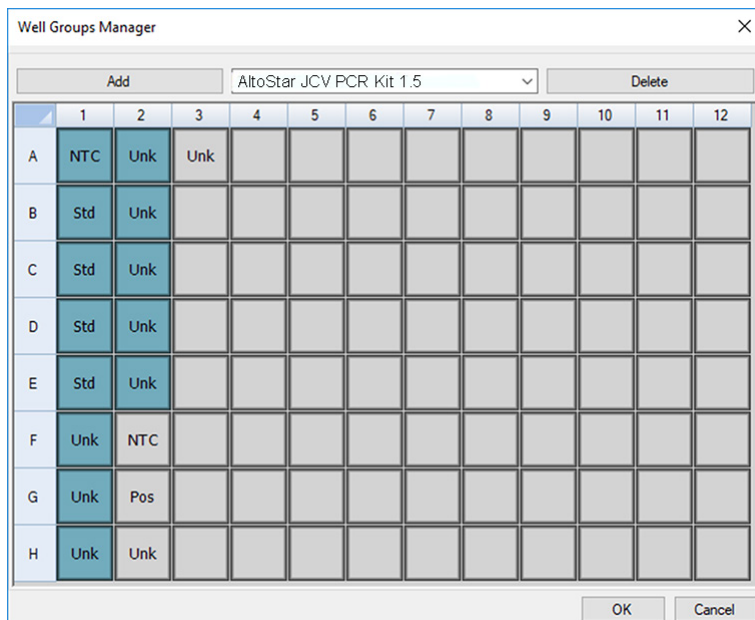
1. W oknie Data Analysis (Analiza danych), na pasku narzędzi kliknij przycisk **Plate Setup** (Konfiguracja płytki) i wybierz polecenie **View/Edit Plate** (Podgląd/Edycja płytki). Wyświetlone zostanie okno dialogowe Plate Editor (Edytor płytki) (patrz rysunek 1).



Rysunek 1: Okno dialogowe Plate Editor (Edytor płytki)

2. W oknie dialogowym Plate Editor (Edytor płytki), na pasku narzędzi kliknij opcję **Well Groups...** (Grupy studzienek reakcyjnych...). Wyświetlone zostanie okno dialogowe Well Groups Manager (Menedżer grup studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 2).
3. Kliknij przycisk **Add** (Dodaj).
4. Wprowadź nazwę pierwszego oznaczenia w polu tekstowym.

- Wybierz wszystkie studzienki reakcyjne w obszarze płytki do PCR, który należy do pierwszego testu (patrz rysunek 2). Studzienki reakcyjne przyporządkowane do indywidualnego testu można zidentyfikować w oknie dialogowym Plate Editor (Edytor płytki) na podstawie wpisu w polu **Biological Set** (Zestaw biologiczny).

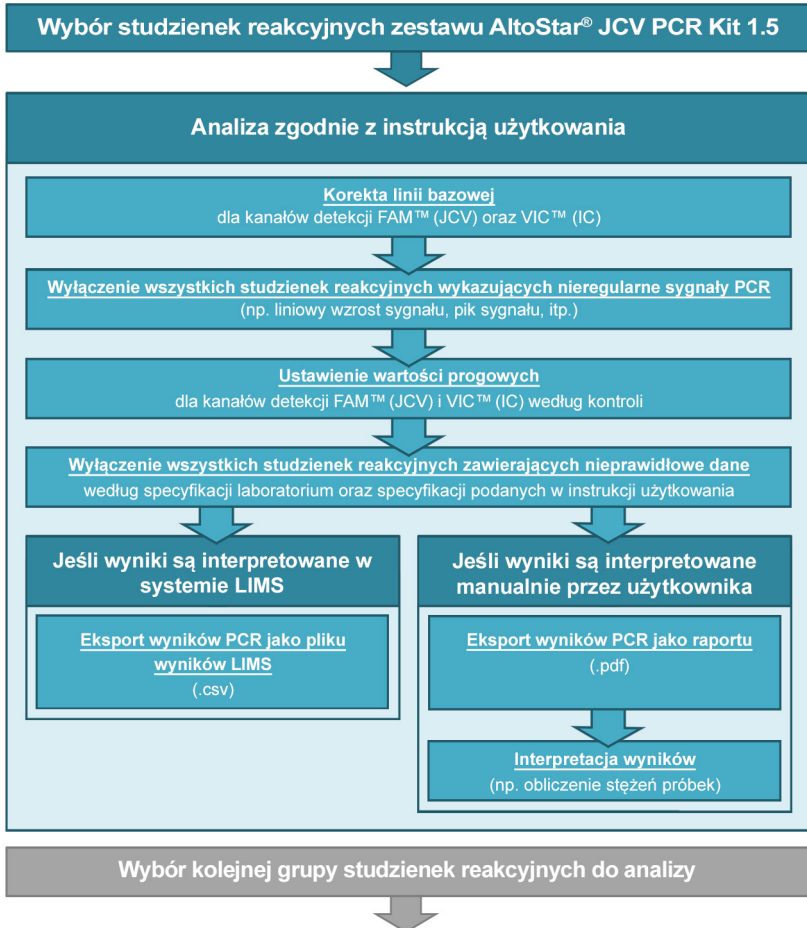


Rysunek 2: Okno dialogowe Well Groups Manager (Menedżer grup studzienek reakcyjnych)

- Powtórz kroki od 3 do 5 dla wszystkich oznaczeń na płytce do PCR.
- Kliknij przycisk **OK**, aby potwierdzić przyporządkowanie grupy studzienek reakcyjnych. Okno dialogowe Well Groups Manager (Menedżer grup studzienek reakcyjnych) jest zamykane.
- Kliknij przycisk **OK**, aby zamknąć okno dialogowe Plate Editor (Edytor płytki).
- Kliknij przycisk **Yes** (Tak), aby potwierdzić wprowadzone zmiany.

7.6.7 Analiza wyników PCR

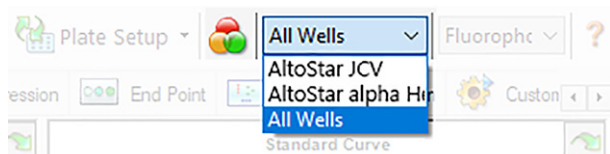
Wyniki wszystkich analiz (grupy studzienek reakcyjnych) na płytce do PCR wymagają analizy w kolejności przedstawionej na rysunku 3.



Rysunek 3: Proces analizy wyników PCR

W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Na pasku narzędzi, kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 4). Nie wybieraj opcji „All Wells” (Wszystkie studzienki reakcyjne) dla **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych). Ustawienia wybrane na rysunku 4 są przykładowe.

Przed analizą wyników upewnij się, że grupa studzienek reakcyjnych zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 obejmuje wszystkie grupy studzienek reakcyjnych zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 oraz nie obejmuje żadnych studzienek reakcyjnych pochodzących z innych testów.



Rysunek 4: Przycisk Well Group (Grupa studzienek reakcyjnych) i menu rozwijane Well Group (Grupa studzienek reakcyjnych)

UWAGA



Jednoczesna analiza więcej niż jednego oznaczenia może powodować nieprawidłowe wyniki.

OSTROŻNIE



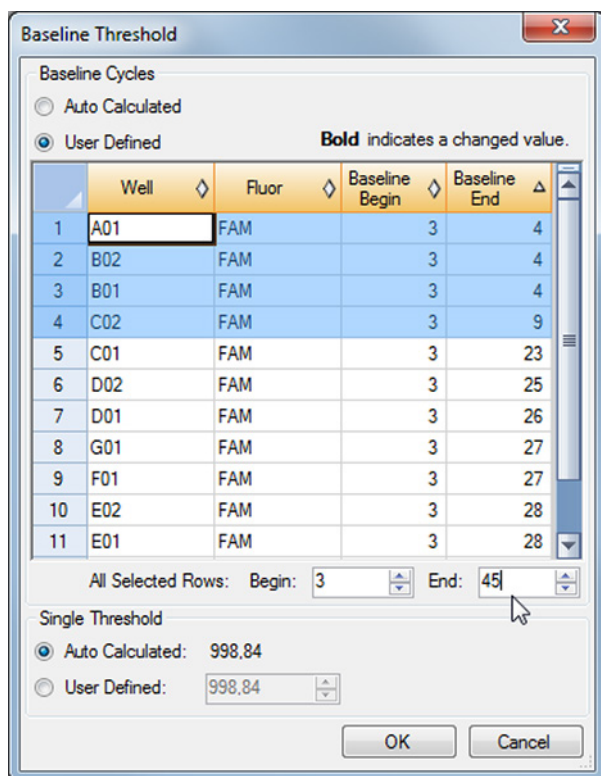
Podobnie jak w przypadku innych badań diagnostycznych, wyniki należy interpretować z uwzględnieniem danych klinicznych i laboratoryjnych.

7.6.7.1 Korekta linii bazowej

Ustawienia linii bazowej w oprogramowaniu CFX Manager™ Dx mogą wymagać korekty dla indywidualnych studzienek reakcyjnych [**Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych)] poddawanych analizie.

1. W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Na pasku narzędzi kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 4).
2. Po lewej stronie okna Data Analysis (Analiza danych) zaznacz pole wyboru **FAM** dla kanału detekcji sekwencji docelowej JCV.
3. Na pasku menu w oknie Data Analysis (Analiza danych) kliknij **Settings** → **Baseline Threshold...** (Ustawienia → Wartość progowa linii bazowej...), aby otworzyć okno dialogowe Baseline Threshold (Wartość progowa linii bazowej) (patrz rysunek 5).
4. Kliknij symbol \diamond w nagłówku kolumny **Baseline End** (Koniec linii bazowej), aby posortować tabelę według rosnących wartości **Baseline End** (Koniec linii bazowej).

- Wybierz wszystkie wiersze, dla których wartość **Baseline End** (Koniec linii bazowej) zawiera się w zakresie od 1 do 9 (patrz rysunek 5).



Rysunek 5: Okno dialogowe Baseline Threshold (Wartość progowa linii bazowej)

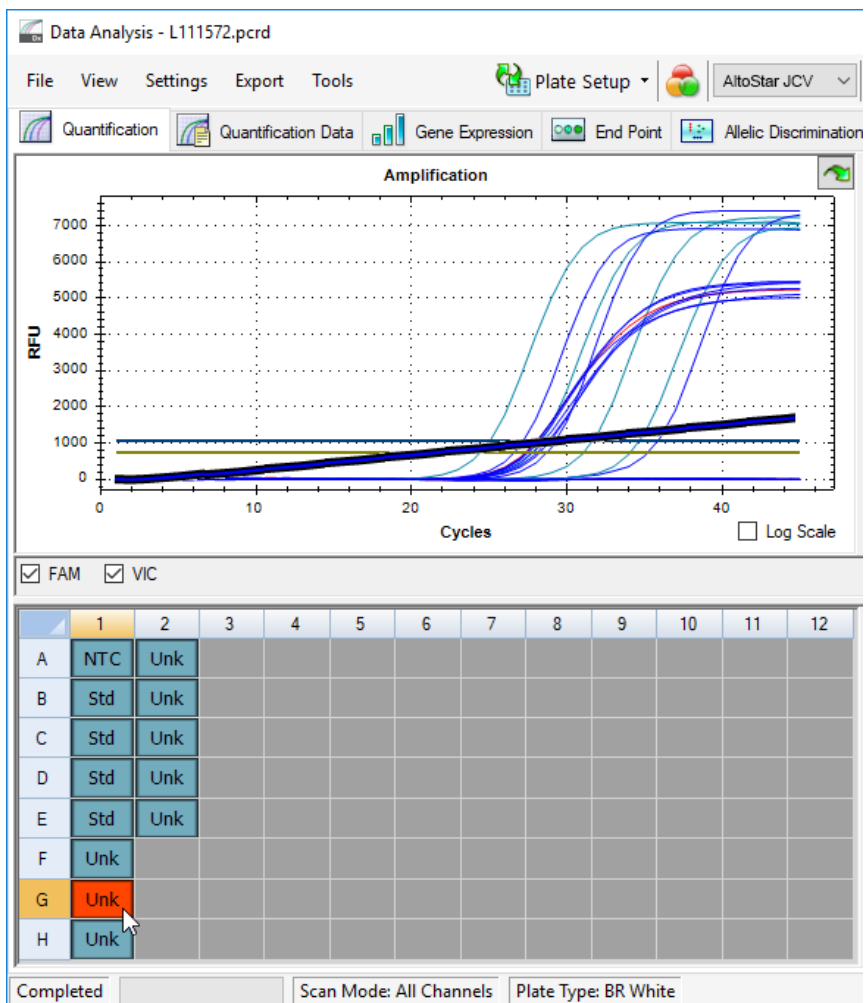
- Wprowadź wartość 45 w polu **End:** (Koniec:) dla wybranych wierszy (patrz rysunek 5).
- Kliknij przycisk **OK**, aby potwierdzić.
- Po lewej stronie okna Data Analysis (Analiza danych) odznacz pole wyboru **FAM** i zaznacz pole wyboru **VIC** dla kanału detekcji IC sekwencji docelowej.
- Powtórz kroki od 3 do 7 dla kanału detekcji VIC™ (IC).

7.6.7.2 Wykluczenie nieregularnych sygnałów PCR

Prawidłowe wyniki mogą być uzyskane wyłącznie na podstawie sygnałów PCR, które nie zawierają artefaktów spowodowanych na przykład zanieczyszczeniami lub pęcherzykami powietrza w mieszaninie PCR. Sygnały PCR zawierające artefakty powinny być wykluczone z analizy przez użytkownika.

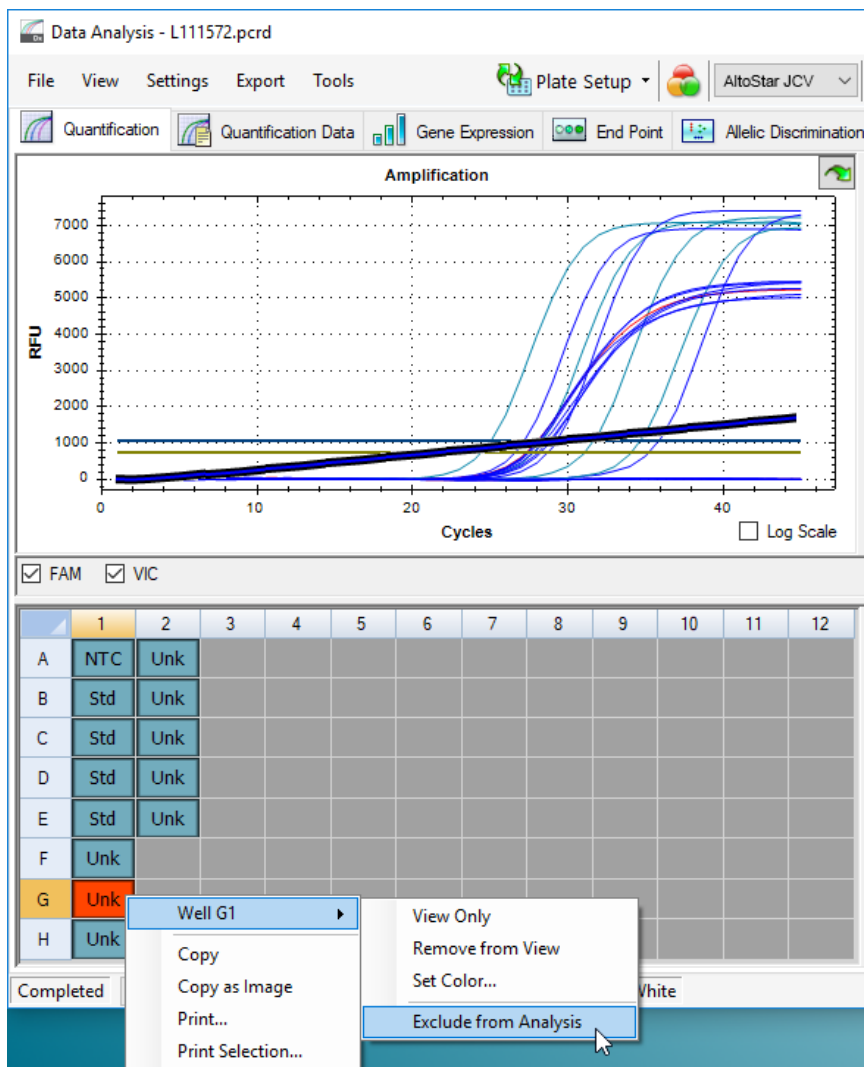
1. W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) na pasku narzędzi (patrz rysunek 4).

2. Zidentyfikuj studzienki reakcyjne o nieregularnych sygnałach PCR (liniowy wzrost sygnału, piki sygnału itp.) dla dowolnych kanałów detekcji FAM™ (sekwencja docelowa JCV) oraz VIC™ (IC) (patrz rysunek 6).



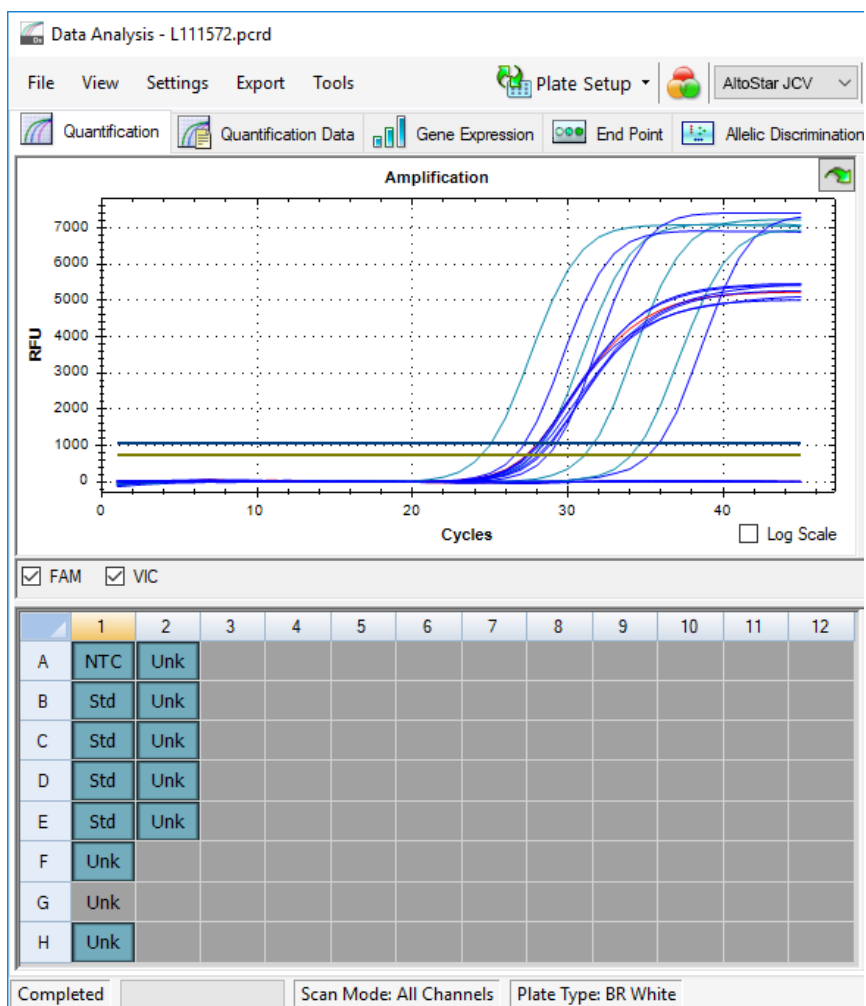
Rysunek 6: Okno Data Analysis (Analiza danych): nieregularny sygnał PCR

3. Kliknij wymagane studzienki reakcyjne prawym przyciskiem myszki i wybierz **Well...** → **Exclude from Analysis** (Studzienka reakcyjna... → Wyklucz z analizy) (patrz rysunek 7).



Rysunek 7: Okno Data Analysis (Analiza danych): wyklucz studzienki reakcyjne z analizy

4. Wybrana studzienka reakcyjna jest wykluczana z analizy. Dla tej studzienki reakcyjnej nie będą generowane żadne wyniki (patrz rysunek 8).



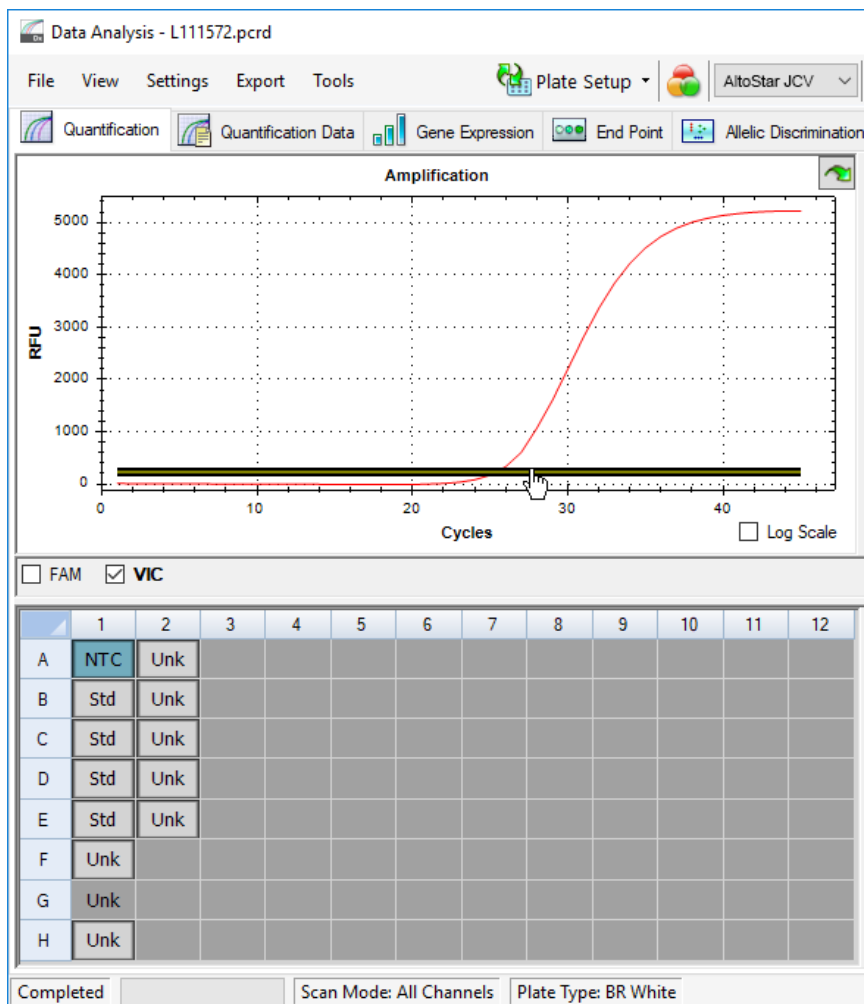
Rysunek 8: Okno Data Analysis (Analiza danych): wykluczona studzienka reakcyjna

7.6.7.3 Ustawienie wartości progowych

Wartości progowe dla kanałów detekcji FAM™ (sekwencja docelowa JCV) oraz VIC™ (IC) muszą być ustawione manualnie przez użytkownika zgodnie z sygnałami kontroli.

1. W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Na pasku narzędzi kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 4).

2. Po lewej stronie okna Data Analysis (Analiza danych) zaznacz wyłącznie pole wyboru **VIC** dla kanału detekcji IC (patrz rysunek 9).



Rysunek 9: Okno Data Analysis (Analiza danych): ustawienie wartości progowej VIC™

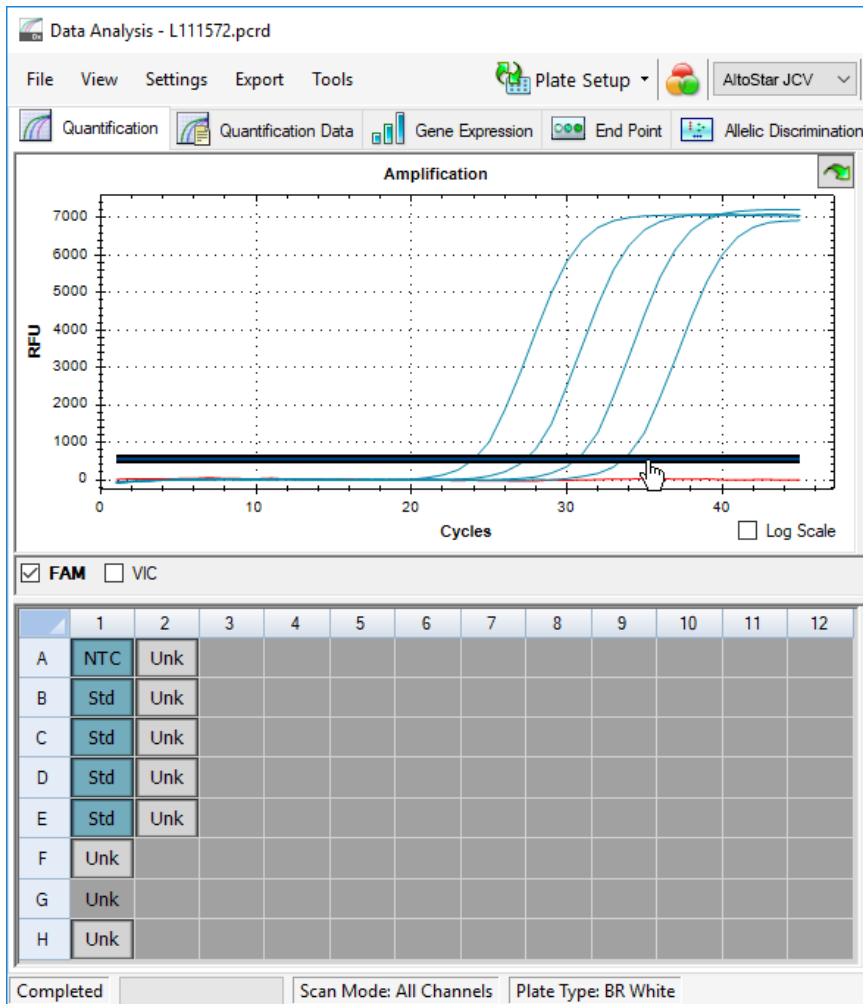
3. Wybierz wyłącznie studzienki reakcyjne NTC w widoku płytki w oknie Data Analysis (Analiza danych) (patrz rysunek 9).
4. Przeciągnij wartość progową do obszaru wykładniczego wzrostu sygnału NTC (patrz rysunek 9).

UWAGA



NTC zawiera matrycę IC, która generuje sygnał IC danej studzienki reakcyjnej NTC.

5. Po lewej stronie okna Data Analysis (Analiza danych) odznacz pole wyboru **VIC** i zaznacz pole wyboru **FAM** dla kanału detekcji sekwencji docelowej JCV (patrz rysunek 10).



Rysunek 10: Okno Data Analysis (Analiza danych): ustawienie wartości progowej FAM™

- Wybierz wyłącznie studzienki reakcyjne zawierające NTC oraz QS w widoku płytki w oknie Data Analysis (Analiza danych) (patrz rysunek 10).
- Przeciwnij wartość progową powyżej wartości sygnału NTC do obszaru wykładniczego wzrostu sygnału QS (patrz rysunek 10).

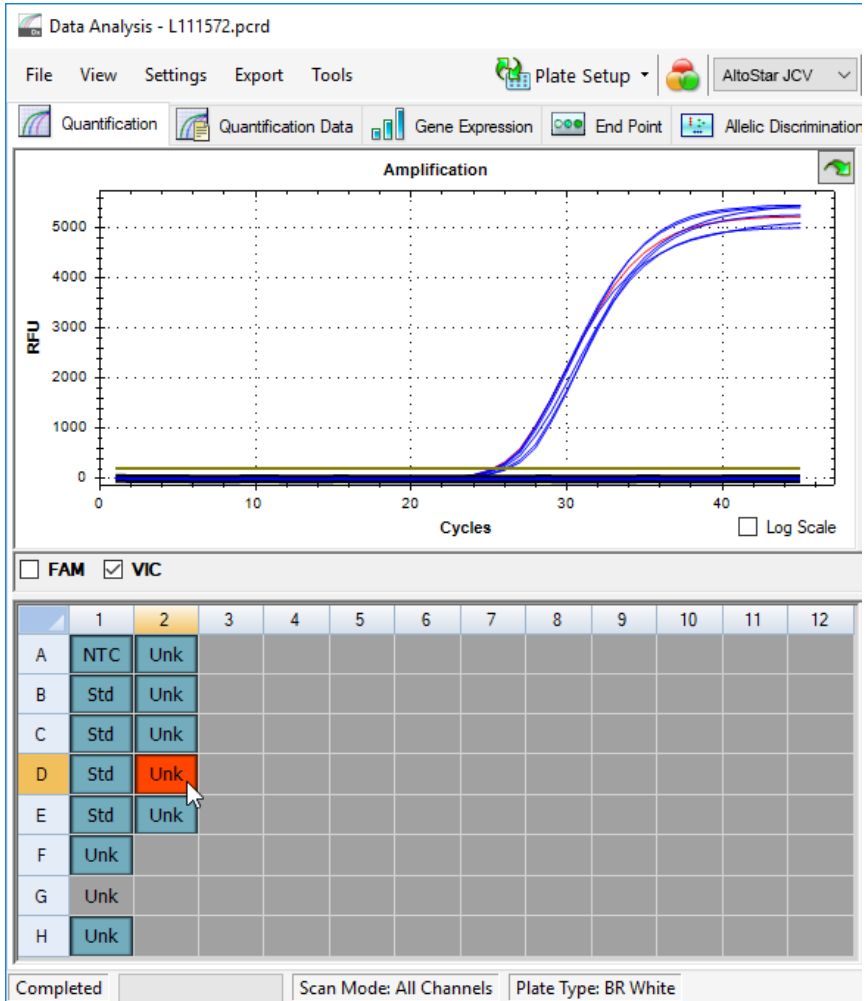
7.6.8 Prawidłowość wyników badania PCR

7.6.8.1 Wykluczenie studzienek reakcyjnych zawierających nieprawidłowe dane

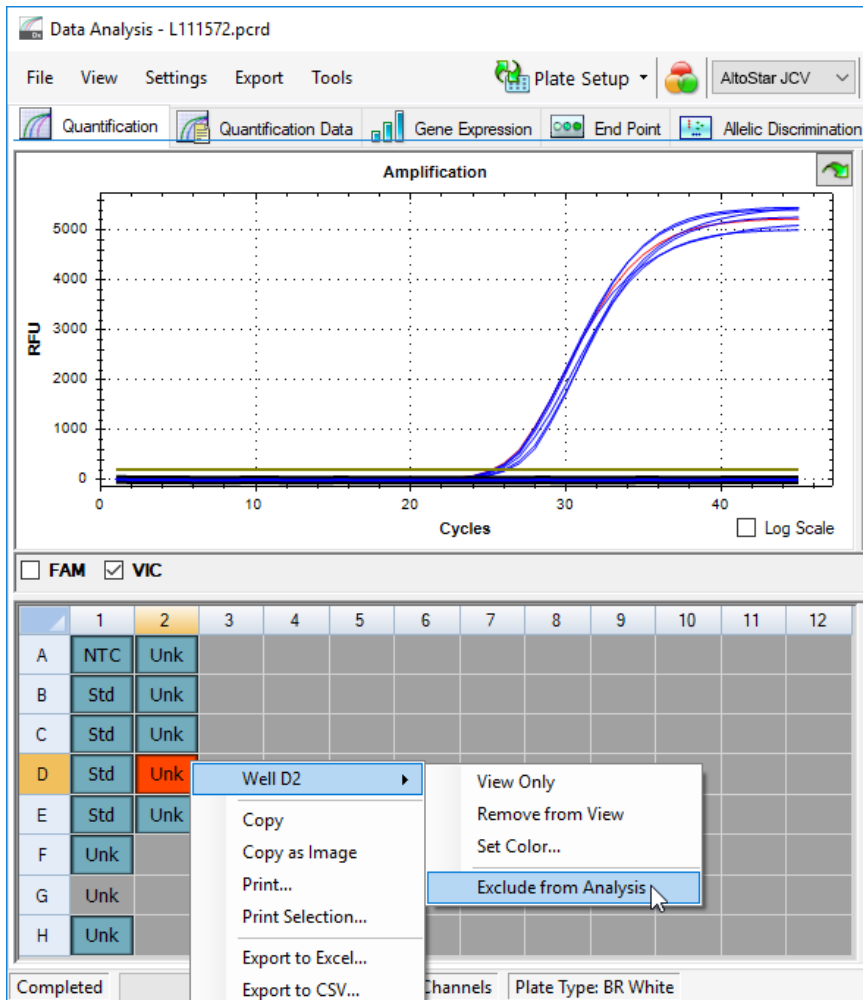
Studzienki reakcyjne, dla których nie są dostępne prawidłowe dane powinny być przez użytkownika wykluczone z generowania wyników.

1. W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Na pasku narzędzi kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 4).
2. Zidentyfikuj wszystkie studzienki reakcyjne zawierające nieprawidłowe dane. Studzienka reakcyjna jest nieprawidłowa, jeśli spełniony jest dowolny z poniższych warunków:
 - a) Cała seria badań jest nieprawidłowa (patrz rozdziały 7.6.8.2 Prawidłowość jakościowego badania diagnostycznego PCR i 7.6.8.3 Prawidłowość ilościowego badania diagnostycznego PCR).
 - b) Dane studzienki reakcyjne nie spełniają warunków kontrolnych dla prawidłowego wyniku (patrz rozdział 7.6.8.4 Prawidłowość wyników dla danej próbki).

3. Kliknij prawym przyciskiem myszki na wszystkie studzienki reakcyjne zawierające nieprawidłowe dane według rozdziałów 7.6.8.2 Prawdliwość jakościowego badania diagnostycznego PCR do 7.6.8.4 Prawdliwość wyników dla danej próbki i wybierz polecenie **Well...** → **Exclude from Analysis** (Studzienka reakcyjna... → Wyklucz z analizy) (patrz rysunek 11 i 12).



Rysunek 11: Okno Data Analysis (Analiza danych): nieprawidłowa studzienka reakcyjna



Rysunek 12: Okno Data Analysis (Analiza danych): wyklucz nieprawidłową studzienkę reakcyjną z analizy

Wybrana studzienka reakcyjna jest wykluczona z analizy. Dla danej studzienki reakcyjnej nie będą generowane żadne wyniki.

7.6.8.2 Prawidłowość jakościowego badania diagnostycznego PCR

Jakościowe badanie diagnostyczne PCR jest **prawidłowe**, jeśli zostały spełnione następujące warunki kontrolne:

Tabela 8: Warunki kontrolne dla prawidłowego jakościowego badania PCR

Kontrola	Kanał detekcji	
	FAM™ (sekwencja docelowa JCV)	VIC™ (IC)
QS	+	Nie dotyczy
NTC	-	+

Jakościowe badanie diagnostyczne PCR jest **nieprawidłowe**, jeśli:

- Badanie nie zostało ukończone.
- Jakiegokolwiek warunki kontrolne dla prawidłowego badania jakościowego diagnostycznego PCR nie zostały spełnione.

W przypadku nieprawidłowego badania diagnostycznego PCR, wszystkie studzienki reakcyjne należy wykluczyć z analizy i powtórzyć serię AltoStar® z użyciem pierwotnych próbek.

7.6.8.3 Prawidłowość ilościowego badania diagnostycznego PCR

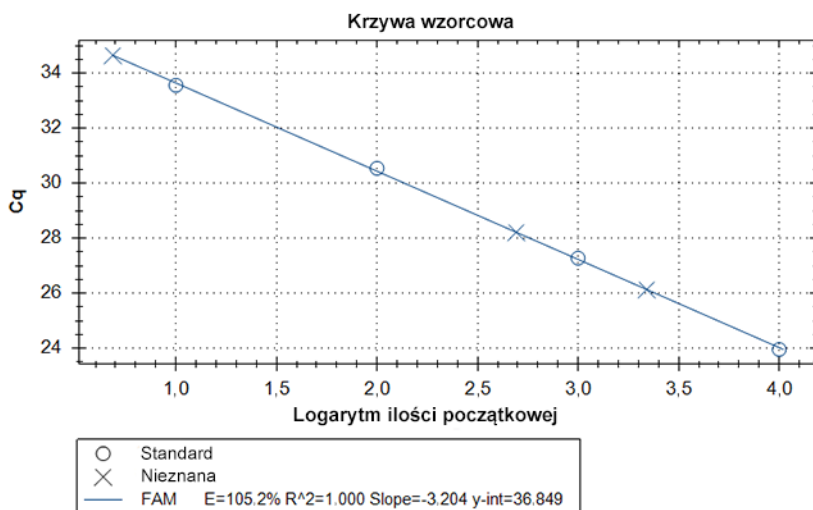
Ilościowe badanie diagnostyczne PCR jest **prawidłowe**, jeśli zostały spełnione następujące warunki kontrolne:

- Wszystkie warunki kontrolne dla prawidłowego ilościowego badania diagnostycznego PCR zostały spełnione (patrz rozdział 7.6.8.2 Prawidłowość jakościowego badania diagnostycznego PCR).
- Wyznaczona krzywa wzorcowa osiąga następującą wartość parametru kontrolnego:

Tabela 9: Parametr kontrolny krzywej wzorcowej

Parametr kontrolny	Prawidłowa wartość
R kwadrat (R^2)	$\geq 0,98$

Parametr kontrolny krzywej wzorcowej jest wyświetlany poniżej wykresu krzywej wzorcowej w oknie Data Analysis (Analiza danych) (patrz rysunek 13).

**Rysunek 13:** Dane krzywej wzorcowej

Ilościowe badanie diagnostyczne PCR jest **nieprawidłowe**, jeśli:

- Badanie nie zostało ukończone.
- Jakikolwiek warunki kontrolne dla prawidłowego ilościowego diagnostycznego badania PCR nie zostały spełnione.

W przypadku nieprawidłowego badania diagnostycznego PCR, wszystkie studzienki reakcyjne należy wykluczyć z analizy i powtórzyć serię AltoStar® z użyciem pierwotnych próbek.

7.6.8.4 Prawdliwość wyników dla danej próbki

Wynik dla indywidualnej próbki jest **nieprawidłowy**, jeśli sygnały w kanałach detekcji VIC™ (IC) i FAM™ (sekwencja docelowa JCV) dają wynik negatywny (patrz tabela 10). W przypadku nieprawidłowego wyniku dla danej próbki, studzienkę reakcyjną należy wykluczyć z analizy i powtórzyć test z użyciem pierwotnej próbki lub pobrać i wykonać test na nowej próbce.

Tabela 10: Prawdliwość wyniku

Kanał detekcji		Prawdliwość wyniku
FAM™ (sekwencja docelowa JCV)	VIC™ (IC)	
+	+	Wynik prawidłowy
+	-	Wynik prawidłowy*
-	+	Wynik prawidłowy
-	-	Wynik nieprawidłowy

* Detekcja IC nie jest wymagana w przypadku wykrycia sekwencji docelowej JCV. Wysokie stężenie próbki DNA JCV może powodować osłabienie lub brak sygnału IC.

7.6.9 Eksport wyników badania PCR do automatycznej analizy

Aby udostępnić wyniki badań PCR do podłączonego systemu LIMS do automatycznej analizy, należy je wyeksportować do pliku wyników LIMS (.csv).

1. W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Na pasku narzędzi kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 4).
2. Upewnij się, że wszystkie etapy procesu analizy (patrz rozdziały 7.6.7.1 Korekta linii bazowej do 7.6.8.1 Wykluczenie studzienek reakcyjnych zawierających nieprawidłowe dane) zostały ukończone dla grupy studzienek reakcyjnych zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5.
3. Na pasku menu okna Data Analysis (Analiza danych) kliknij **Export** → **Export All Data Sheets** (Eksport → Eksportuj wszystkie arkusze danych), aby otworzyć okno dialogowe Browse For Folder (Wybierz folder).

4. W oknie dialogowym Browse For Folder (Wybierz folder) podaj lokalizację plików wyników LIMS i kliknij przycisk **OK**.

UWAGA



Integracja z systemem LIMS powinna być wdrożona zgodnie ze specyfikacjami Altona Diagnostics. Informacje dotyczące integracji z systemem LIMS znajdują się w rozdziale 16. Protokół testu dla oprogramowania AltoStar® Connect i informacje na temat integracji z systemem LIMS można uzyskać w dziale pomocy technicznej Altona Diagnostics (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

UWAGA



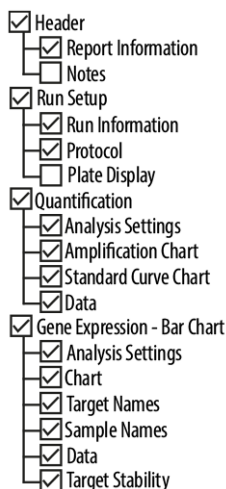
Zapisanie wyników więcej niż jednego testu (grupy studzienek reakcyjnych) z badania PCR w tym samym folderze spowoduje zastąpienie plików wyników LIMS pierwszego testu (grupy studzienek reakcyjnych) plikami wyników LIMS drugiego testu (grupy studzienek reakcyjnych). W tym przypadku, pliki wyników LIMS dla pierwszego testu (grupy studzienek reakcyjnych) można wyeksportować ponownie.

7.6.10 Eksport wyników badania PCR do manualnej analizy

Jeśli wyniki nie są przekazane do systemu LIMS do automatycznej analizy, analiza musi być wykonana manualnie przez użytkownika. W tym celu, wyniki analizy dla każdego testu (grupy studzienek reakcyjnych) należy eksportować w postaci raportu.

1. W oknie Data Analysis (Analiza danych) wybierz **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Na pasku narzędzi kliknij menu rozwijane **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) po prawej stronie przycisku **Well Group** (Grupa studzienek reakcyjnych) (patrz rysunek 4).
2. Po lewej stronie okna Data Analysis (Analiza danych) zaznacz pole wyboru **VIC** i pole wyboru **FAM**.
3. Upewnij się, że wszystkie etapy procesu analizy (patrz rozdziały 7.6.7.1 Korekta linii bazowej do 7.6.8.1 Wykluczenie studzienek reakcyjnych zawierających nieprawidłowe dane) zostały ukończone dla grupy studzienek reakcyjnych zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5.
4. Na pasku menu okna Data Analysis (Analiza danych) kliknij **Tools** → **Reports...** (Narzędzia → Raporty...), aby otworzyć okno dialogowe Report (Raport).

5. Upewnij się, że w lewej górnej części okna dialogowego Report (Raport) wybrane zostały co najmniej następujące elementy wymagane do utworzenia raportu (patrz rysunek 14):



Rysunek 14: Okno dialogowe Report (Raport)

6. Wybierz lub usuń dodatkowe elementy raportu zaznaczając odpowiednie pola tekstowe.
7. Na pasku menu okna dialogowego Report (Raport) kliknij **File** → **Save As...** (Plik → Zapisz jako...), aby otworzyć okno dialogowe Save Report (Zapisz raport).
8. W oknie dialogowym Save Report (Zapisz raport) podaj nazwę i lokalizację pliku raportu i kliknij przycisk **Save** (Zapisz).

7.6.10.1 Manualna analiza

- Otwórz plik raportu wygenerowany dla grupy studzienek reakcyjnych zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 (patrz rozdział 7.6.10 Eksport wyników badania PCR do manualnej analizy).
- Zapoznaj się z treścią tabeli Quantification Data (Dane oznaczenia ilościowego) w raporcie (patrz rysunek 15). Tabela obejmuje 2 wiersze dla każdej próbki **Sample** (Próbka) – jeden dla **Target** (Sekwencja docelowa) JCV i jeden dla **Target** (Sekwencja docelowa) *Internal Control* (Kontrola wewnętrzna).

Quantification Data

Well/Floor	Target	Content	Sample	Biological Set Name	Cq	Cq Mean	Cq Std. Dev	Starting Quantity (SQ)	Log Starting Quantity	SQ Mean	SQ Std. Dev	Well Note
A01	FAM	JCV	NTC 108208051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	
A02	FAM	JCV	Unkn Sample 4 00000004	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
B01	FAM	JCV	Std JCV QS1 108038051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	23.97	23.97	0.000	1.000E+04	4.000	1.00E+04	0.00E+00	
B02	FAM	JCV	Unkn Sample 5 00000005	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	34.65	34.65	0.000	4.855E+00	0.686	4.85E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
C01	FAM	JCV	Std JCV QS2 108048051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	27.28	27.28	0.000	1.000E+03	3.000	1.00E+03	0.00E+00	
C02	FAM	JCV	Unkn Sample 6 00000006	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
D01	FAM	JCV	Std JCV QS3 108058051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	30.54	30.54	0.000	1.000E+02	2.000	1.00E+02	0.00E+00	
E01	FAM	JCV	Std JCV QS4 108068051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	33.56	33.56	0.000	1.000E+01	1.000	1.00E+01	0.00E+00	
E02	FAM	JCV	Unkn Sample 7 00000007	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	28.22	28.22	0.000	4.924E+02	2.692	4.92E+02	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
F01	FAM	JCV	Unkn Sample 1 00000001	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	26.14	26.14	0.000	2.195E+03	3.341	2.20E+03	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
H01	FAM	JCV	Unkn Sample 3 00000003	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
A01	VIC	Internal Control	NTC 108208051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.27	25.27	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	
A02	VIC	Internal Control	Unkn Sample 4 00000004	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	26.08	26.08	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
B02	VIC	Internal Control	Unkn Sample 5 00000005	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.46	25.46	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
C02	VIC	Internal Control	Unkn Sample 6 00000006	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.33	25.33	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
E02	VIC	Internal Control	Unkn Sample 8 00000008	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	26.25	26.25	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
F01	VIC	Internal Control	Unkn Sample 1 00000001	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.45	25.45	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
H01	VIC	Internal Control	Unkn Sample 3 00000003	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.70	25.70	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml

Rysunek 15: Raport: Quantification Data (Dane oznaczenia ilościowego)

Wyniki oznaczenia jakościowego są oznaczone terminem *qualitative* (jakościowe) w kolumnie **Well Note** (Uwagi dotyczące studzienki reakcyjnej) tabeli Quantification Data (Dane oznaczenia ilościowego).

3. Zidentyfikuj wszystkie wiersze zawierające **Target** (Sekwencja docelowa) JCV oraz termin *qualitative* (jakościowe) w kolumnie **Well Note** (Uwagi dotyczące studzienki reakcyjnej).
4. Dla tych wierszy, kolumna C_q zawiera wyniki dla danej próbki **Sample** (Próbka).
5. W tabeli 11 podano interpretację wyników oznaczenia jakościowego.

Tabela 11: Wyniki oznaczenia jakościowego: analiza

Cykl progowy (C_q) sekwencji docelowej JCV	Analiza
1–45	Wykryto DNA właściwe dla JCV.
Nie dot.	Nie wykryto DNA właściwego dla JCV. Próbka nie zawiera wykrywalnych ilości DNA właściwego dla JCV.

Wyniki oznaczenia ilościowego są oznaczone terminem *Concentration factor* (Współczynnik stężenia) w kolumnie **Well Note** (Uwagi dotyczące studzienki reakcyjnej) tabeli Quantification Data (Dane oznaczenia ilościowego) (patrz rysunek 15).

6. Zidentyfikuj wszystkie wiersze zawierające **Target** (Sekwencja docelowa) JCV oraz *Concentration factor* (Współczynnik stężenia) w kolumnie **Well Note** (Uwagi dotyczące studzienki reakcyjnej).
7. W tych wierszach, w kolumnie **Starting Quantity (SQ)** [Ilość początkowa (SQ)] podane jest stężenie sekwencji docelowej JCV mierzone w eluacie danej próbki **Sample** (Próbka). W celu obliczenia wyniku dla pierwotnej próbki pacjenta, wartość **Starting Quantity (SQ)** [Ilość początkowa (SQ)] musi zostać pomnożona przez odpowiedni *Concentration factor* (Współczynnik stężenia) (wraz z jednostką).
8. W tabeli 12 podano informacje na temat interpretacji wyników oznaczenia ilościowego.

Tabela 12: Wyniki oznaczenia ilościowego: analiza

Starting Quantity (SQ) [Ilość początkowa (SQ)] sekwencji docelowej JCV	Analiza
> 0	Wykryto DNA właściwe dla JCV. Pomnóż wartość Starting Quantity (SQ) [Ilość początkowa (SQ)] przez <i>Concentration factor</i> (Współczynnik stężenia) w kolumnie Well Note (Uwagi do studzienki reakcyjnej) (wraz z jednostką), aby obliczyć stężenie w pierwotnej próbce pacjenta.
Nie dot.	Nie wykryto DNA właściwego dla JCV. Próbka nie zawiera wykrywalnych ilości DNA właściwego dla JCV.

8. Użycie zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z urządzeniami PCR w czasie rzeczywistym innymi niż CFX96™ Deep Well Dx System

Poza urządzeniem CFX96™ DW Dx, zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 został zatwierdzony do używania z innymi urządzeniami PCR w czasie rzeczywistym (patrz rozdział 5.3.2.2 Urządzenia PCR w czasie rzeczywistym). W rozdziałach 8.1 Materiały i urządzenia wymagane, ale nie dołączone oraz 8.2 Procedura opisano sposób używania zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z tymi urządzeniami.

8.1 Materiały i urządzenia wymagane, ale nie dołączone

Wymagane są następujące urządzenia i materiały:

- Podstawowe materiały i urządzenia (patrz rozdział 7.5 Podstawowe materiały i wyposażenie)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)
 - Płytki 96-studzienkowe do PCR i folia do zamykania płytek (szczegółowe informacje znajdują się w tabeli 3)
- CFX96™ Dx System (Bio-Rad)
 - Płytki 96-studzienkowe do PCR i folia do zamykania płytek (szczegółowe informacje znajdują się w tabeli 3)
- Rotor-Gene® Q5/6 plex Platform (QIAGEN)
 - Probówki 0,1 ml w paskach z pokrywkami [Probówki 0,1 ml w paskach do cyklorów Rotor-Gene® (LTF Labortechnik) lub równoważne]
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System oraz ABI Prism® 7500 SDS (Applied Biosystems)
 - Płytki 96-studzienkowe do PCR i folia do zamykania [MicroAmp™ Optical 96-Well Reaction Plate oraz MicroAmp™ Optical Adhesive Film (Applied Biosystems) lub równoważne]

- LightCycler® 480 Instrument II (Roche)
 - Płytki 96-studzienkowe do PCR i folia do zamykania [LightCycler® 480 Multiwell Plate 96, biała oraz LightCycler® 480 Sealing Foil (Roche) lub równoważna]

UWAGA



Nie jest zalecane używanie innych materiałów lub urządzeń, niż podane w niniejszej instrukcji użytkowania.

8.2 Procedura

8.2.1 Przygotowanie próbki

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 został poddany walidacji z użyciem systemu AltoStar® AM16 w połączeniu z zestawem AltoStar® Purification Kit 1.5.

Może być wymagane użycie alternatywnych systemów i zestawów do izolacji kwasu nukleinowego. Możliwość stosowania procedury izolacji kwasu nukleinowego z zestawem AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 wymaga dodatkowej walidacji przez użytkownika.

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 musi być używany z heterologicznym IC (AltoStar® Internal Control 1.5), który umożliwi kontrolę procedury przygotowania próbki (izolacja kwasu nukleinowego) oraz testu PCR.

- W przypadku użycia metod izolacji kwasu nukleinowego innych niż system AltoStar® AM16 w połączeniu z zestawem AltoStar® Purification Kit 1.5, IC należy dodać na etapie lizy podczas procedury izolacji kwasu nukleinowego.
- IC należy zawsze dodawać do mieszaniny próbki i buforu do lizowania.
- Objętość dodawanego IC zależy wyłącznie od objętości eluatu. Stanowi ona 50% objętości eluatu. Na przykład, jeśli kwas nukleinowy ma być eluowany w 60 µl buforu do eluowania lub wody, do mieszaniny próbki i buforu do lizowania należy dodać 30 µl IC na próbkę.

OSTROŻNIE

Przechowywanie eluatów w nieprawidłowych warunkach może stać się przyczyną degradacji sekwencji docelowej JCV i może negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

8.2.2 Przygotowanie mieszaniny master mix

Wszystkie składniki zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 oraz próbki powinny być całkowicie rozmrożone, wymieszane (poprzez użycie pipety lub wytrząsanie) i krótko odwirowane przed użyciem. Mieszaninę master mix należy przygotować zgodnie z następującą procedurą schematu pipetowania:

Tabela 13: Procedura schematu pipetowania (przygotowanie mieszaniny master mix)

Liczba reakcji (rxns)	1	12
Master A	5 µl	60 µl
Master B	15 µl	180 µl
Objętość mieszaniny master mix	20 µl	240 µl

OSTROŻNIE

Nie należy używać innych objętości mieszaniny reakcyjnej Master A i Master B dla konfiguracji mieszaniny master mix, niż podane w niniejszej instrukcji użytkowania, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

OSTROŻNIE

Brak odwirowania składników zestawu po rozmrożeniu może spowodować kontaminację pozostałością odczynników na zakrętkach i negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

8.2.3 Konfiguracja reakcji

1. Przenieś pipetą 20 µl mieszaniny master mix do odpowiednich studzienek w 96-studzienkowej płytce optycznej do PCR lub do odpowiedniej optycznej probówki reakcyjnej.
2. Dodaj 10 µl próbki (eluat z izolacji kwasu nukleinowego) lub 10 µl roztworu kontrolnego (QS1–4 lub NTC).

Tabela 14: Procedura schematu pipetowania (konfiguracja reakcji)

Konfiguracja reakcji	
Mieszanina master mix	20 µl
Próbka lub kontrola	10 µl
Objętość całkowita	30 µl

3. Do analizy ilościowej należy stosować QS1–4 oraz 1 NTC. Do analizy jakościowej należy stosować QS4 oraz 1 NTC.
4. Dokładnie wymieszaj próbki i kontrole z mieszaniną master mix poprzez pipetowanie w górę i w dół.
5. Zamknij płytkę 96-studzienkową do PCR folią do zamykania płytek PCR oraz probówki reakcyjne odpowiednimi zakrętkami (patrz rozdział 8.1 Materiały i urządzenia wymagane, ale nie dołączone).
6. Odwirutuj płytkę 96-studzienkową do PCR w wirówce kompatybilnej z mikroplótką przez 30 sekund z prędkością około 1000 x g (~ 3000 obr./min).

Po zakończeniu badania PCR, mieszanina PCR zachowuje stabilność w temperaturze pokojowej (maks. +30 °C) przez 30 minut.

OSTROŻNIE



Nie należy przekraczać czasu przechowywania mieszaniny PCR, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

OSTROŻNIE

Nie należy mieszać próbek lub identyfikatorów próbek podczas badania PCR lub przenoszenia do urządzenia PCR. Może to powodować wyniki fałszywie pozytywne lub fałszywie negatywne ze względu na nieprawidłowe przypisanie próbek.

8.2.4 Badanie PCR

8.2.4.1 Programowanie urządzeń PCR w czasie rzeczywistym

Szczegółowe informacje dotyczące konfiguracji i programowania różnych urządzeń PCR w czasie rzeczywistym znajdują się w instrukcji użytkownika danego urządzenia.

Szczegółowe instrukcje dotyczące programowania i używania zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z określonymi urządzeniami PCR w czasie rzeczywistym można uzyskać w dziale pomocy technicznej altona Diagnostics (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

8.2.4.2 Ustawienia badania PCR

Wybierz następujące ustawienia podstawowe:

Tabela 15: Ustawienia badania PCR

Ustawienia	
Objętość reakcji	30 µl
Szybkość zmiany	Domyślna
Wzorzec pasywny*	ROX™

* Jeśli dotyczy

Wybierz następujące detektory fluorescencji (barwniki):

Tabela 16: Detektory fluorescencji

Sekwencja docelowa	Nazwa detektora	Barwnik reporterowy	Barwnik tłumiący
JCV	JCV	FAM™	(Brak)
Kontrola wewnętrzna	Internal Control	JOE™	(Brak)

Wybierz następujący profil temperatury i badania barwnika:

Tabela 17: Profil temperatury i badania barwnika

	Etap	Liczba powtórzeń cyklu	Pomiar	Temperatura [°C]	Czas [min:s]
Denaturacja	Utrzymywanie temperatury	1	-	95	02:00
Amplifikacja	Zmiany cykliczne	45	-	95	00:15
			Tak	58	00:45
			-	72	00:15

OSTROŻNIE



Nie używaj innych parametrów profilu termicznego niż podany w niniejszej instrukcji użytkownika, ponieważ może to negatywnie wpływać na działanie wyrobu.

8.2.5 Analiza danych

Szczegółowe informacje dotyczące analizy danych dla określonych urządzeń PCR w czasie rzeczywistym znajdują się w instrukcji użytkownika danego urządzenia.

Szczegółowe instrukcje dotyczące analizy danych generowanych przez zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 dla różnych urządzeń PCR w czasie rzeczywistym można uzyskać w dziale pomocy technicznej altona Diagnostics (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

Kryteria prawidłowości badań diagnostycznych PCR i interpretacji wyników niezależnie od używanego urządzenia PCR w czasie rzeczywistym zostały podane w rozdziałach 7.6.8.2 Prawidłowość jakościowego badania diagnostycznego PCR do 7.6.8.4 Prawidłowość wyników dla danej próbki, rozdziale 7.6.10.1 Manualna analiza oraz w tabelach 11 i 12.

UWAGA



Stężenie „próbki” jest wskazywane w IU/μl i dotyczy stężenia w eluacie.

W celu wyznaczenia **ładunku wirusa pierwotnej próbki**, należy użyć następującego wzoru:

$$\text{Ładunek wirusa (Próbka) [IU/ml]} = \frac{\text{Objętość (Eluat) [μl]} \cdot \text{ładunek wirusa (Eluat) [IU/μl]}}{\text{Objętość próbki [ml]}}$$

OSTROŻNIE



Nie używaj innych ustawień analizy danych niż podane w niniejszej instrukcji użytkownika, ponieważ może to powodować nieprawidłowe wyniki IVD.

OSTROŻNIE



Podobnie jak w przypadku innych badań diagnostycznych, wyniki należy interpretować z uwzględnieniem danych klinicznych i laboratoryjnych.

9. Charakterystyka działania testu

Charakterystyka działania zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 została wyznaczona przy użyciu 1st WHO International Standard for JC virus for Nucleic Acid Amplification Techniques (NIBSC code: 14/114) i wzorca JCV kalibrowanego względem międzynarodowego wzorca Światowej Organizacji Zdrowia.

9.1 Osocze

9.1.1 Czulość analityczna

W celu wyznaczenia granicy wykrywalności (limit of detection, LoD), została wykonana seria rozcieńczeń na podstawie 1st WHO International Standard for JC virus for Nucleic Acid Amplification Techniques (NIBSC code: 14/114) w osoczu, w zakresie stężeń od 1,00E+02 do 5,00E-01 IU/ml.

Każde rozcieńczenie badano przy użyciu 8 powtórzeń w 3 seriach (całkowita liczba $n = 24$ na rozcieńczenie) z użyciem:

- 3 zestawów AltoStar® JCV PCR Kit 1.5
- 3 zestawów AltoStar® Purification Kit 1.5
- 3 zestawów AltoStar® Internal Control 1.5
- 3 systemów AltoStar® AM16
- 3 urządzeń CFX96™ DW Dx

Dane ze wszystkich serii zostały zestawione i na ich podstawie wykonano analizę probit, w wyniku której obliczono LoD przy poziomie 95%.

Tabela 18: Wyniki testu PCR stosowane do obliczenia czułości analitycznej zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

Stężenie [IU/ml]	N [całkowita]	N [pozytywne]	Odsetek pozytywnych wyników [%]
1,00E+02	24	24	100
5,00E+01	24	24	100
2,50E+01	24	24	100
1,00E+01	24	24	100
5,00E+00	24	23	96
2,50E+00	24	22	92
1,75E+00	24	21	88
1,00E+00	24	11	46
5,00E-01	24	8	33

Wartość LoD dla zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 do detekcji JCV w osoczu wynosi 3,6 IU/ml (przedział 95%: 2,5–6,6 IU/ml).

9.1.2 Swoistość analityczna

Swoistość analityczna zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 jest zapewniona poprzez precyzyjny wybór oligonukleotydów (startery i sondy). Oligonukleotydy zostały sprawdzone metodą analizy porównania sekwencji w stosunku do sekwencji dostępnych publicznie w celu zapewnienia wykrywania wszystkich istotnych podtypów JCV.

W celu weryfikacji swoistości analitycznej zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 wykonano następujące doświadczenia (patrz rozdziały od 9.1.2.1 Próbki negatywne do 9.1.2.3 Reaktywność krzyżowa).

9.1.2.1 Próbki negatywne

Testom z użyciem zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 JCV poddano 33 negatywnych pod kątem JCV próbek osocza od indywidualnych dawców. 32 z 33 próbek dały wynik negatywny dla DNA właściwego dla JCV. Wszystkie próbki (33 z 33) dały wynik pozytywny dla IC. Swoistość analityczna zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 dla próbek osocza wynosi $\geq 95\%$.

9.1.2.2 Substancje interferujące

W celu oceny wpływu potencjalnie interferujących substancji endogennych i egzogennych na działanie zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5, wybrane substancje zostały dodane do próbek osocza. Próbki osocza zawierały odpowiednio JCV w stężeniu odpowiadającym $3 \times \text{LoD}$ ($1,08\text{E}+01$ IU/ml), $1,00\text{E}+04$ IU/ml oraz nie zawierały JCV.

Wyniki uzyskane dla próbek zawierających potencjalnie interferujące substancje zostały porównane z wynikami uzyskanymi dla próbek osocza niezawierających substancji interferujących. Każdą próbkę oznaczano w 3 powtórzeniach.

Nie stwierdzono interferencji dla próbek zawierających podwyższone poziomy:

- Substancji endogennych
 - Bilirubiny
 - Hemoglobiny
 - Ludzkiego genomowego DNA
 - Albuminy surowicy ludzkiej
 - Triglicerydów

- Substancji egzogennych
 - Azatiopryny
 - Cyklosporyny
 - Foskarnetu
 - Gancyklowiru

OSTROŻNIE

Obecność inhibitorów PCR (np. heparyny) może powodować nieprawidłowe lub fałszywie negatywne wyniki.

9.1.2.3 Reaktywność krzyżowa

Swoistość analityczna zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 w odniesieniu do reaktywności krzyżowej z patogenami innymi niż JCV została oceniona poprzez testy:

- Wirusów spokrewnionych z JCV
- Wirusów powodujących podobne objawy, co zakażenie JCV
- Wirusów, których prawdopodobieństwo występowania u pacjentów zakażonych JCV jest duże

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 nie podlega reakcji krzyżowej z następującymi patogenami:

- Adenowirus (ADV)
- Wirus BK (BKV)
- Wirus cytomegalii (CMV)
- Wirus Epsteina-Barr (EBV)
- Wirus zapalenia wątroby typu A (HAV)
- Wirus zapalenia wątroby typu B (HBV)
- Wirus zapalenia wątroby typu C (HCV)
- Wirus opryszczki pospolitej typu 1 (HSV-1)
- Wirus opryszczki pospolitej typu 2 (HSV-2)
- Ludzki wirus opryszczki typu 6A (HHV-6A)
- Ludzki wirus opryszczki typu 6B (HHV-6B)
- Ludzki wirus niedoboru odporności typu 1 (HIV-1)
- Parwovirus B19
- Wirus ospy wietrznej i półpaśca (VZV)

OSTROŻNIE



W przypadku próbki zawierającej patogeny inne niż JCV, może występować konkurencja z amplifikowaną sekwencją docelową lub reaktywność krzyżowa, powodujące nieprawidłowe wyniki IVD.

9.1.3 Zakres liniowości

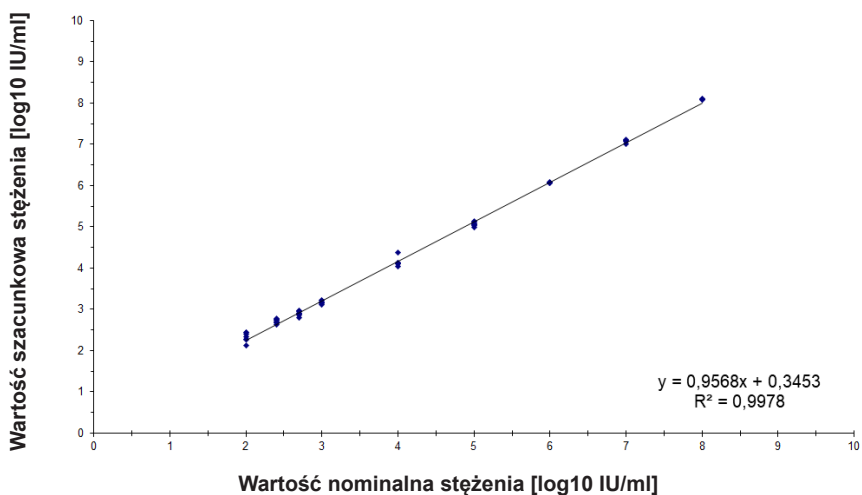
W celu wyznaczenia zakresu liniowości zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5, poddano testom serię rozcieńczeń JCV w osoczu ludzkim w zakresie stężeń od $1,00E+08$ do $1,00E+02$ IU/ml:

- Rozcieńczenia o stężeniu w zakresie od $1,00E+08$ do $1,00E+06$ IU/ml badano na podstawie 4 powtórzeń.
- Rozcieńczenia o stężeniu w zakresie od $1,00E+05$ do $1,00E+02$ IU/ml badano na podstawie 8 powtórzeń.

Analizę przeprowadzono metodą regresji wielomianowej.

Zakres liniowości zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 dla oznaczenia ilościowego JCV w osoczu wynosi od $1,00E+02$ do $1,00E+08$ IU/ml. Na rysunku 16 przedstawiono graficzną reprezentację danych.

Wartość szacunkowa stężenia (log10) w funkcji wartości nominalnej stężenia (log10) zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5



Rysunek 16: Analiza regresji liniowej zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 w próbkach osocza

9.1.4 Precyzja

Precyzja zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 oceniono z użyciem panelu zawierającego:

- 1 próbkę pozytywną osocza o wysokim stężeniu JCV (1,00E+04 IU/ml)
- 1 próbkę pozytywną osocza o niskim stężeniu JCV [5,00E+02 IU/ml (5 x dolna granica oznaczenia ilościowego (lower limit of quantitation (LLoQ)))]
- 1 próbkę osocza z wynikiem negatywnym JCV

Każdy element panelu został poddany testom z użyciem co najmniej 4 powtórzeń na serię.

W ciągu 5-ciu dni wykonano 5 serii testów z użyciem kombinacji:

- 3 zestawów AltoStar® JCV PCR Kit 1.5
- 3 zestawów AltoStar® Purification Kit 1.5
- 3 zestawów AltoStar® Internal Control 1.5
- 3 systemów AltoStar® AM16
- 3 urządzeń CFX96™ DW Dx

Powtarzalność (zmiennność międzyseryjna), zmiennność wewnątrzseryjna i odtwarzalność (zmiennność całkowita) zostały wyznaczone na podstawie:

- Wartości oznaczenia ilościowego dla próbek pozytywnych o wysokim i niskim stężeniu JCV (patrz tabela 19)
- Cyklu progowego (C_q^*) IC w próbkach z wynikiem negatywnym JCV (patrz tabela 20)

* Oznaczenie C_q jest równoważne oznaczeniu C_t , które może być stosowane w cyklerach innych niż CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad).

Tabela 19: Dane precyzji (CV% określone jako \log_{10} z wartości oznaczenia ilościowego) dla próbek pozytywnych osocza o wysokim i niskim stężeniu JCV

	Próbki pozytywne o wysokim stężeniu JCV (1,00E+04 IU/ml)	Próbki pozytywne o niskim stężeniu JCV (5,00E+02 IU/ml)
Zmienność międzyseryjna	0,64–1,42	1,51–4,69
Zmienność wewnątrzseryjna	1,09	3,89
Zmienność całkowita	1,12	4,02

Tabela 20: Dane precyzji (CV% określone na podstawie wartości C_q) dla IC w próbkach osocza z wynikiem negatywnym JCV

	IC
Zmienność międzyseryjna	0,18–0,41
Zmienność wewnątrzseryjna	0,47
Zmienność całkowita	0,63

9.1.5 Całkowity odsetek nieudanych

Elastyczność zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 została oceniona na podstawie testu 30 próbek osocza od indywidualnych dawców z negatywnym wynikiem JCV z dodanym JCV do końcowego stężenia 3 x LoD ($1,08E+01$ IU/ml). Wszystkie (30 z 30) próbki dały wynik pozytywny dla kanału detekcji fluorescencji (FAM™) właściwego dla JCV.

9.1.6 Efekt przeniesienia

Efekt przeniesienia stanowi ryzyko zależne od procedury wykonania badania, a nie od stosowanego testu PCR. Dla zautomatyzowanej procedury badania AltoStar® Workflow, jako modelu przykładowego użyto zestawu AltoStar® Parvovirus B19 PCR Kit 1.5. Potencjalne zanieczyszczenie krzyżowe poprzez zanieczyszczenie pozostałościami z próbek pozytywnych o wysokim stężeniu zostało ocenione na podstawie naprzemiennych testów próbek pozytywnych o wysokim stężeniu parwowirusa B19 ($1,00E+07$ IU/ml) oraz próbek negatywnych (n = 44 na serię; 2 serie) z użyciem zestawu AltoStar® Parvovirus B19 PCR Kit 1.5. Nie stwierdzono efektu przeniesienia, a wszystkie próbki negatywne parwowirusa B19 dały wynik negatywny testu.

9.1.7 Parametry kliniczne

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 oceniono w badaniu porównawczym z testem kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay posiadającym znak CE. W badaniu retrospektywnym 61 próbek osocza poddano równolegle testom:

Test kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay został użyty w połączeniu z systemem VERSANT® kPCR Molecular (Siemens).

Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 został użyty w połączeniu z zestawem AltoStar® Purification Kit 1.5 oraz AltoStar® Internal Control 1.5 wraz z systemem AltoStar® AM16 oraz urządzeniem CFX96™ DW Dx.

Z analizy jakościowej zostały wykluczone wszystkie próbki z nieprawidłowym wynikiem dla jednego lub obu oznaczeń, jak również próbki z wynikiem oznaczenia ilościowego poniżej LoD dla jednego lub obu oznaczeń.

Wyniki dla pozostałych 55 próbek zostały przedstawione w tabeli 21.

Tabela 21: Wyniki oceny czułości i swoistości diagnostycznej dla JCV w próbkach osocza

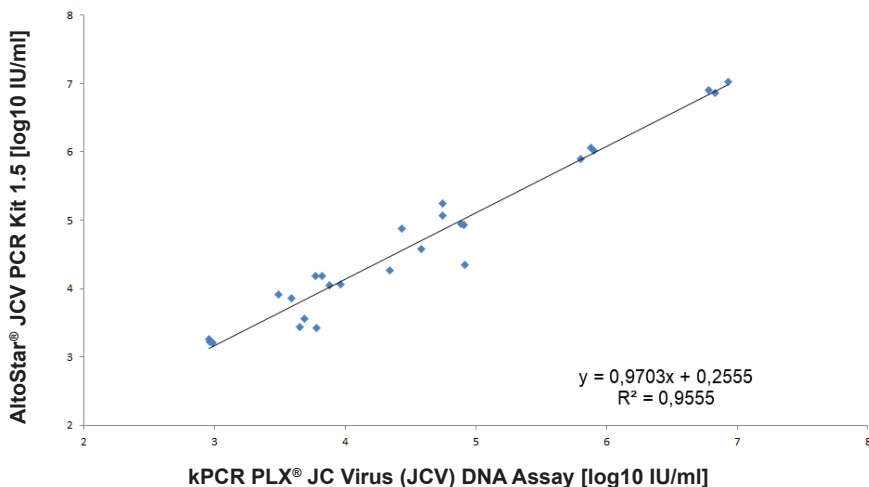
		kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay	
		POZYTYWNY	NEGATYWNY
AltoStar® JCV PCR Kit 1.5	POZYTYWNY	33	0
	NEGATYWNY	1	21

Czułość i swoistość diagnostyczna zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 w porównaniu do zestawu kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay wynosiła odpowiednio 97% i 100%.

Z oceny korelacji ilościowej zostały wykluczone próbki z wynikiem negatywnym dla jednego lub obu oznaczeń i próbki z wynikiem oznaczenia ilościowego poniżej LLoQ dla jednego lub obu oznaczeń.

Wyniki dla pozostałych 26 próbek zostały użyte do korelacji ilościowej metodą analizy regresji liniowej (patrz rysunek 17).

Porównanie testu kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay (Siemens) i zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5



Rysunek 17: Analiza regresji liniowej wyników uzyskanych z użyciem testu kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay (test referencyjny) oraz zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

Wykazano bardzo dobrą korelację pomiędzy wynikami oznaczenia ilościowego uzyskanymi z użyciem zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 oraz z użyciem testu kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay [współczynnik korelacji $R = 0,98$ ($R^2 = 0,96$)].

10. Utylizacja

Odpady niebezpieczne i biologiczne należy utylizować zgodnie z obowiązującymi przepisami lokalnymi i krajowymi. Pozostałych składników wyrobu i odpadów nie należy odprowadzać do kanalizacji, cieków wodnych lub gleby.

OSTROŻNIE



Próbki należy zawsze traktować jako materiał zakaźny i stanowiący zagrożenie biologiczne, zgodnie z procedurami bezpieczeństwa i praktykami obowiązującymi w danym laboratorium. W przypadku rozlania materiału próbki, natychmiast użyć odpowiedniego środka dezynfekującego. Skażone materiały należy traktować jako zagrożenie biologiczne.

OSTROŻNIE



Odpady niebezpieczne i biologiczne należy utylizować zgodnie z obowiązującymi przepisami lokalnymi i krajowymi, aby uniknąć skażenia środowiska.

UWAGA



Płytkę do PCR należy utylizować w stanie zamkniętym, ponieważ nie należy usuwać folii do zamykania płytek do PCR po ich użyciu.

11. Kontrola jakości

Zgodnie z systemem zarządzania jakością Altona Diagnostics GmbH według wytycznych EN ISO 13485, każda partia zestawów AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 jest weryfikowana pod względem zgodności ze specyfikacjami w celu zapewnienia stałej jakości wyrobu.

12. Pomoc techniczna

Pomoc można uzyskać w dziale pomocy technicznej Altona Diagnostics:

e-mail: support@altona-diagnostics.com

telefon: +49-(0)40-5480676-0

UWAGA



Wszelkie poważne wypadki związane z użyciem tego wyrobu należy zgłaszać firmie Altona Diagnostics oraz właściwym władzom w kraju użytkownika.

13. Literatura

- [1] Wojciech Kozdrun: Polyomaviruses; chap. 81; Molecular Detection of Animal Viral Pathogens 2016.
- [2] Bofill-Mas et al.: Potential Transmission of Human Polyomaviruses through the Gastrointestinal Tract after Exposure to Virions or Viral DNA; Journal of Virology 2001.
- [3] Barbanti-Brodano et al.: BK Virus, JC Virus and Simian Virus 40 Infection in Humans, and Association with Human Tumors; Madame Curie Bioscience Database.
- [4] Sheila Govind, Jason Hockley, Clare Morris and the Collaborative Study Group. Collaborative Study to establish the 1st WHO International Standard for JCV DNA for nucleic acid amplification technique (NAT)-based assays. WHO ECBS Report 2015;WHO/BS/2015.2259.

14. Znaki towarowe i zastrzeżenia

4s3™ (4titude); AltoStar® (altona Diagnostics); ABI Prism®, QuantStudio™ (Applied Biosystems); CFX96™, CFX Manager™ (Bio-Rad); Rotor-Gene® (QIAGEN); LOINC® (Regenstrief Institute, Inc.); LightCycler® (Roche); kPCR PLX®, VERSANT® (Siemens); FAM™, JOE™, MicroAmp™, VIC™ (Thermo Fisher Scientific).

Zarejestrowane nazwy, znaki towarowe itp. stosowane w niniejszym dokumencie, nawet jeśli nie zostały wyraźnie zidentyfikowane, są traktowane jako chronione prawnie.
















Zestaw AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 to posiadający oznaczenie CE zestaw diagnostyczny zgodny z wymaganiami europejskiej dyrektywy 98/79/WE w sprawie diagnostyki *in vitro*.

Wyrób nie został dopuszczony ani zatwierdzony przez FDA.

Wyrób nie jest dostępny we wszystkich krajach.

© 2022 altona Diagnostics GmbH; Wszelkie prawa zastrzeżone.

15. Symbole

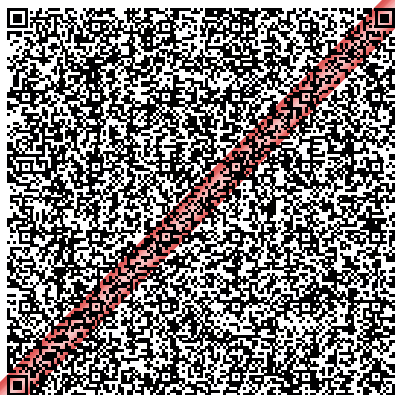
Symbol	Wyjaśnienie
	Wyrób medyczny używany do diagnostyki <i>in vitro</i>
	Global Trade Item Number
	Numer partii
	Zawartość
	Kolor zakrętki
	Numer katalogowy
	Numer
	Składnik
	Zapoznaj się z instrukcją użytkowania
	Zawiera ilość wystarczającą na „n” testów/reakcji (rxns)
	Limit temperatury
	Termin ważności
	Producent
	Ostrożnie
	Numer materiału

Symbol	Wyjaśnienie
	Wersja
	Uwaga
	Zawiera materiał biologiczny pochodzenia zwierzęcego

16. Protokół testu dla oprogramowania AltoStar® Connect i informacje na temat integracji z systemem LIMS

Kod kreskowy 2D przedstawiony na rysunku 18 musi być użyty do zainstalowania najnowszego protokołu testu do użycia zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 z systemem AltoStar® AM16. Kod kreskowy może być skanowany wyłącznie w postaci wydrukowanej. Kod kreskowy można zeskanować bezpośrednio z instrukcji lub wydrukować go na osobnym arkuszu. Należy pamiętać, że rozmiar druku może wpływać na parametry skanowania kodu kreskowego. Należy upewnić się, że kod jest drukowany w skali 100%. Skierować skaner na czerwoną linię na kodzie kreskowym. Szczegółowe informacje na temat zarządzania protokołami testów znajdują się w odpowiednim rozdziale instrukcji używania oprogramowania AltoStar® Connect. Informacje na temat integracji z systemem LIMS, patrz tabela 23.

AltoStar® JCV PCR Kit 1.5



Protocol Version:

1

Checksum: EAFD3099931CF03879E5AD1BBE1D7DDC32AE08A4

Rysunek 18: Kod kreskowy protokołu testu dla zestawu AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

Tabela 22: Dziennik zmian dla protokołu testu

Wersja protokołu	Aktualizacje
1	Pierwsze wydanie

Tabela 23: Informacje na temat integracji z systemem LIMS

Użycie	Dane
Zlecenie testu (LIMS → system AltoStar® AM16)	AltoStar JCV PCR Kit 1.5
Wynik testu (CFX96™ DW Dx → LIMS) - jednostka	IU/ml
Wynik testu (CFX96™ DW Dx → LIMS) - kanał 1	JCV
Wynik testu (CFX96™ DW Dx → LIMS) - kanał 2	Internal Control

Informacje na temat LOINC® (Nazwy i kody logicznych identyfikatorów obserwacji) można znaleźć na stronie internetowej altona Diagnostics GmbH (www.altona-diagnostics.com) lub uzyskać w dziale pomocy technicznej altona Diagnostics (patrz rozdział 12. Pomoc techniczna).

17. Historia zmian

Tabela 24: Historia zmian

Identyfikator	Data wydania [miesiąc/rok]	Zmiany
MAN-AS0041540- PL-S01	04/2022	Pierwsze wydanie

strona celowo pozostawiona pusta

strona celowo pozostawiona pusta

always a drop ahead.

altona Diagnostics GmbH
Mörkenstr. 12
22767 Hamburg, Germany

phone +49 40 548 0676 0
fax +49 40 548 0676 10
e-mail info@altona-diagnostics.com

www.altona-diagnostics.com

