

Instrucciones de uso

AltoStar[®] JCV PCR Kit 1.5

04/2022 ES

AltoStar[®]

JCV PCR Kit 1.5

Para utilizar con

ABI Prism[®] 7500 SDS (Applied Biosystems)

CFX96[™] Deep Well Dx System (Bio-Rad)

CFX96[™] Dx System (Bio-Rad)

LightCycler[®] 480 Instrument II (Roche)

QuantStudio[™] 5 Real-Time PCR System (Applied Biosystems)

Rotor-Gene[®] Q5/6 plex Platform (QIAGEN)



AS0041543



96



04 2022



altona Diagnostics GmbH • Mörkenstr. 12 • D-22767 Hamburg

Contenido

1.	Acerca de estas instrucciones de uso.....	8
2.	Uso indicado.....	9
3.	Contenido del kit.....	10
4.	Almacenamiento y manipulación	11
4.1	Almacenamiento.....	11
4.2	Manipulación	12
4.2.1	Master A y Master B	12
4.2.2	Estándares de cuantificación y No Template Control (control negativo).....	13
5.	Descripción del producto.....	13
5.1	Información general.....	14
5.2	Descripción de los componentes.....	14
5.2.1	Master A y Master B	14
5.2.2	Estándares de cuantificación.....	15
5.2.3	No Template Control (control negativo).....	15
5.3	Flujos de trabajo.....	15
5.3.1	AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)	15
5.3.2	Otros flujos de trabajo	16
5.3.2.1	Extracción de ácido nucleico.....	17
5.3.2.2	Instrumentos de PCR en tiempo real.....	17
5.4	Muestras.....	17
5.4.1	Tipos de muestras	17
5.4.2	Recogida y manipulación de muestras.....	18
6.	Advertencias, precauciones y limitaciones.....	19

7.	Uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)	21
7.1	Volumen de muestras	21
7.2	Tubos de muestras	21
7.3	Códigos de barras de la muestra	21
7.4	Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados para el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)	22
7.5	Material y dispositivos generales.....	24
7.6	Procedimiento.....	24
7.6.1	Descripción general del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)	24
7.6.2	Programación de una AltoStar® run (serie).....	30
7.6.3	Inicio de una serie de configuración de PCR	31
7.6.3.1	Preparación de reactivos para una serie de configuración de PCR.....	32
7.6.3.2	Carga del AltoStar® AM16 para una serie de configuración de PCR.....	32
7.6.3.3	Durante la serie de configuración de PCR.....	36
7.6.4	Fin de la serie de configuración de PCR	36
7.6.4.1	Resultados de serie de configuración de PCR.....	38
7.6.5	Sellado de la PCR plate (placa PCR).....	39
7.6.5.1	Estabilidad de la mezcla de PCR	41
7.6.6	Inicio de una serie PCR.....	41
7.6.6.1	Durante la serie PCR	43
7.6.6.2	Asignación de ensayos a grupos de pocillos	43
7.6.7	Análisis de datos PCR.....	46
7.6.7.1	Corrección de la línea de base.....	48
7.6.7.2	Exclusión de señales de PCR irregulares	50
7.6.7.3	Ajuste de umbrales.....	54
7.6.8	Validez de los resultados de PCR	58

7.6.8.1	Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos	58
7.6.8.2	Validez de una serie PCR de diagnóstico (cualitativa).....	61
7.6.8.3	Validez de una serie PCR de diagnóstico (cuantitativa).....	61
7.6.8.4	Validez de los resultados para una muestra	62
7.6.9	Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados automatizada	63
7.6.10	Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual	64
7.6.10.1	Interpretación manual de los resultados	66
8.	Uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con otros instrumentos PCR en tiempo real que no sean el CFX96™ Deep Well Dx System	68
8.1	Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados	68
8.2	Procedimiento.....	69
8.2.1	Preparación de las muestras.....	69
8.2.2	Configuración de master mix.....	70
8.2.3	Configuración de reacción.....	71
8.2.4	Serie PCR.....	72
8.2.4.1	Programación del instrumento de PCR en tiempo real	72
8.2.4.2	Configuración de la serie.....	72
8.2.5	Análisis de datos	73
9.	Datos de rendimiento	75
9.1	Plasma.....	75
9.1.1	Sensibilidad analítica.....	75
9.1.2	Especificidad analítica	76
9.1.2.1	Muestras negativas	77
9.1.2.2	Sustancias interferentes.....	77
9.1.2.3	Reactividad cruzada.....	78
9.1.3	Rango lineal.....	79
9.1.4	Precisión.....	80

9.1.5	Índice de fallo total.....	81
9.1.6	Arrastre.....	81
9.1.7	Rendimiento clínico.....	82
10.	Eliminación.....	84
11.	Control de calidad.....	85
12.	Soporte técnico.....	85
13.	Bibliografía.....	85
14.	Marcas comerciales y aviso legal.....	86
15.	Símbolos.....	87
16.	Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS.....	89
17.	Historial de revisiones.....	91

1. Acerca de estas instrucciones de uso

Estas instrucciones de uso guían al usuario en la utilización del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Los capítulos del 1 al 6 y del 9 al 14 contienen información general e instrucciones que se aplican a todos los flujos de trabajo usados con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. El capítulo 7 proporciona instrucciones sobre cómo usar el producto con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) (Hamilton; en lo sucesivo, se abreviará como AltoStar® AM16) con el AltoStar® Connect software (versión 1.7.4 o superior, Hamilton) para la configuración de PCR automatizada y en el CFX96™ Deep Well Dx System* (Bio-Rad, en lo sucesivo, se abreviará como CFX96™ DW Dx) con el CFX Manager™ Dx software (versión 3.1, Bio-Rad) para PCR en tiempo real. El capítulo 8 proporciona instrucciones sobre cómo usar el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 en combinación con otros métodos de extracción de ácido nucleico e instrumentos de PCR en tiempo real. Para obtener más información sobre el uso del AltoStar® AM16, el AltoStar® Connect software, el kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) y el CFX96™ DW Dx, consulte las instrucciones de uso respectivas que figuran a continuación:

- AltoStar® Automation System AM16 Manual IVD del operador (Hamilton)
- AltoStar® Connect Software Manual IVD (Hamilton)
- Instrucciones de uso AltoStar® Purification Kit 1.5
- Instrucciones de uso AltoStar® Internal Control 1.5
- Sistemas CFX96™ Dx y CFX96™ Deep Well Dx Manual de funcionamiento (Bio-Rad)

* «CFX96™ Deep Well Dx System» es el nuevo nombre de marca para la versión IVD del CFX96™ Deep Well Real-Time PCR Detection System (sistema de detección) (Bio-Rad).

En este manual, los términos PRECAUCIÓN y NOTA tienen los significados siguientes:

PRECAUCIÓN



Destaca instrucciones o procedimientos operativos que, si no se siguen correctamente, pueden provocar lesiones personales o afectar al rendimiento del producto. Contacte con el soporte técnico de Altona Diagnostics para recibir ayuda.

NOTA



Se ofrece al usuario información que es útil pero no esencial para la tarea en cuestión.

Lea las instrucciones de uso detenidamente antes de utilizar el producto.

2. Uso indicado

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 es un test diagnóstico *in vitro* basado en tecnología PCR en tiempo real para la detección y la cuantificación de ADN específico de virus JC (JCV) en plasma humano.

Se ha diseñado para usarse como ayuda para el diagnóstico de la infección por JCV y para la monitorización de la carga de JCV en individuos con una infección por JCV.

Los resultados generados con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 deben interpretarse junto con otros hallazgos clínicos y de laboratorio.

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se ha diseñado para que lo utilicen usuarios profesionales formados en técnicas biológicas moleculares y procedimientos de diagnósticos *in vitro*.

3. Contenido del kit

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 contiene los siguientes componentes:

Tabla 1: Componentes del kit

Color de la tapa	Componente	Número de tubos	Volumen nominal [μl/tubo]
Azul	Master A ¹⁾	8	60 ²⁾
Violeta	Master B ¹⁾	8	180 ³⁾
Rojo	QS1 ⁴⁾	2	250
Rojo	QS2 ⁴⁾	2	250
Rojo	QS3 ⁴⁾	2	250
Rojo	QS4 ⁴⁾	2	250
Blanco	NTC ⁵⁾	2	250

¹⁾ Contiene material biológico de origen animal

²⁾ Contiene un volumen adicional de 25 μl para compensar el volumen muerto de la manipulación de Líquido del AltoStar® AM16

³⁾ Contiene un volumen adicional de 55 μl para compensar el volumen muerto de la manipulación de Líquido del AltoStar® AM16

⁴⁾ Estándar de cuantificación (control positivo)

⁵⁾ No Template Control (control negativo)

PRECAUCIÓN



Antes del primer uso, compruebe el producto y sus componentes para ver si están completos en cuanto a número, tipo y relleno. No utilice un producto incompleto o defectuoso, pues el rendimiento del mismo podría verse afectado.

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 contiene suficientes reactivos para realizar 96 reacciones en un número máximo de 8 series.

El producto se envía en hielo seco. En el momento de la recepción y antes de su primer uso, compruebe lo siguiente en el producto y sus componentes:

- Integridad
- Si está completo en cuanto a número, tipo y relleno
- Etiquetado correcto
- Fecha de caducidad
- Estado congelado
- Claridad y ausencia de partículas

Si uno o más componentes no están congelados en el momento de la recepción, o si se han puesto en peligro tubos durante el envío, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics para obtener ayuda (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

4. Almacenamiento y manipulación

Todos los reactivos incluidos en el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 son soluciones listas para usar.

4.1 Almacenamiento

Todos los componentes del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 deben almacenarse entre -25 °C y -15 °C tras su llegada.

PRECAUCIÓN



Unas condiciones de almacenamiento inadecuadas podrían afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN



No use productos cuya fecha de caducidad haya expirado. El uso de productos caducados puede afectar al rendimiento del producto.

4.2 Manipulación

PRECAUCIÓN



No exceda la secuencia de congelación y descongelación ni las duraciones de manipulación especificadas en estas instrucciones de uso, ya que podría afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN



La manipulación incorrecta de componentes de productos y muestras puede provocar contaminación y podría afectar al rendimiento del producto:

- No intercambie tapones de viales y botes.
- Almacene los materiales positivos y/o potencialmente positivos separados de los componentes del kit.
- Utilice áreas de trabajo separadas para la preparación de las muestras, la configuración de reacción y las actividades de amplificación/detección.
- Deseche siempre los guantes después de manipular material positivo y/o potencialmente positivo.
- No abra los tubos y/o las PCR plates (placas PCR) después de la amplificación.

PRECAUCIÓN



No mezcle componentes de diferentes lotes de kits. El uso de diferentes lotes de kits puede afectar al rendimiento del producto.

4.2.1 Master A y Master B

Tras la descongelación, el Master A y Master B permanecerán estables durante 5 horas a una temperatura de hasta +30 °C.

NOTA



Si Master A y Master B se han descongelado pero no se han utilizado, pueden volver a congelarse y a descongelarse para series futuras. Si se abren, deseche las tapas y utilice nuevas tapas para evitar la contaminación de los reactivos.

4.2.2 Estándares de cuantificación y No Template Control (control negativo)

1. Después de la descongelación, los Estándares de cuantificación (QS) y el No Template Control (NTC, control negativo) son estables durante 5 horas a una temperatura de hasta +30 °C.
2. Deseche las tapas de los tubos de QS y NTC en cada uso y utilice nuevas tapas para evitar la contaminación de los reactivos.
3. Tras el uso, cierre los tubos de QS y NTC con tapas nuevas y congélelos inmediatamente.
4. No supere la siguiente secuencia de descongelación-congelación para cada tubo de QS y NTC: *Descongelación 1* → *Congelación 1* → *Descongelación 2* → *Congelación 2* → *Descongelación 3* → *Congelación 3* → *Descongelación 4*

5. Descripción del producto

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 es un test diagnóstico *in vitro* para la detección y la cuantificación de ADN específico de JCV en plasma humano.

Se basa en la tecnología PCR en tiempo real, que utiliza la reacción en cadena de la polimerasa (PCR) para la amplificación de secuencias objetivo específicas de JCV y sondas específicas objetivo etiquetadas con fluorescencia para la detección del ADN amplificado.

Además del sistema de detección y amplificación específicas de ADN de JCV, el ensayo incluye oligonucleótidos para la amplificación y la detección del control interno [en lo sucesivo abreviado como IC; AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)].

Las sondas específicas para el ADN de JCV se etiquetan con el fluoróforo FAM™. La sonda específica para el IC está etiquetada con un fluoróforo (JOE™) detectable en el canal VIC™, por ejemplo.

Utilizar sondas conectadas a colorantes distinguibles permite la detección paralela de ADN específico de JCV y el IC en los canales de detección correspondientes del instrumento PCR en tiempo real utilizado.

5.1 Información general

La familia *Polyomaviridae* consta de, al menos, 16 miembros, que infectan a diferentes especies de mamíferos. Dos de ellos, el *poliomavirus BK* (virus BK o VBK) y el *poliomavirus JC* (virus JC o JCV, por sus siglas en inglés) establecen infecciones ubicuas en humanos de todo el mundo.

Los polyomavirus son pequeños virus icosaédricos no encapsulados, con un genoma de ADN bicatenario superenrollado de, aproximadamente, 5000 pares de bases (pb). Los poliomavirus humanos comparten aproximadamente el 70 % de la identidad secuencial con el *virus Simian 40* (SV40, por sus siglas en inglés). A pesar de esta alta homología secuencial, los poliomavirus muestran una gama restringida de huéspedes con distinto comportamiento biológico y diferente patogénesis de enfermedades.

Las infecciones primarias con JCV generalmente ocurren en la infancia temprana y suelen ser subclínicas, seguidas de una persistencia de por vida. Las células epiteliales de riñón, linfocitos y oligodendrocitos se identificaron como los tipos de células predominantemente infectadas de forma persistente por el JCV.

Mientras que las infecciones por polyomavirus son asintomáticas en personas inmunocompetentes, la reactivación del BKV y/o del JCV en asociación con la inmunosupresión puede conducir a enfermedades graves. Una reactivación del JCV puede causar el desarrollo progresivo de leucoencefalopatía multifocal (LMP), una enfermedad desmielinizante del sistema nervioso central [1,2,3].

5.2 Descripción de los componentes

5.2.1 Master A y Master B

Master A y Master B contienen todos los componentes (solución amortiguadora de PCR, polimerasa de ADN, sal de magnesio, cebadores y sondas) para permitir la amplificación con mediación de PCR y la detección objetivo de ADN específico de JCV y de IC en una configuración de reacción.

5.2.2 Estándares de cuantificación

Los QS contienen concentraciones estandarizadas de ADN específico de JCV (consulte la tabla 2). Se han calibrado con el estándar internacional de la OMS «1st WHO International Standard for JC Virus (JCV) DNA for Nucleic Acid Amplification Techniques (NIBSC code: 14/114)» [4]. Los QS se utilizan para verificar la funcionalidad del sistema de detección y amplificación específicas de ADN de JCV, así como para generar una curva estándar, lo que permite la cuantificación de ADN específico de JCV en una muestra.

Tabla 2: Estándares de cuantificación

Estándar de cuantificación	Concentración [UI/μl]
QS1	1,00E+04
QS2	1,00E+03
QS3	1,00E+02
QS4	1,00E+01

5.2.3 No Template Control (control negativo)

El NTC no contiene ADN específico de JCV, pero sí contiene la plantilla de IC. El NTC se utiliza como control negativo para la PCR en tiempo real de ADN específico de JCV e indica la posible contaminación de Master A y Master B.

5.3 Flujos de trabajo

5.3.1 AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

El AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) incluye los siguientes productos IVD:

- AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización) (Hamilton)
- AltoStar® Connect software versión 1.7.4 o superior (Hamilton)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad) con CFX Manager™ Dx versión de software 3.1 (Bio-Rad)

El flujo de trabajo incluye los pasos siguientes:

1. Programación de una AltoStar® run (serie).
2. Serie de purificación en el AltoStar® AM16 utilizando el kit AltoStar® Purification Kit 1.5 y el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno).
3. Serie de configuración de PCR en el AltoStar® AM16 usando el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5.
4. Serie PCR en tiempo real en un CFX96™ DW Dx.

Para más detalles de los pasos 3 y 4 del flujo de trabajo, consulte el capítulo 7. Uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo). Todo los tipos de muestras y volúmenes de muestras especificados para su uso con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5 pueden procesarse simultáneamente en el AltoStar® AM16. Cada muestra puede analizarse con tantos ensayos PCR en tiempo real en paralelo como permita el eluido disponible.

NOTA



Los ensayos con perfiles de temperatura de PCR diferentes se ordenan automáticamente en PCR plates (placas PCR) separadas.

5.3.2 Otros flujos de trabajo

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se puede usar con flujos de trabajo compatibles (manuales o automatizados). Los instrumentos de PCR en tiempo real que se han validado para su uso con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 figuran en el capítulo 5.3.2.2 Instrumentos de PCR en tiempo real. El uso de procedimientos de extracción alternativos debe validarlo el usuario.

5.3.2.1 Extracción de ácido nucleico

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se puede usar con sistemas de extracción de ácido nucleico distintos del AltoStar® AM16. Los procedimientos alternativos usados para la extracción de ácido nucleico deben ser validados por el usuario. Consulte el capítulo 8.2.1 Preparación de las muestras para ver las instrucciones sobre cómo usar el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) en combinación con otros métodos de extracción distintos del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

5.3.2.2 Instrumentos de PCR en tiempo real

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se ha desarrollado y validado con los siguientes instrumentos de PCR en tiempo real:

- ABI Prism® 7500 SDS (Applied Biosystems)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)
- CFX96™ Dx System (Bio-Rad)
- LightCycler® 480 Instrument II (Roche)
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System (Applied Biosystems)
- Rotor-Gene® Q5/6 plex Platform (QIAGEN)

Usando uno de los instrumentos de PCR en tiempo real mencionados anteriormente (excepto el CFX96™ Deep Well Dx System), hay que realizar manualmente la configuración de PCR, la programación de los instrumentos y el análisis de datos (para obtener más información, consulte los capítulos desde el 8.2.2 Configuración de master mix hasta 8.2.5 Análisis de datos).

5.4 Muestras

5.4.1 Tipos de muestras

Los siguientes tipos de muestras están validados para su uso con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5:

- Plasma humano con EDTA
- Plasma citratado humano

PRECAUCIÓN

¡No utilice otros tipos de muestras! El uso de otros tipos de muestras puede afectar al rendimiento del producto.

5.4.2 Recogida y manipulación de muestras

La sangre debe recogerse mediante sistemas de recogida de sangre estándar y disponibles comercialmente (p. ej., de Sarstedt, Becton Dickinson, Greiner o equivalente). El contenido de los tubos deberá mezclarse justo después de la recogida de las muestras. Las muestras de sangre se deben enviar refrigeradas entre +2 °C y +8 °C. El transporte se debe realizar siguiendo las instrucciones locales y nacionales para el transporte de material biológico.

Para la generación de plasma con EDTA, es necesario centrifugar la sangre entera en un plazo de 24 horas a partir de la recogida y de acuerdo con las instrucciones proporcionadas por el fabricante del sistema de recogida. Antes de su uso, el plasma con EDTA no debería permanecer almacenado durante más de 48 horas a temperatura ambiente (de +20 °C a +25 °C), 5 días de +2 °C a +8 °C o 2 meses de -25 °C a -15 °C.

PRECAUCIÓN

Trate siempre las muestras como si fuera material infeccioso y (bio)peligroso conforme a los procedimientos de seguridad y de laboratorio. Si se derrama material de las muestras, utilice rápidamente un desinfectante adecuado. Manipule los materiales contaminados como si fueran biopeligrosos.

NOTA

El almacenamiento en congelación no pone en peligro el rendimiento del kit. Cuando trabaje con muestras congeladas, asegúrese de que se hayan descongelado y mezclado correctamente antes de su uso.

6. Advertencias, precauciones y limitaciones

- Antes del primer uso, compruebe el producto y sus componentes para ver si están completos en cuanto a número, tipo y relleno. No utilice un producto incompleto o defectuoso, pues el rendimiento del mismo podría verse afectado.
- Unas condiciones de almacenamiento inadecuadas podrían afectar al rendimiento del producto.
- No use productos cuya fecha de caducidad haya expirado. El uso de productos caducados puede afectar al rendimiento del producto.
- No exceda la secuencia de congelación y descongelación ni las duraciones de manipulación especificadas en estas instrucciones de uso, ya que podría afectar al rendimiento del producto.
- La manipulación incorrecta de componentes de productos y muestras puede provocar contaminación y podría afectar al rendimiento del producto:
 - No intercambie tapones de viales y botes.
 - Almacene los materiales positivos y/o potencialmente positivos separados de los componentes del kit.
 - Utilice áreas de trabajo separadas para la preparación de las muestras, la configuración de reacción y las actividades de amplificación/detección.
 - Deseche siempre los guantes después de manipular material positivo y/o potencialmente positivo.
 - No abra los tubos y/o las PCR plates (placas PCR) después de la amplificación.
- No mezcle componentes de diferentes lotes de kits. El uso de diferentes lotes de kits puede afectar al rendimiento del producto.
- ¡No utilice otros tipos de muestras! El uso de otros tipos de muestras puede afectar al rendimiento del producto.
- Trate siempre las muestras como si fuera material infeccioso y (bio)peligroso conforme a los procedimientos de seguridad y de laboratorio. Si se derrama material de las muestras, utilice rápidamente un desinfectante adecuado. Manipule los materiales contaminados como si fueran biopeligrosos.
- El almacenamiento de eluidos en condiciones incorrectas puede provocar la degradación de la secuencia objetivo de JCV y podría afectar al rendimiento del producto.

- No use una versión del protocolo de ensayo distinta de la indicada en el código de barras 2D de estas instrucciones de uso. El uso de una versión incorrecta del protocolo de ensayo podría afectar al rendimiento del producto.
- La ausencia de centrifugación de los componentes del producto tras la descongelación podría provocar la contaminación con restos de reactivos en las tapas y podría afectar al rendimiento del producto.
- No reutilice los tapones de tubos para evitar la contaminación de los reactivos, ya que podría afectar al rendimiento del producto.
- Como con cualquier test diagnóstico, los resultados se interpretarán teniendo en cuenta todos los hallazgos clínicos y de laboratorio.
- La presencia de inhibidores de PCR (p. ej., heparina) podría provocar falsos negativos o resultados no válidos.
- No use volúmenes de Master A y Master B para la configuración de master mix distintos de los especificados en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.
- No supere el tiempo de almacenamiento de la mezcla de PCR, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.
- No mezcle muestras ni ID de muestras durante la configuración de PCR o la transferencia al instrumento PCR. Esto podría provocar resultados con falsos positivos o falsos negativos debido a una asignación de muestras incorrecta.
- No use otras condiciones de ciclo distintas de las especificadas en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.
- No use otra configuración de control para el análisis de datos que no sea la especificada en estas instrucciones de uso, ya que esto podría provocar unos resultados de examen IVD incorrectos.
- Si la muestra contiene otros patógenos distintos de JCV, puede darse competencia con la amplificación objetivo o reactividades cruzadas, lo que provocaría unos resultados de examen IVD incorrectos.
- La eliminación de los residuos peligrosos y biológicos deberá cumplir las normativas locales y nacionales para evitar la contaminación medioambiental.
- Las posibles mutaciones dentro de las regiones objetivo del genoma de JCV cubiertas por los cebadores o las sondas utilizados en el kit pueden provocar subcuantificación y/o fallos al detectar la presencia del patógeno.

7. Uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

La parte siguiente de estas instrucciones de uso describe la utilización del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 junto con el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo). El kit AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) está compuesto por distintos productos IVD (AltoStar® AM16, AltoStar® Connect software, kit AltoStar® Purification Kit 1.5, AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) y CFX96™ DW Dx). La utilización de estos productos se describe con detalle en las respectivas instrucciones de uso.

- AltoStar® Automation System AM16 Manual IVD del operador (Hamilton)
- AltoStar® Connect Software Manual IVD (Hamilton)
- Instrucciones de uso AltoStar® Purification Kit 1.5
- Instrucciones de uso AltoStar® Internal Control 1.5
- Sistemas CFX96™ Dx y CFX96™ Deep Well Dx Manual de funcionamiento (Bio-Rad)

7.1 Volumen de muestras

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 está validado para purificaciones de ácido nucleico de un volumen de muestras de 500 µl cuando se usa el AltoStar® AM16. Debe proporcionarse un volumen de muestras adicional para compensar el volumen muerto del tubo de muestras utilizado (consulte el capítulo 7.2 Tubos de muestras).

7.2 Tubos de muestras

Pueden comprarse tubos de muestras adecuados para su uso en el AltoStar® AM16 a alta Diagnostica (tubo de 7 ml con tapón, 82 x 13 mm, VK000010). El usuario puede probar la aplicabilidad de otros tubos de muestras. Para ver detalles, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.3 Códigos de barras de la muestra

Para la identificación automatizada de muestras con el AltoStar® AM16, deben etiquetarse todos los tubos de muestras con un código de barras adecuado. Para ver detalles, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.4 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados para el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

El material y los dispositivos que se muestran en la tabla 3 deben solicitarse a Altona Diagnostics.

Tabla 3: Material y dispositivos necesarios

Material	Descripción	N.º de pedido
AltoStar® Molecular Diagnostic Workflow	El pack de productos contiene el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización), el AltoStar® Connect software (versión 1.7.4 o superior) y hardware informático	AM16
AltoStar® Detection	El pack de productos contiene el CFX96™ Deep Well Dx System con el CFX Manager™ Dx software (versión 3.1), un escáner de código de barras y hardware informático	DT16
AltoStar® Purification Kit 1.5	Química de aislamiento y purificación de ácidos nucleicos para el uso con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización)	PK15-16/ PK15-46
AltoStar® Internal Control 1.5	Extracción de ácido nucleico y control de detección y amplificación de PCR	IC15-16/ IC15-46
PCR Plate	Placa de 96 pocillos con código de barras, semifaldón y pocillos blancos	VK000005
PCR Plate Sealing Foil	Lámina sellante para la PCR plate (placa PCR)	VK000006
1,000 µl CO-RE Tips	Puntas de filtro de 1000 µl para usar con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización)	VK000007
300 µl CO-RE Tips	Puntas de filtro de 300 µl para usar con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización)	VK000008

Material	Descripción	N.º de pedido
Pooling Tube	Tubo con código de barras para la agrupación de reactivos de PCR	VK000002
Waste Bag	Bolsa estéril apta para autoclave para usar con el AltoStar® Automation System AM16 (sistema de automatización)	VK000009
Screw Cap - red	Tapón de rosca para tubos de QS1-QS4 (rojo)	VK000012
Screw Cap - blue	Tapón de rosca para tubos de Master A (azul)	VK000013
Screw Cap - purple	Tapón de rosca para tubos de Master B (violeta)	VK000015
Screw Cap - white	Tapón de rosca para tubos de NTC (blanco)	VK000016

Tabla 4: Material y dispositivos adicionales de laboratorio

Material	Descripción	N.º de pedido
Sellador de placas	p. ej., AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas)	VK000023
	p. ej., el PX1 Plate Sealer (Bio-Rad)	VK000033

7.5 Material y dispositivos generales

- Agitador vortex
- Guantes sin polvo (desechables)
- Centrifuga para el centrifugado de componentes del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5
- Centrifuga para el centrifugado de PCR plates (placas PCR)

Controles de procesos

Los controles de procesos positivos y negativos, que se tratan como muestras y se someten al mismo procedimiento de aislamiento del ácido nucleico, deben comprobarse de acuerdo con las pautas o requisitos de las normativas locales, estatales, federales o de organizaciones de acreditación con el fin de supervisar el proceso en su totalidad.

Altona Diagnostics no proporcionará controles de procesos. Para tal fin, se pueden usar muestras o materiales previamente caracterizados de Qnostics (JCV Medium Q Control; n.º cat. JCVMQC), que deberán ser validados por el laboratorio.

7.6 Procedimiento

7.6.1 Descripción general del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

Los pasos del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) completo se resumen en la tabla 5. Se proporciona información sobre configuraciones específicas para el uso con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 en el capítulo 7.6.2 Programación de una AltoStar® run (serie). Para instrucciones detalladas para los pasos 1-5, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el AltoStar® Connect software y el AltoStar® AM16.

Los pasos 6-11 se describen con más detalle en los capítulos 7.6.3 Iniciar una serie de configuración de PCR hasta 7.6.10 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual.

Tabla 5: Descripción general del AltoStar® Workflow (flujo de trabajo)

Paso	Acción
1. Iniciar el AltoStar® AM16	<ul style="list-style-type: none"> • Encienda el AltoStar® AM16. • Encienda el ordenador y el monitor. • Inicie el AltoStar® Connect software.
2. Realizar mantenimiento	<ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en Application → Instrument Maintenance (aplicación → mantenimiento del instrumento). <ul style="list-style-type: none"> ◦ Si está pendiente el mantenimiento semanal, haga clic en Start Weekly Maintenance (iniciar mantenimiento semanal). ◦ Si está pendiente el mantenimiento diario, haga clic en Start Daily Maintenance (iniciar mantenimiento diario). • Siga las instrucciones en pantalla para completar el proceso de mantenimiento.
3. Programación de una AltoStar® run (serie)	<ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en Program Run → Program Run (AltoStar® Purification) [programar serie → programar serie (AltoStar® Purification)]. De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio y haga clic en el botón Program Run (programar serie). • Introduzca muestras o impórtelas del LIMS (por sus siglas en inglés). • Seleccione el siguiente ensayo para las muestras a menos que ya lo haya importado del LIMS: <ul style="list-style-type: none"> ◦ AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 • Haga clic en el botón Create Run (crear serie) en la barra de herramientas para crear la AltoStar® run (serie).

Paso	Acción
<p>4. Iniciar una serie de purificación</p>	<ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en Purification → Start Purification (purificación → iniciar purificación). De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio y haga clic en el botón Start Purification (iniciar purificación). • Seleccione la serie de purificación que desea iniciar para mostrar las muestras incluidas en la serie de purificación seleccionada. • Prepare los reactivos de purificación: <ul style="list-style-type: none"> ◦ Asegúrese de que los reactivos de purificación que desea utilizar tengan el mismo número de carga [excepto el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)] y no hayan caducado. ◦ Si hay precipitados visibles en el Lysis Buffer (tampón de lisis), caliéntelo ($\leq +50$ °C) hasta que se disuelvan por completo. ◦ Descongele el IC [AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)] y aplique un vortex durante 5 segundos. ◦ Aplique un vortex a las Magnetic Bead (esferas magnéticas) durante 5 segundos sin mojar la tapa. • Prepare las muestras para iniciar la serie de purificación como se indica en las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5. • Haga clic en el botón Start Run (iniciar serie) en la barra de herramientas. • Siga los cuadros de diálogo de carga y cargue el instrumento en consonancia. • Confirme el mensaje Loading complete (carga completa) haciendo clic en OK (aceptar) o espere 10 segundos. <p>El sistema realizará a continuación la serie de purificación automáticamente.</p>

Paso	Acción
5. Finalizar la serie de purificación	<ul style="list-style-type: none"><li data-bbox="443 229 995 309">• Asegúrese de que la bandeja de carga está vacía y confirme el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada) haciendo clic en OK (aceptar).<li data-bbox="443 319 995 399">• Siga las instrucciones del cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento) y confirme con OK (aceptar).<li data-bbox="443 408 995 456">• Selle y almacene los componentes del kit AltoStar® Purification Kit 1.5 que puedan reutilizarse. <p data-bbox="418 478 995 558">Los eluidos de la eluate plate (placa de eluidos) sin sellar son estables a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante un total de 4 horas.</p> <ul style="list-style-type: none"><li data-bbox="443 580 995 708">• Si la serie de configuración de PCR asociada no se inicia inmediatamente, selle la eluate plate (placa de eluidos) con una Eluate Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas de eluidos) y almacénela a una temperatura de entre +2 °C y +8 °C durante 24 horas.<li data-bbox="443 718 995 766">• Vea los resultados de la serie de purificación para confirmar el procesamiento correcto de cada muestra.

Paso	Acción
<p>6. Inicio de una serie de configuración de PCR</p>	<ul style="list-style-type: none"> • En la barra de menú, haga clic en PCR Setup → Start PCR Setup (configuración de PCR → iniciar configuración de PCR). De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio y haga clic en el botón Start PCR Setup (iniciar configuración de PCR). • Seleccione la serie de configuración de PCR que desea iniciar para mostrar la eluate plate (placa de eluidos) y los reactivos en la serie de configuración de PCR seleccionada. • Prepare los reactivos de PCR: <ul style="list-style-type: none"> ◦ Asegúrese de que los masters y los controles que se van a utilizar son del mismo lote de kits y no están caducados. ◦ Descongele la cantidad necesaria de tubos de master y control, aplique un vortex brevemente y centrifugue. • Si la eluate plate (placa de eluidos) está sellada, centrifúguela brevemente y quite el sello con cuidado. • Haga clic en el botón Start Run (iniciar serie) en la barra de herramientas. • Siga el cuadro de diálogo de Loading (carga) y cargue el instrumento en consonancia. • Confirme el mensaje Loading complete (carga completa) haciendo clic en OK (aceptar) o espere 10 segundos. <p>El sistema realizará a continuación la serie de configuración de PCR automáticamente.</p>
<p>7. Finalizar la serie de configuración de PCR</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Asegúrese de que la bandeja de carga está vacía y confirme el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada) haciendo clic en OK (aceptar). • Siga las instrucciones del cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento) y confirme con OK (aceptar). • Selle y almacene los componentes del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 que puedan reutilizarse. • Vea los resultados de la serie de configuración de PCR para confirmar el procesamiento correcto de cada muestra.

Paso	Acción
8. Sellar la PCR plate (placa PCR)	<ul style="list-style-type: none"> Selle la PCR plate (placa PCR) con una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR).
9. Iniciar la serie PCR	<ul style="list-style-type: none"> Encienda el CFX96™ DW Dx, el ordenador conectado y el monitor. Inicie el CFX Manager™ Dx software. Abra el CFX96™ DW Dx. Centrifugue la PCR plate (placa PCR) e insértela en el CFX96™ DW Dx. Seleccione File → Open → LIMS File... (archivo → abrir → archivo de LIMS...) en la barra de menú. Escanee el código de barras de la PCR plate (placa PCR) con el escáner de código de barras de mano. Cierre el CFX96™ DW Dx. Haga clic en el botón Start Run (iniciar serie) para iniciar la serie PCR. Ponga nombre al archivo de la serie PCR y guárdelo. <p>El CFX96™ DW Dx realizará a continuación la serie PCR automáticamente.</p>
10. Separar ensayos para el análisis individual	<ul style="list-style-type: none"> Separe todos los ensayos en la serie PCR en grupos de pocillos diferentes.
11. Analizar los datos e interpretar los resultados de la serie PCR	<p>Para cada grupo de pocillos individualmente:</p> <ul style="list-style-type: none"> Realice la corrección de la línea de base en todos los pocillos para todos los canales de detección utilizados. Excluya los pocillos con señales de PCR irregulares. Establezca los umbrales de todos los canales de detección conforme a los controles. Excluya los pocillos que contengan datos no válidos. Genere el archivo de resultados LIMS para exportar los resultados al LIMS. Genere el informe de resultados para la interpretación de resultados manual.

PRECAUCIÓN

El almacenamiento de eluidos en condiciones incorrectas puede provocar la degradación de la secuencia objetivo de JCV y podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.2 Programación de una AltoStar® run (serie)

Para obtener información detallada sobre cómo iniciar una AltoStar® run (serie), consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el AltoStar® Connect software y el AltoStar® AM16. A continuación figuran las configuraciones específicas para usar con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5:

- Para la aplicación de ensayo cuantitativa, se seleccionan QS1-4 y NTC y para la aplicación de ensayo cualitativa, se seleccionan QS4 y NTC.
- El volumen de muestras necesario es de 500 µl más el volumen muerto para el tubo de muestras correspondiente (consulte los capítulos 7.1 Volumen de muestras y 7.2 Tubos de muestras).
- El volumen de eluido necesario para el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 es de 10 µl.
- Asegúrese de que se usa la versión correcta de protocolo de ensayo para la serie. Para obtener más información sobre la versión del protocolo actual, consulte el capítulo 16. Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS. El protocolo de ensayo respectivo está codificado en el código de barras en 2D que se muestra allí. Para obtener más información sobre la importación del protocolo de ensayo y purificación en el AltoStar® Connect software, consulte las instrucciones de uso pertinentes.

PRECAUCIÓN

No use una versión del protocolo de ensayo distinta de la indicada en el código de barras 2D de estas instrucciones de uso. El uso de una versión incorrecta del protocolo de ensayo podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.3 Inicio de una serie de configuración de PCR

1. Seleccione **PCR Setup** → **Start PCR Setup** (configuración de PCR → iniciar configuración de PCR) en la barra de menú. De forma alternativa, vuelva a la pantalla de inicio del AltoStar® Connect software y seleccione el botón **Start PCR Setup** (iniciar configuración de PCR). Se muestra la pantalla Start PCR Setup (iniciar configuración de PCR).

Las series de configuración de PCR pendientes se muestran en la tabla Programmed PCR Setup Runs (series de configuración de PCR programadas) en la parte izquierda de la pantalla.

2. Seleccione la serie de configuración de PCR que desea iniciar en la tabla Programmed PCR Setup Runs (series de configuración de PCR programadas).
 - Las muestras incluidas en la serie de configuración de PCR seleccionada se muestran en la tabla de la parte superior derecha de la pantalla [Samples in selected PCR Setup Run (muestras en la serie de configuración de PCR seleccionada)].
 - Los QS y controles necesarios para la serie de configuración de PCR seleccionada se muestran en la tabla de la parte central derecha de la pantalla [Controls in selected PCR Setup Run (controles en la serie de configuración de PCR seleccionada)].
 - El número de tubos maestros necesarios para la serie de configuración de PCR seleccionada se muestra en la tabla de la parte inferior derecha de la pantalla [Required master tubes for the selected PCR Setup Run (tubos maestros necesarios para la serie de configuración de PCR seleccionada)].

NOTA



El n.º de muestras priorizadas en una serie de configuración de PCR se muestra en la columna **No. of prioritized Samples** (n.º de muestras priorizadas). Realice series de configuración de PCR con muestras priorizadas primero para facilitar un procesamiento más rápido de las muestras priorizadas.

Antes de hacer clic en el botón **Start Run** (iniciar serie) de la barra de herramientas, prepare los reactivos necesarios como se describe en el capítulo 7.6.3.1 Preparación de reactivos para una serie de configuración de PCR. Si la eluate plate (placa de eluidos) necesaria para la serie de configuración de PCR seleccionada se ha sellado para su almacenamiento, prepárela como se describe en las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

7.6.3.1 Preparación de reactivos para una serie de configuración de PCR

1. Descongele los QS, los controles y el número necesario de tubos maestros completamente a temperatura ambiente (máx. +30 °C).
2. Mezcle los reactivos aplicando un vortex suave.
3. Centrifugue los tubos brevemente para quitar las gotas de la tapa.

PRECAUCIÓN



La ausencia de centrifugación de los componentes del producto tras la descongelación podría provocar la contaminación con restos de reactivos en las tapas y podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.3.2 Carga del AltoStar® AM16 para una serie de configuración de PCR

Para obtener información más detallada sobre el proceso de carga, consulte las instrucciones de uso del AltoStar® AM16 y del AltoStar® Connect software.

1. Haga clic en el botón **Start Run** (iniciar serie) en la barra de herramientas de la pantalla Start PCR Setup Run (iniciar serie de configuración de PCR) para mostrar el cuadro de diálogo Loading (carga).

El cuadro de diálogo Loading (carga) se compone de una representación visual de la plataforma del AltoStar® AM16 sobre una tabla que especifica los portadores, los raíles respectivos en la plataforma del AltoStar® AM16 para cada portador, el material que debe cargarse en cada portador y comentarios sobre la carga de los portadores.

NOTA

Para visualizar la posición de un elemento en un portador y la posición del portador en la plataforma del AltoStar® AM16, seleccione la fila respectiva en la tabla del cuadro diálogo Loading (carga).



Se visualiza la posición del elemento y de su portador:

- Resaltada en rojo en la representación visual de la plataforma del instrumento.
- En el AltoStar® AM16, haciendo que parpadeen las luces de carga sobre los raíles en los que debe colocarse el portador seleccionado.

2. Cargue el material necesario, la eluate plate (placa de eluidos) preparada y los reactivos preparados en los portadores adecuados.
 - Únicamente cambie bastidores de puntas de 1000 µl **completamente vacíos** por bastidores de puntas de 1000 µl **completamente llenos** en el portador de puntas.
 - Únicamente cambie bastidores de puntas de 300 µl **completamente vacíos** por bastidores de puntas de 300 µl **completamente llenos** en el portador de puntas y placas.

NOTA

El intercambio de bastidores de puntas que no están completamente vacíos y la manipulación de puntas individuales puede interferir con la gestión automática de las puntas y provocar cancelaciones de las series.

- Coloque la eluate plate (placa de eluidos) necesaria con el pocillo A1 a la izquierda de la posición de la placa negra.
- Coloque una PCR plate (placa PCR) con el pocillo A1 a la izquierda de la posición de la placa frontal plateada.
- Cargue un portador de 24 tubos con un tubo de agrupación sin utilizar para cada ensayo en la serie de configuración de PCR.
- Empuje suavemente los tubos hasta la parte inferior del portador y gire los tubos hasta que los códigos de barras de los tubos se vean a través de la ventana del portador.
- Cargue el portador de 32 tubos de reactivo con los componentes del ensayo necesarios para la serie de configuración de PCR.

- Empuje suavemente los tubos hasta la parte inferior del portador y gire los tubos hasta que los códigos de barras de los tubos se vean a través de la ventana del portador.

NOTA



La posición de los tubos individuales en los portadores es arbitraria.

NOTA



El sistema no comprueba el volumen de los componentes cargados antes del procesamiento. Un volumen de componentes insuficiente impedirá la correcta configuración de PCR para el ensayo en cuestión.

NOTA



Iniciar una serie de configuración de PCR con las tapas aún puestas en los tubos podría provocar que la serie se cancelase durante el procesamiento.

3. Cargue los portadores con el código de barras del portador hacia la parte posterior mirando a la derecha.
4. Inserte los portadores rellenos en los raíles respectivos entre los bloques deslizantes delanteros y traseros de la bandeja de carga hasta que toquen los ganchos de parada en la parte alejada de la bandeja.

NOTA



Empujar los portadores más allá de los ganchos de parada puede dañar el instrumento e interferir con el proceso de carga.

5. Compruebe que la hoja de eyección de puntas y el contenedor de puntas desechadas estén en la posición correcta y que se haya colocado una nueva bolsa de desechos en el contenedor.
6. Haga clic en **OK** (aceptar) en el cuadro de diálogo Loading (carga) para continuar con el proceso de carga.

NOTA



Al hacer clic en **Cancel** (cancelar), se cancelará la serie de configuración de PCR, pero puede volver a iniciarse (consulte el capítulo 7.6.3 Inicio de una serie de configuración de PCR).

El AltoStar® AM16 introduce los portadores en el instrumento y realiza la verificación del código de barras.

NOTA



El AltoStar® AM16 verifica automáticamente:

- Tipo y localización correctos de los portadores cargados
- Identidad y posición correctas de los elementos cargados en los portadores
- Congruencia de lote de los componentes de los kits de ensayos AltoStar® individuales
- No caducidad de todos los componentes de ensayos AltoStar® cargados
- Posición correcta de la hoja de eyección de puntas

Si no se supera alguna de estas comprobaciones, se presenta al usuario un cuadro de diálogo de mensaje que especifica el problema en cuestión, con instrucciones para corregirlo adecuadamente. Para obtener más información sobre la gestión de errores, consulte las instrucciones de uso del AltoStar® Connect software.

NOTA



Alterar la posición de algún elemento cargado cuando el portador ya se ha introducido en el instrumento puede provocar la cancelación de la serie de configuración de PCR y/o daños en el instrumento.

Cuando se hayan superado todas las comprobaciones, se muestra el cuadro de diálogo Loading complete (carga completa).

7. Confirme el cuadro de diálogo Loading complete (carga completa) haciendo clic en **OK** (aceptar) o espere 10 segundos a que se produzca el inicio automático del proceso.

NOTA



Al hacer clic en **Cancel** (cancelar), se cancelará la serie de configuración de PCR, pero puede volver a iniciarse (consulte el capítulo 7.6.3 Inicio de una serie de configuración de PCR).

Se inicia la serie de configuración de PCR, que se realizará sin interacción del usuario.

7.6.3.3 Durante la serie de configuración de PCR

No se requiere más interacción del usuario hasta que finaliza la serie de configuración de PCR. Se abre la pantalla Processing Status (estado del procesamiento), que muestra el estado de la serie de configuración de PCR y una estimación del tiempo restante.

NOTA



Empujar los portadores o tirar de ellos o de la puerta del AltoStar® AM16 durante una serie de configuración de PCR podría anular la serie.

7.6.4 Fin de la serie de configuración de PCR

Al final de la serie de configuración de PCR, se muestra el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada).

1. Asegúrese de que la bandeja de carga está vacía.
2. Confirme el cuadro de diálogo Run finished (serie finalizada) haciendo clic en **OK** (aceptar).

El AltoStar® AM16 descargará los portadores. Asegúrese de no interponerse en el recorrido de los portadores que están descargándose.

Tras la descarga, se muestra el cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento).

3. Siga las instrucciones del cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento).

La tabla del cuadro de diálogo muestra el número de reacciones en los tubos maestros que no se han utilizado en la serie de configuración de PCR.

4. Si se va a iniciar inmediatamente otra serie de configuración de PCR que utiliza la eluate plate (placa de eluidos) cargada actualmente, la eluate plate (placa de eluidos) puede permanecer sin sellar en la posición del portador. Si **no** es el caso, selle y almacene la eluate plate (placa de eluidos). Para obtener más información, consulte las instrucciones de uso del kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

NOTA



Los eluidos de la eluate plate (placa de eluidos) son estables a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante un total de 4 horas tras completarse la serie de purificación.

5. Cierre los tubos de reactivo con los tapones de tubos adecuados sin usar.

PRECAUCIÓN



No reutilice los tapones de tubos para evitar la contaminación de los reactivos, ya que podría afectar al rendimiento del producto.

6. Almacene los reactivos para su reutilización como se describe en el capítulo 4.2 Manipulación.
7. Deseche los materiales utilizados (consulte el capítulo 10. Eliminación).
8. Confirme el cuadro de diálogo Maintenance (mantenimiento) haciendo clic en **OK** (aceptar).

7.6.4.1 Resultados de serie de configuración de PCR

Los resultados de serie de configuración de PCR se guardan en el AltoStar® Connect software.

1. Haga clic en **PCR Setup** → **PCR Setup Results** (configuración de PCR → resultados de configuración de PCR) en la barra de menú para acceder a la pantalla de resultados.

La pantalla Results (resultados) muestra una tabla con todas las muestras utilizadas en la última serie de configuración de PCR y una columna de **Status** (estado) a la derecha que indica si se ha realizado completamente el proceso de configuración de PCR para una muestra concreta (consulte la tabla 6).

Tabla 6: Resultados de serie de configuración de PCR

Status (estado)	Resultado de serie de configuración de PCR
Processed (procesado)	<ul style="list-style-type: none"> • El eluido se ha procesado correctamente en la serie de configuración de PCR. • La mezcla de PCR resultante está lista para su uso en una serie PCR.
Error (error)	<ul style="list-style-type: none"> • El eluido no se ha procesado correctamente. • La mezcla de PCR respectiva se omitirá automáticamente en el siguiente análisis de PCR.

2. Para ver los resultados de series de configuración de PCR anteriores, haga clic en el botón **Load** (cargar) de la barra de menú, seleccione la serie de configuración de PCR deseada en la lista del cuadro de diálogo Load Results (cargar resultados) que se abre y haga clic en **OK** (aceptar).

El AltoStar® Connect software genera automáticamente 3 archivos de resultado de serie de configuración de PCR:

- Un archivo LIMS (.xml) para transferir información detallada sobre la serie de configuración de PCR, incluidos los resultados de nuevo al LIMS
- Un informe (.pdf) que contiene información detallada sobre la serie de configuración de PCR, incluidos los resultados para fines de documentación
- Un archivo de ciclador (.pln) para la programación automática del CFX96™ DW Dx

Estos archivos se guardan en la ubicación especificada en los System Settings (ajustes del sistema) del AltoStar® Connect software.

NOTA



Los archivos de resultado de serie de configuración de PCR pueden volver a generarse cargando la serie de configuración de PCR respectiva y haciendo clic en el botón **Create LIMS File** (crear archivo LIMS) para generar el archivo LIMS, en el botón **Create Report** (crear informe) para generar el informe o en el botón **Create Bio-Rad Cyclor File** (crear archivo de ciclador Bio-Rad) para generar el archivo de ciclador.

7.6.5 Sellado de la PCR plate (placa PCR)

Tras completar la serie de configuración de PCR, la PCR plate (placa PCR) debe sellarse con una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR). Se recomienda usar el AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)] o el PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad). La idoneidad de los selladores de placas distintos a los recomendados debe evaluarla el usuario.

Si va a utilizar los selladores de placas recomendados, proceda de este modo:

1. Encienda el sellador de placas y asegúrese de que el adaptador de placas no está en el cajón.
2. Asegúrese de que los ajustes del sellador de placas son los siguientes:

Tabla 7: Ajustes del sellador de placas

Sellador de placas	Configuración	
	Temperatura [°C]	Tiempo [s]
AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)]	170	2
PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad)	175	3

- Espera a que se alcance la temperatura configurada. Esto puede tardar unos minutos.
- Coloque la PCR plate (placa PCR) sobre el adaptador de placas del sellador de placas.
- Coloque una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) en la PCR plate (placa PCR) de modo que se pueda leer la impresión «THIS SIDE UP» (este lado hacia arriba). Asegúrese de que todos los pocillos de la PCR plate (placa PCR) están cubiertos por la lámina y de que la escritura no oculte ninguno de ellos.

NOTA

Si se usa el sellador de placas sin el adaptador de placas colocado en el cajón, el sellador puede averiarse. En este caso, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics para conseguir asistencia (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

NOTA

Si la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) o el bastidor están mal colocados, la lámina podría quedarse pegada a la placa calentadora del interior del sellador de placas durante el sellado. Esto inutilizará el sellador. En este caso, o si se ha iniciado el paso de sellado sin la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR), deje que el sellador de placas se enfríe hasta alcanzar la temperatura ambiente y póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics para que le ayuden (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

6. Ensamble el bastidor de sellado en la parte superior para sujetar la lámina sellante.
7. Abra el cajón pulsando el botón **Operate** (operar)*/ **.
8. Coloque el ensamblaje que se compone del adaptador de placas, la PCR plate (placa PCR), la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) y el bastidor de sellado en el sellador de placas y pulse el botón **Operate** (operar)*/ **.
9. El cajón se cierra automáticamente, sella durante el tiempo configurado y se vuelve a abrir automáticamente.
10. Saque la PCR plate (placa PCR) sellada y el adaptador de placas del sellador de placas y cierre el sellador de placas pulsando el botón **Close** (cerrar)*/ **.

* AltoStar® Plate Sealer (sellador de placas) [4s3™ Semi-Automatic Sheet Heat Sealer (4titude)]

** PX1 PCR Plate Sealer (Bio-Rad)

7.6.5.1 Estabilidad de la mezcla de PCR

Tras completarse la serie de configuración de PCR, la mezcla de PCR de la PCR plate (placa PCR) sellada es estable a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante 30 minutos.

PRECAUCIÓN



No supere el tiempo de almacenamiento de la mezcla de PCR, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

7.6.6 Inicio de una serie PCR

La serie PCR se realiza en un CFX96™ DW Dx bajo el control del CFX Manager™ Dx software.

1. Encienda el CFX96™ DW Dx, el ordenador conectado y el monitor.
2. Inicie el CFX Manager™ Dx software.
3. En la barra de menú del CFX Manager™ Dx software, seleccione **File** → **Open** → **LIMS File...** (archivo → abrir → archivo LIMS...) para abrir el cuadro de diálogo Open LIMS File (abrir archivo LIMS).

4. En el cuadro de diálogo Open LIMS File (abrir archivo LIMS) que se abre, asegúrese de que el cursor está parpadeando en el campo **File name** (nombre de archivo) en la parte inferior. Si no es así, haga clic en el campo **File name** (nombre de archivo).
5. Escanee el código de barras de la PCR plate (placa PCR) con el escáner de código de barras de mano para seleccionar y abrir automáticamente el archivo LIMS correcto. Se muestra el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie).

NOTA



Todos los parámetros necesarios para el inicio de la serie PCR se transfieren automáticamente desde el AltoStar® Connect software al CFX96™ DW Dx mediante el archivo de ciclador.

6. Haga clic en el botón **Open Lid** (abrir tapa) en el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie) para abrir la tapa del CFX96™ DW Dx.
7. Centrifugue brevemente la PCR plate (placa PCR) sellada para asegurarse de que todo el líquido se quede en el fondo de los pocillos.
8. Inserte la PCR plate (placa PCR) sellada en el bloque calentador del CFX96™ DW Dx con el pocillo A1 a la izquierda.
9. Cierre el CFX96™ DW Dx haciendo clic en el botón **Close Lid** (cerrar tapa) en el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie).
10. Inicie la serie PCR haciendo clic en el botón **Start Run** (iniciar serie) en el cuadro de diálogo Run Setup (configuración de la serie).

7.6.6.1 Durante la serie PCR

No se requiere interacción del usuario hasta que finaliza la serie PCR. Se abre el cuadro de diálogo Run Details (detalles de la serie) que muestra el estado de la serie PCR y una estimación del tiempo restante.

NOTA



Abrir la tapa del CFX96™ DW Dx durante una serie PCR operando el botón de la parte frontal de la tapa o haciendo clic en **Open Lid** (abrir tapa) en el cuadro de diálogo Run Details (detalles de la serie) cancelará la serie y se invalidarán todos los resultados.

Al final de una serie PCR, se muestra la ventana Data Analysis (análisis de datos), la cual muestra las curvas de amplificación, la disposición de la placa y los resultados.

7.6.6.2 Asignación de ensayos a grupos de pocillos

El AltoStar® Workflow (flujo de trabajo) procesa uno o varios ensayos PCR simultáneamente en una PCR plate (placa PCR). Sin embargo, el usuario debe analizar cada ensayo por separado conforme a las instrucciones de uso del ensayo respectivo.

Con este fin, el usuario debe asignar todos los ensayos de una PCR plate (placa PCR) a grupos de pocillos individuales en el CFX Manager™ Dx software.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en el botón **Plate Setup** (configuración de la placa) en la barra de herramientas y seleccione **View/Edit Plate** (ver/editar placa). Se muestra el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa) (consulte la figura 1).

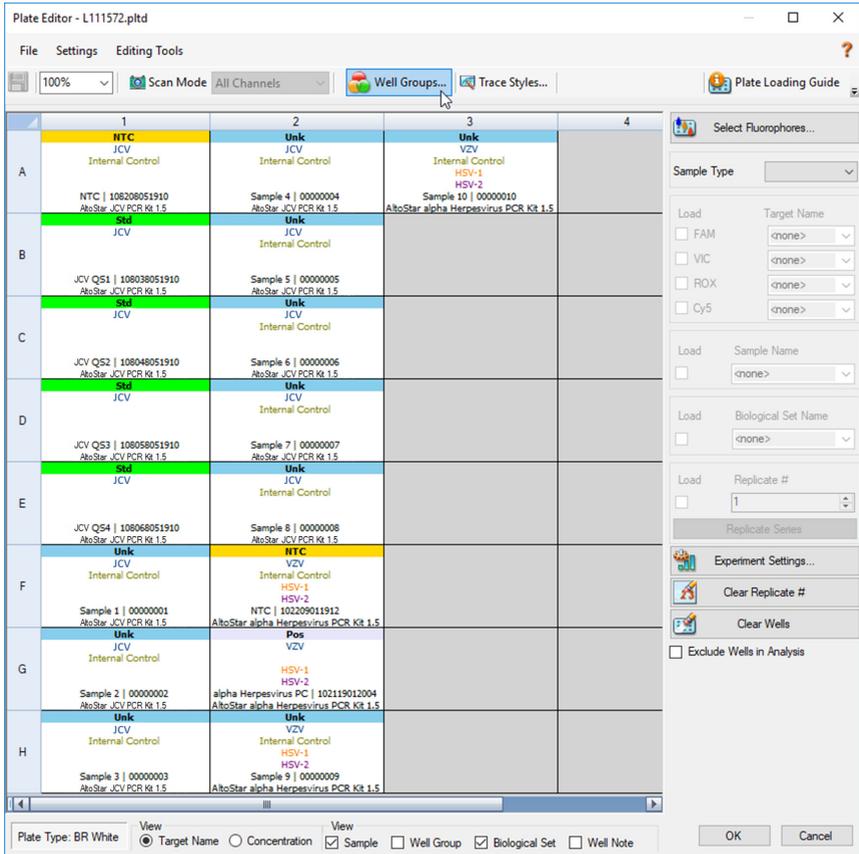


Figura 1: Cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa)

2. En el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa), haga clic en **Well Groups...** (grupos de pocillos...) en la barra de herramientas. Se muestra el cuadro de diálogo Well Groups Manager (gestor de grupos de pocillos) (consulte la figura 2).
3. Haga clic en el botón **Add** (añadir).
4. Escriba el nombre del primer ensayo en el cuadro de texto.

5. Seleccione todos los pocillos en el área de la PCR plate (placa PCR) que pertenezcan al primer ensayo (consulte la figura 2). Los pocillos que pertenecen a un ensayo individual pueden identificarse en el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa) mediante la entrada del campo **Biological Set** (conjunto biológico).

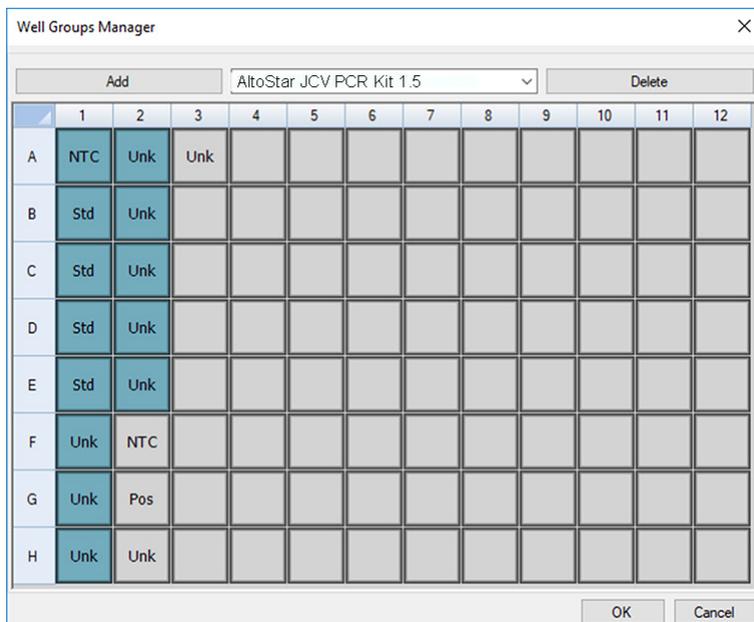


Figura 2: Cuadro de diálogo Well Groups Manager (gestor de grupos de pocillos)

6. Repita los pasos del 3 al 5 para todos los ensayos en la PCR plate (placa PCR).
7. Confirme la asignación de grupos de pocillos haciendo clic en **OK** (aceptar). Se cierra el cuadro de diálogo Well Groups Manager (gestor de grupos de pocillos).
8. Cierre el cuadro de diálogo Plate Editor (editor de placa) haciendo clic en **OK** (aceptar).
9. Confirme para aplicar los cambios haciendo clic en **Yes** (sí).

7.6.7 Análisis de datos PCR

Los resultados de todos los ensayos (grupos de pocillos) en la PCR plate (placa PCR) deben analizarse en la secuencia que se indica en la figura 3.

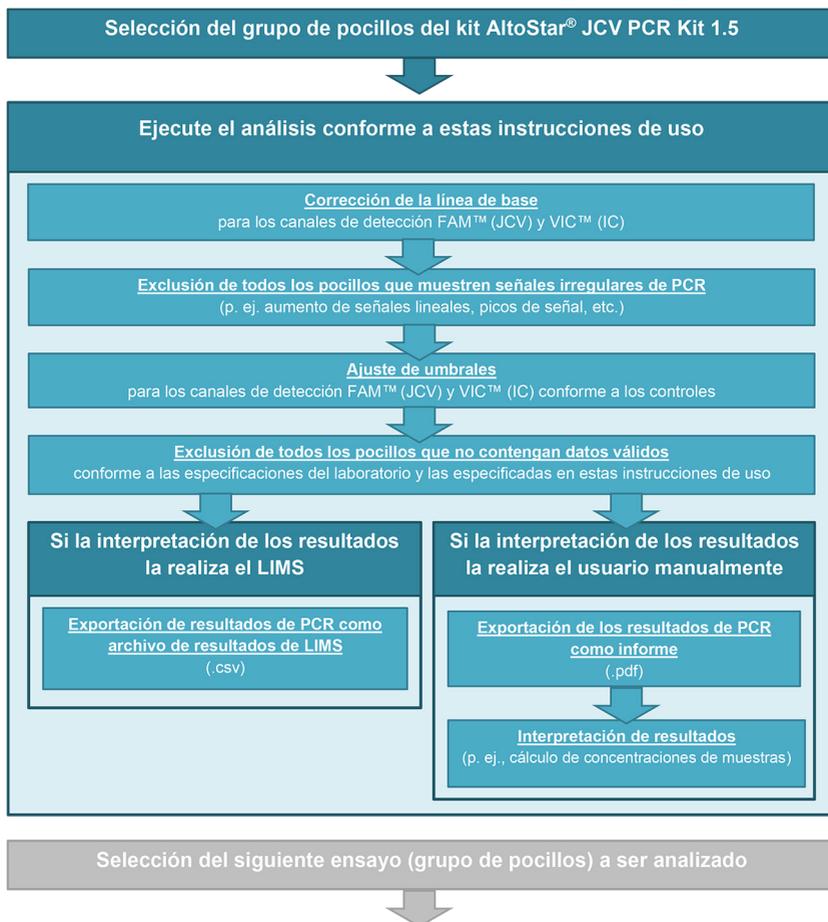


Figura 3: Proceso de análisis de datos PCR

En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas. No utilice el **Well Group** (grupo de pocillos) «All Wells» (todos los pocillos). La selección de la figura 4 se usa como vista de ejemplo general.

Antes de analizar los resultados, asegúrese de que el grupo de pocillo del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 contiene todos los pocillos del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 y ningún pocillo de otros análisis.

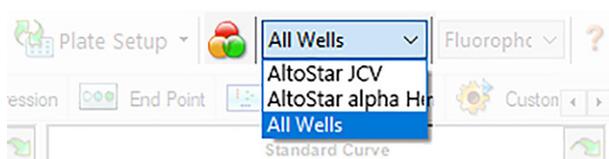


Figura 4: Botón Well Group (grupo de pocillos) y menú desplegable Well Group (grupo de pocillos)

NOTA



Los análisis combinados de más de un ensayo pueden arrojar resultados incorrectos.

PRECAUCIÓN



Como con cualquier test diagnóstico, los resultados se interpretarán teniendo en cuenta todos los hallazgos clínicos y de laboratorio.

7.6.7.1 Corrección de la línea de base

Es posible que sea necesario corregir los ajustes de línea de base utilizados por el CFX Manager™ Dx software para pocillos individuales del ensayo [**Well Group** (grupo de pocillos)] que se están analizando.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) marque únicamente la casilla de verificación **FAM** para el canal de detección del JCV objetivo.
3. En la barra de menú de la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en **Settings** → **Baseline Threshold...** (ajustes → umbral de línea de base...) para abrir el cuadro de diálogo Baseline Threshold (umbral de línea de base) (consulte la figura 5).
4. Haga clic una vez en el símbolo \diamond en el encabezado de columna **Baseline End** (final de línea de base) para ordenar la tabla por valores ascendentes de **Baseline End** (final de línea de base).

5. Seleccione todas las líneas que muestren un valor de **Baseline End** (final de línea de base) de 1 a 9 (consulte la figura 5).

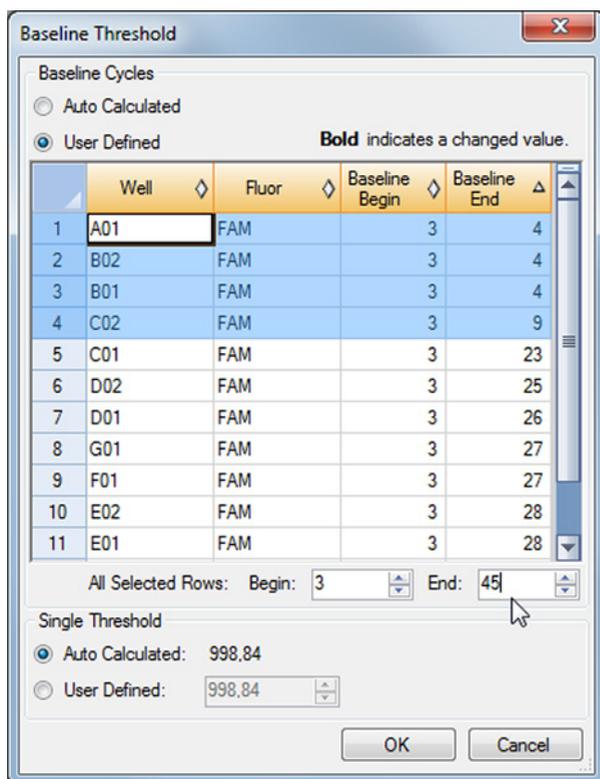


Figura 5: Cuadro de diálogo Baseline Threshold (umbral de línea de base)

6. Establezca el valor en el campo **End:** (final:) en 45 para las líneas seleccionadas (consulte la figura 5).
7. Confirme los ajustes haciendo clic en **OK** (aceptar).
8. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) quite la marca de la casilla de verificación **FAM** y marque únicamente la casilla **VIC** para el canal de detección de IC objetivo.
9. Repita los pasos del 3 al 7 para el canal de detección VIC™ (IC).

7.6.7.2 Exclusión de señales de PCR irregulares

Los resultados válidos solo pueden derivarse de señales de PCR que estén libres de artefactos de señales, que pueden ser provocados, por ejemplo, por impurezas o burbujas en la mezcla de PCR. El usuario debe excluir las señales de PCR que contengan artefactos de señales.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.

- Identifique pocillos con señales de PCR irregulares (aumento de señal lineal, picos de señal, etc.) en cualquiera de los canales de detección FAM™ (JCV objetivo) y VIC™ (IC) (consulte la figura 6).

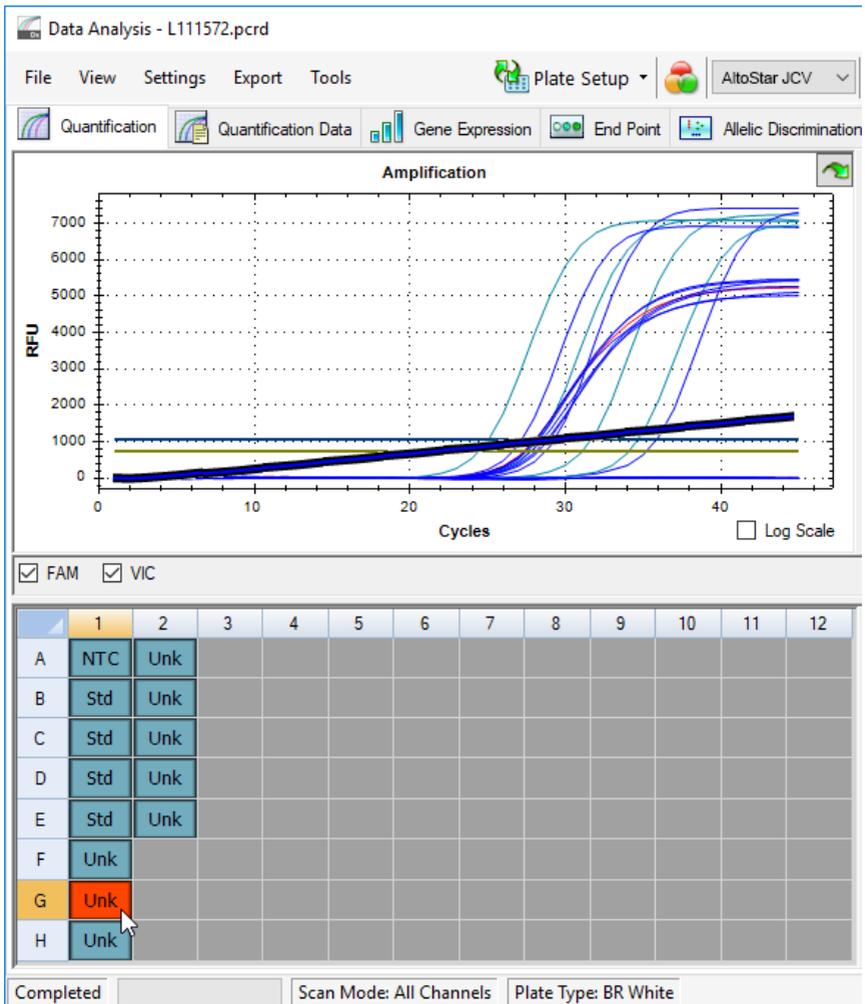


Figura 6: Ventana Data Analysis (análisis de datos): señal de PCR irregular

3. Haga clic en cada pocillo afectado con el botón derecho del ratón y seleccione **Well...** → **Exclude from Analysis** (pocillo... → excluir del análisis) (consulte la figura 7).

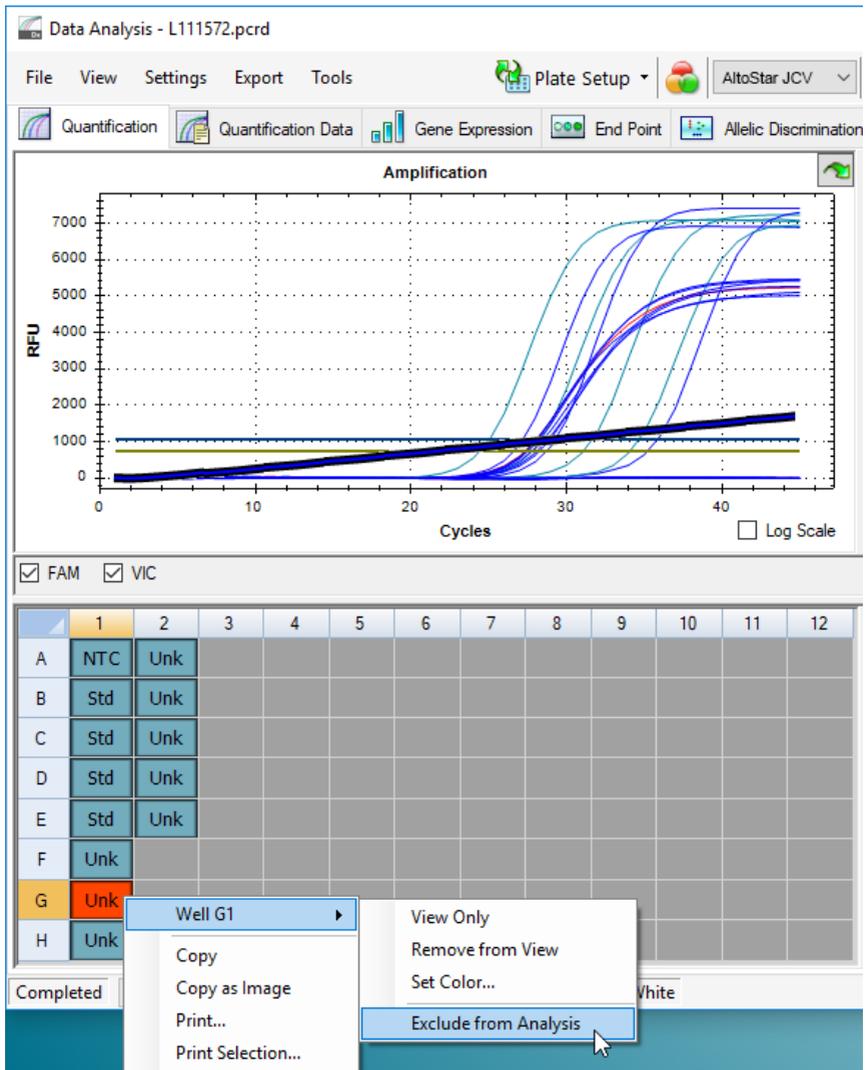


Figura 7: Ventana Data Analysis (análisis de datos): exclusión de un pocillo del análisis

4. El pocillo seleccionado se excluye del análisis. No se generarán resultados para este pocillo (consulte la figura 8).

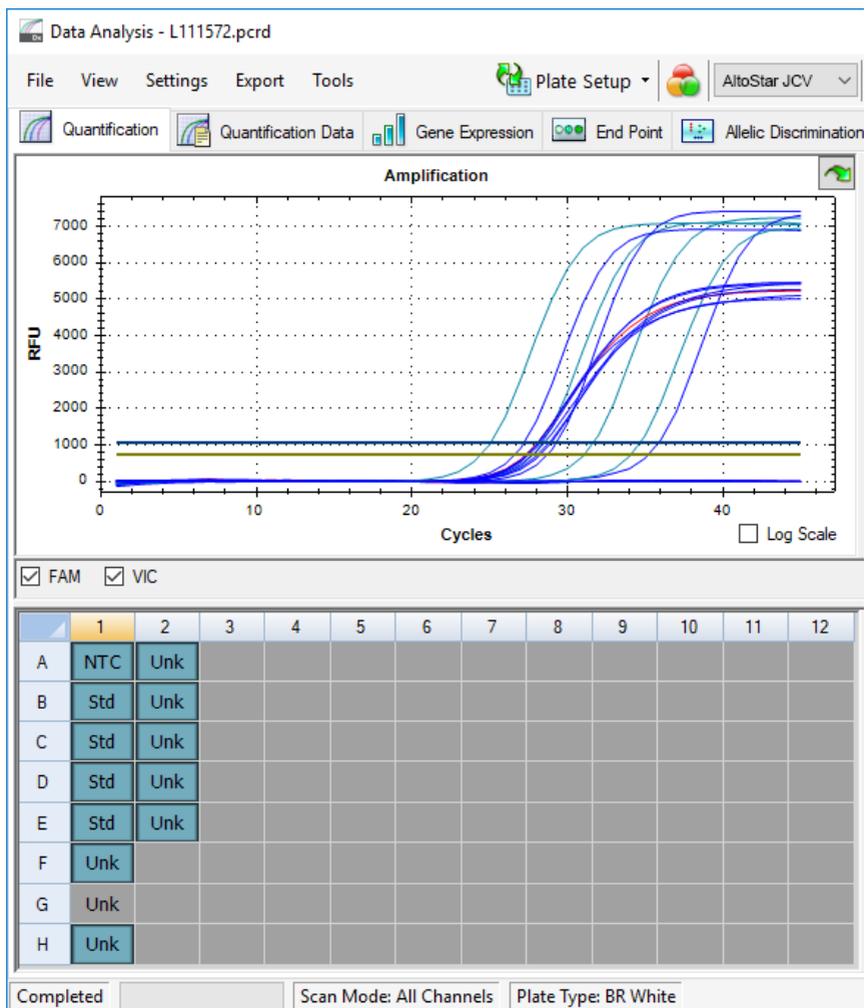


Figura 8: Ventana Data Analysis (análisis de datos): pocillo excluido

7.6.7.3 Ajuste de umbrales

Los umbrales para los canales de detección FAM™ (JCV objetivo) y VIC™ (IC) debe ajustarlos manualmente el usuario conforme a las señales de los controles.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.

2. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) marque únicamente la casilla de verificación **VIC** para el canal de detección del IC (consulte la figura 9).

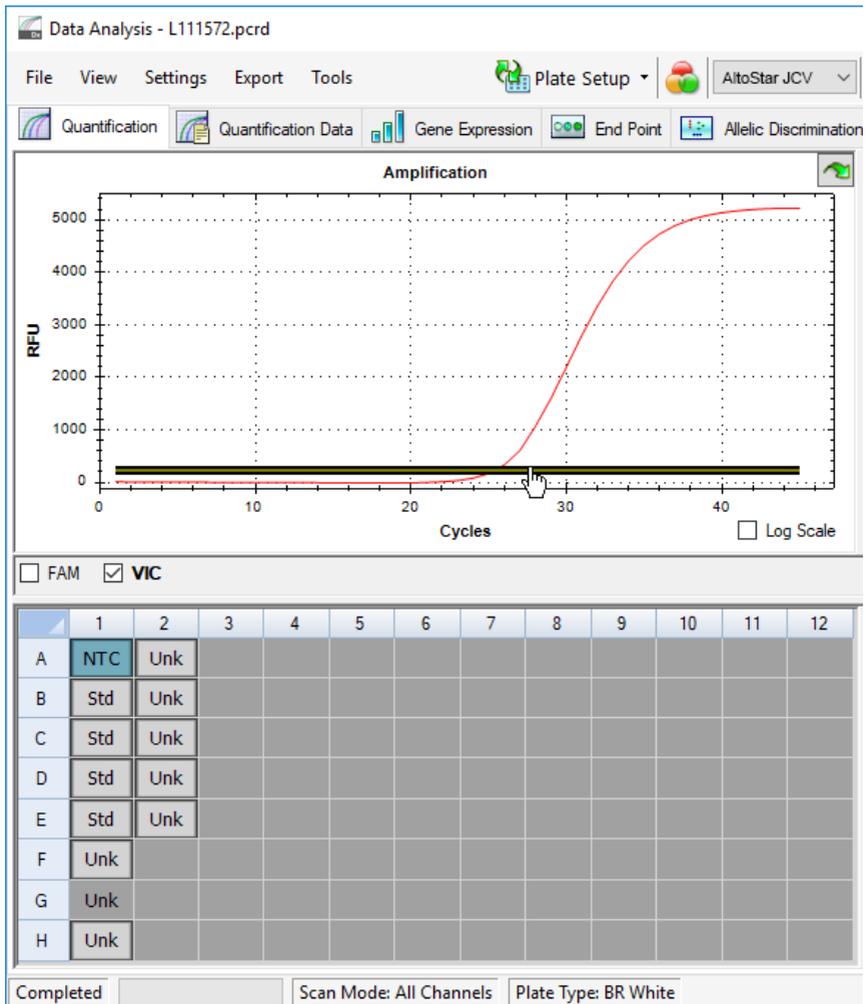


Figura 9: Ventana Data Analysis (análisis de datos): configuración del umbral VIC™

3. Seleccione únicamente el pocillo de NTC en la vista de placa de la ventana Data Analysis (análisis de datos) (consulte la figura 9).
4. Arrastre el umbral hasta el área exponencial de la señal de NTC (consulte la figura 9).

NOTA



El NTC contiene la plantilla del IC, que produce una señal de IC en un pocillo de NTC válido.

5. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos) quite la marca de la casilla de verificación **VIC** y marque la casilla **FAM** para el canal de detección de JCV objetivo (consulte la figura 10).

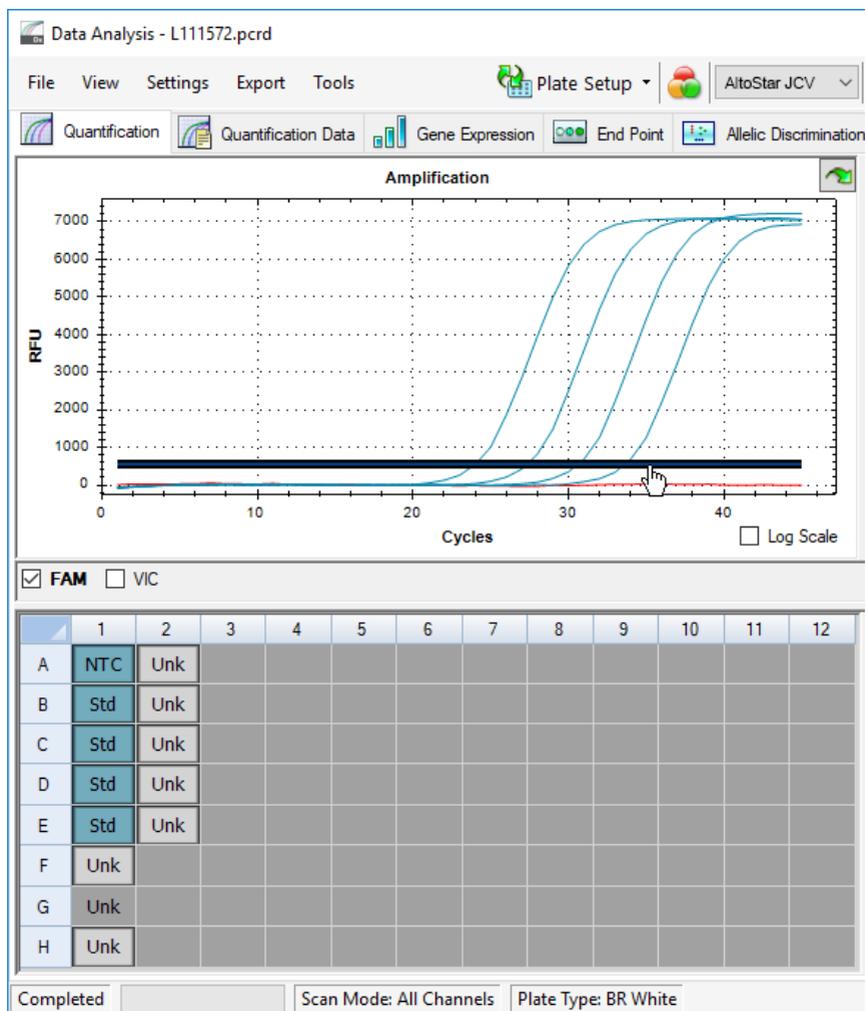


Figura 10: Ventana Data Analysis (análisis de datos): configuración del umbral FAM™

6. Seleccione únicamente los pocillos que contienen el NTC y el QS en la vista de placa de la ventana Data Analysis (análisis de datos) (consulte la figura 10).
7. Arrastre el pocillo de umbral por encima de la señal del NTC hacia el área exponencial de las señales de QS (consulte la figura 10).

7.6.8 Validez de los resultados de PCR

7.6.8.1 Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos

El usuario debe excluir los pocillos que no contienen datos válidos de la generación de resultados.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. Identifique todos los pocillos que contengan datos no válidos. Un pocillo no es válido si existe cualquiera de las condiciones siguientes:
 - a) La serie completa no es válida [consulte los capítulos 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cualitativa) y el capítulo 7.6.8.3 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cuantitativa)].
 - b) Los datos de pocillos no cumplen las condiciones de control para un resultado válido (consulte el capítulo 7.6.8.4 Validez de los resultados para una muestra).

- Haga clic en cada pocillo que contenga datos no válidos conforme a los capítulos que van desde el 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cualitativa) hasta el 7.6.8.4 Validez de los resultados para una muestra con el botón derecho del ratón y seleccione **Well... → Exclude from Analysis** (pocillo... → excluir del análisis) (consulte las figuras 11 y 12).

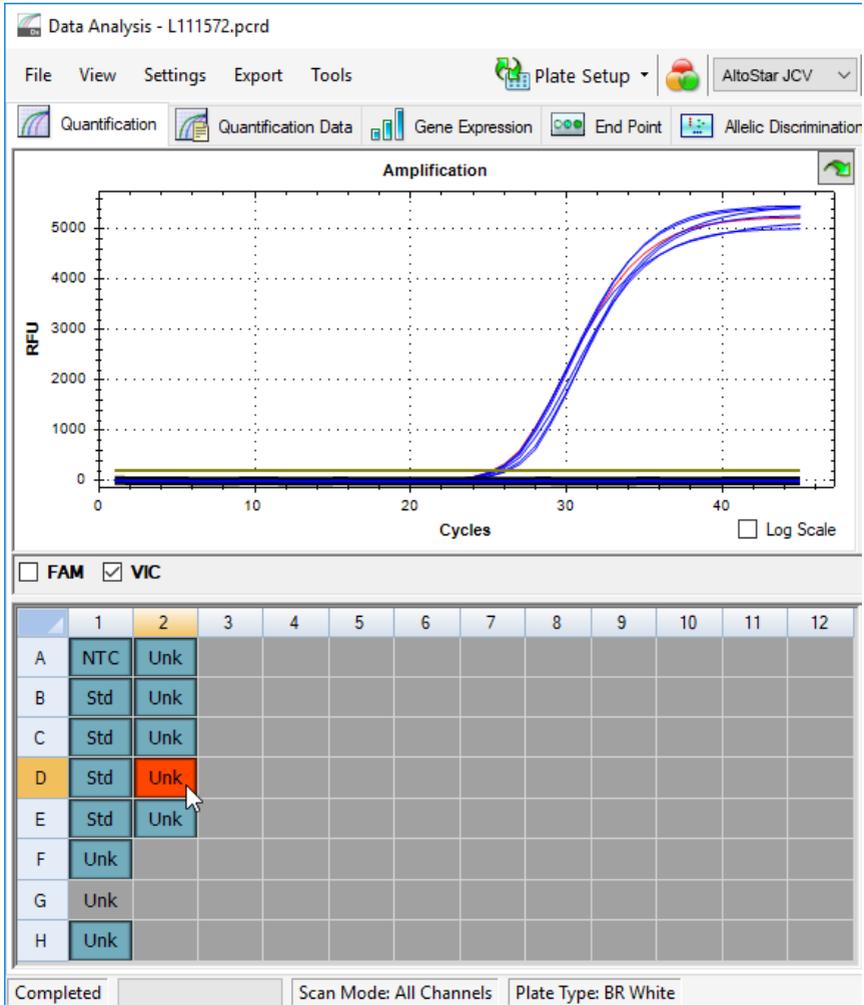


Figura 11: Ventana Data Analysis (análisis de datos): pocillo no válido

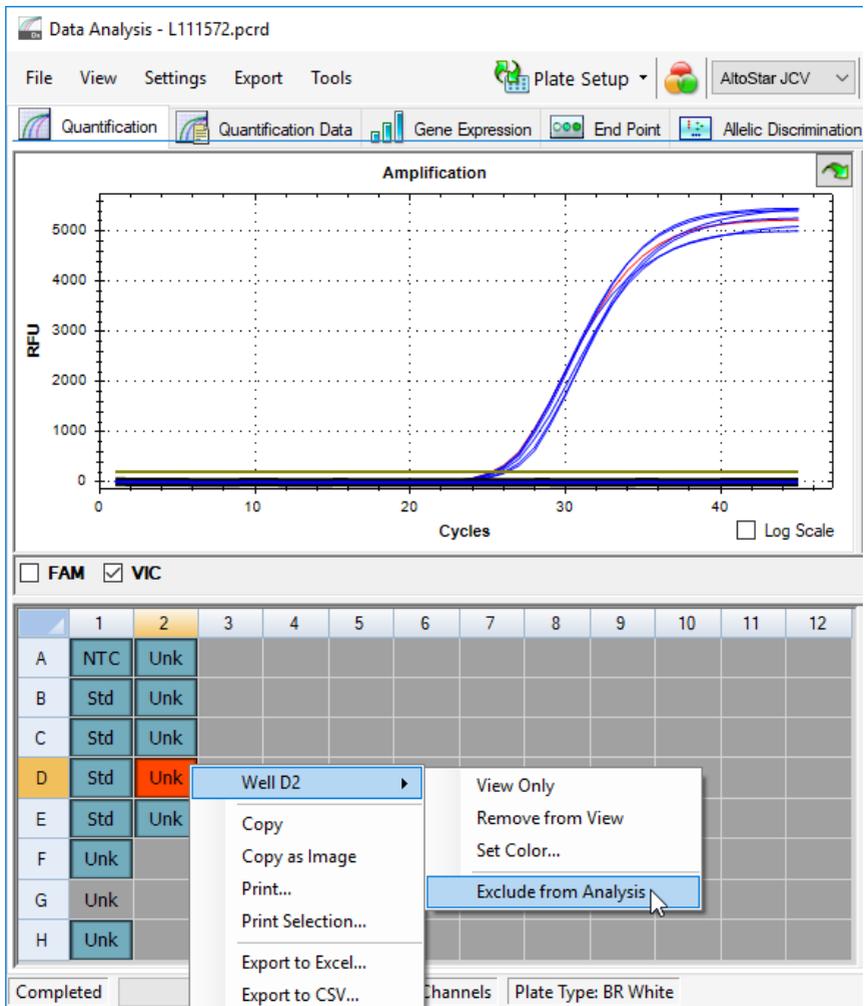


Figura 12: Ventana Data Analysis (análisis de datos): exclusión de un pocillo no válido del análisis

El pocillo seleccionado se excluye del análisis. No se generarán resultados para este pocillo.

7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cualitativa)

Una serie PCR de diagnóstico cualitativa es **válida** si se cumplen las siguientes condiciones de control:

Tabla 8: Condiciones de control para una serie PCR válida (cualitativa)

Control	Canal de detección	
	FAM™ (JCV objetivo)	VIC™ (IC)
QS	+	No aplicable
NTC	-	+

Una serie PCR de diagnóstico cualitativa **no es válida** si:

- No se ha completado la serie.
- No se cumple alguna de las condiciones de control para una serie PCR de diagnóstico cualitativa válida.

En caso de serie PCR de diagnóstico no válida, excluya todos los pocillos del análisis y repita la AltoStar® run (serie) empezando por las muestras originales.

7.6.8.3 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cuantitativa)

Una serie PCR de diagnóstico cuantitativa es **válida** si se cumplen las siguientes condiciones:

- Se cumplen todas las condiciones de control para una serie PCR de diagnóstico cualitativa válida [consulte el capítulo 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cualitativa)].
- La curva estándar generada alcanza el siguiente valor de parámetro de control:

Tabla 9: Parámetro de control de curva estándar

Parámetro de control	Valor válido
R al cuadrado (R ²)	≥0,98

El parámetro de control de curva estándar se muestra bajo el gráfico curva estándar en la ventana Data Analysis (análisis de datos) (consulte la figura 13).

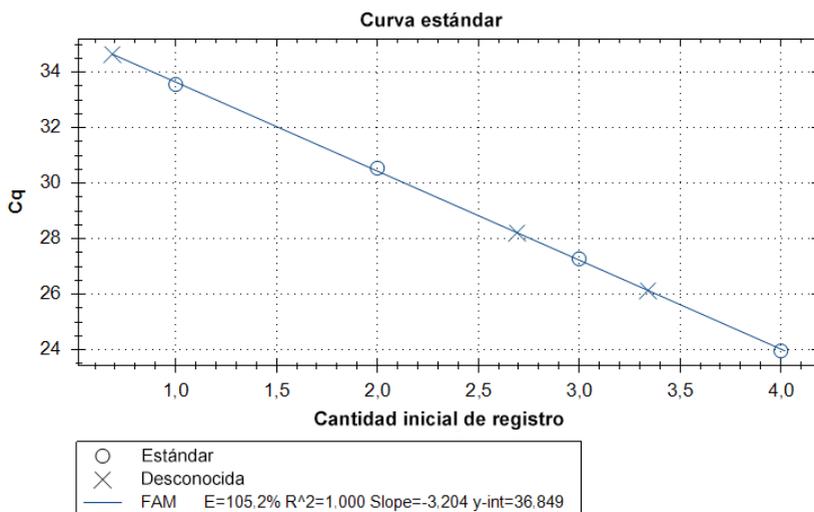


Figura 13: Datos de curva estándar

Una serie PCR de diagnóstico cuantitativa **no es válida** si:

- No se ha completado la serie.
- No se cumple alguna de las condiciones de control para una serie PCR de diagnóstico cuantitativa válida.

En caso de serie PCR de diagnóstico no válida, excluya todos los pocillos del análisis y repita la AltoStar® run (serie) empezando por las muestras originales.

7.6.8.4 Validez de los resultados para una muestra

El resultado de una muestra individual **no es válido** si las señales tanto del canal de detección VIC™ (IC) como del FAM™ (JCV objetivo) son negativas (consulte la tabla 10). En caso de resultado no válido para una muestra, excluya el pocillo del análisis y repita los tests desde la muestra original o recoja y pruebe una nueva muestra.

Tabla 10: Validez del resultado

Canal de detección		Validez del resultado
FAM™ (JCV objetivo)	VIC™ (IC)	
+	+	Resultado válido
+	-	Resultado válido*
-	+	Resultado válido
-	-	Resultado no válido

* La detección del IC no es necesaria cuando se detecta el JCV objetivo. Una elevada carga de ADN de JCV en la muestra puede generar una señal reducida o ausente del IC.

7.6.9 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados automatizada

Para que los resultados de la serie PCR estén disponibles para que un LIMS (por sus siglas en inglés) conectado para la interpretación de resultados automatizada, deben exportarse en forma de archivo de resultados de LIMS (.csv).

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. Asegúrese de que se hayan completado todos los pasos del proceso de análisis (consulte los capítulos que van del 7.6.7.1 Corrección de la línea de base hasta el 7.6.8.1 Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos) para el grupo de pocillos del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5.
3. En la barra de menú de la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en **Export** → **Export All Data Sheets** (exportar → exportar todas las hojas de datos) para abrir el cuadro de diálogo Browse For Folder (buscar carpeta).
4. En el cuadro de diálogo Browse For Folder (buscar carpeta), especifique la ubicación para los archivos de resultados de LIMS que se van a generar y haga clic en **OK** (aceptar).

NOTA

La integración de LIMS debe implementarse de conformidad con las especificaciones de Altona Diagnostics. Para obtener más información sobre la integración de LIMS, consulte el capítulo 16. Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS y/o contacte con el soporte técnico de Altona Diagnostics (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

NOTA

Si se guardan los resultados de más de un ensayo (grupo de pocillos) de una serie PCR en la misma carpeta, se sustituyen los archivos de resultados de LIMS del primer ensayo (grupo de pocillos) por los archivos de resultados de LIMS del segundo ensayo (grupo de pocillos). En este caso, los archivos de resultados de LIMS del primer ensayo (grupo de pocillos) pueden volver a exportarse.

7.6.10 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual

Si los resultados no se transfieren a un LIMS para la interpretación de resultados automatizada, la interpretación de resultados debe realizarla manualmente el usuario. Con ese fin, los resultados de análisis de cada ensayo (grupo de pocillos) deben exportarse en forma de informe.

1. En la ventana Data Analysis (análisis de datos), asegúrese de seleccionar el **Well Group** (grupo de pocillos) del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. Por tanto, haga clic en el menú desplegable **Well Group** (grupo de pocillos) junto al botón **Well Group** (grupo de pocillos) (consulte la figura 4) de la barra de herramientas.
2. En la parte izquierda de la ventana Data Analysis (análisis de datos), marque la casilla de verificación **VIC** y la casilla de verificación **FAM**.
3. Asegúrese de que se hayan completado todos los pasos del proceso de análisis (consulte los capítulos que van del 7.6.7.1 Corrección de la línea de base hasta el 7.6.8.1 Exclusión de pocillos que contengan datos no válidos) para el grupo de pocillos del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5.

- En la barra de menú de la ventana Data Analysis (análisis de datos), haga clic en **Tools** → **Reports...** (herramientas → informes...) para abrir el cuadro de diálogo Report (informe).
- Asegúrese de que se seleccione al menos el siguiente contenido para la generación de informes en la parte superior izquierda del cuadro de diálogo Report (informe) (consulte la figura 14):

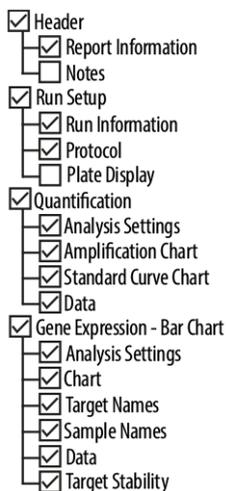


Figura 14: Cuadro de diálogo Report (informe)

- Seleccione o anule la selección del contenido adicional del informe marcando las casillas de verificación respectivas como proceda.
- En la barra de menú del cuadro de diálogo Report (informe), haga clic en **File** → **Save As...** (archivo → guardar como...) para abrir el cuadro de diálogo Save Report (guardar informe).
- En el cuadro de diálogo Save Report (guardar informe), especifique el nombre y la ubicación para el archivo de informe que se va a generar y haga clic en **Save** (guardar).

7.6.10.1 Interpretación manual de los resultados

1. Abra el archivo de informe generado para el grupo de pocillos del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 (consulte el capítulo 7.6.10 Exportación de resultados de PCR para la interpretación de resultados manual).
2. Consulte la tabla Quantification Data (datos de cuantificación) en el informe (consulte la figura 15). La tabla se compone de 2 filas para cada **Sample** (muestra): una para el **JCV Target** (objetivo) y otra para el **Internal Control** (control interno) **Target** (objetivo).

Quantification Data

Well	Floor	Target	Content	Sample	Biological Set Name	Cq	Cq Mean	Cq Std. Dev	Starting Quantity (SQ)	Log Starting Quantity	SQ Mean	SQ Std. Dev	Well Note
A01	FAM	JCV	NTC	NTC 108208051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	
A02	FAM	JCV	Unkn	Sample 4 00000004	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
B01	FAM	JCV	Std	JCV QS1 108038051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	23.97	23.97	0.000	1.000E+04	4.000	1.00E+04	0.00E+00	
B02	FAM	JCV	Unkn	Sample 5 00000005	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	34.65	34.65	0.000	4.855E+00	0.686	4.85E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
C01	FAM	JCV	Std	JCV QS2 108048051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	27.28	27.28	0.000	1.000E+03	3.000	1.00E+03	0.00E+00	
C02	FAM	JCV	Unkn	Sample 6 00000006	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
D01	FAM	JCV	Std	JCV QS3 108058051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	30.54	30.54	0.000	1.000E+02	2.000	1.00E+02	0.00E+00	
E01	FAM	JCV	Std	JCV QS4 108068051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	33.56	33.56	0.000	1.000E+01	1.000	1.00E+01	0.00E+00	
E02	FAM	JCV	Unkn	Sample 8 00000008	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	28.22	28.22	0.000	4.924E+02	2.692	4.92E+02	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
F01	FAM	JCV	Unkn	Sample 1 00000001	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	26.14	26.14	0.000	2.195E+03	3.341	2.20E+03	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
H01	FAM	JCV	Unkn	Sample 3 00000003	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	N/A	0.00	0.000	N/A	N/A	0.00E+00	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
A01	VIC	Internal Control	NTC	NTC 108208051910	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.27	25.27	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	
A02	VIC	Internal Control	Unkn	Sample 4 00000004	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	26.08	26.08	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
B02	VIC	Internal Control	Unkn	Sample 5 00000005	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.46	25.46	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
C02	VIC	Internal Control	Unkn	Sample 6 00000006	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.33	25.33	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
E02	VIC	Internal Control	Unkn	Sample 8 00000008	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	26.25	26.25	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
F01	VIC	Internal Control	Unkn	Sample 1 00000001	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.45	25.45	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml
H01	VIC	Internal Control	Unkn	Sample 3 00000003	AltoStar JCV PCR Kit 1.5	25.70	25.70	0.000	N/A	N/A	N/A	0.00E+00	Concentration factor: 160.00 IU/ml

Figura 15: Informe: Quantification Data (datos de cuantificación)

Los resultados cualitativos se marcan con el término *qualitative* (cualitativo) en la columna **Well Note** (nota del pocillo) de la tabla Quantification Data (datos de cuantificación).

3. Identifique cada fila con el **JCV Target** (objetivo) y el término *qualitative* (cualitativo) en la columna **Well Note** (nota del pocillo).
4. En estas filas, consulte la columna **C_q** para el resultado de la respectiva **Sample** (muestra).
5. Consulte la tabla 11 para ver la interpretación de los resultados cualitativos.

Tabla 11: Resultados cualitativos: interpretación del resultado

Ciclo de umbral (C_q) del JCV objetivo	Interpretación del resultado
1-45	Se ha detectado ADN específico de JCV.
N/A	No se ha detectado ADN específico de JCV. La muestra no contiene cantidades detectables de ADN específico de JCV.

Los resultados cuantitativos se marcan con un *Concentration factor* (factor de concentración) en la columna **Well Note** (nota del pocillo) de la tabla Quantification Data (datos de cuantificación) (consulte la figura 15).

- Identifique cada fila con el **JCV Target** (objetivo) y un *Concentration factor* (factor de concentración) en la columna **Well Note** (nota del pocillo).
- En estas filas, consulte la columna **Starting Quantity (SQ)** (cantidad inicial) para la concentración del JCV objetivo medido en el eluido de la **Sample** (muestra) respectiva. Para calcular el resultado de la muestra del paciente original, el usuario debe multiplicar el valor de **Starting Quantity (SQ)** (cantidad inicial) por el *Concentration factor* (factor de concentración) respectivo (incluida la unidad).
- Consulte la tabla 12 para ver la interpretación de los resultados cuantitativos.

Tabla 12: Resultados cuantitativos: interpretación del resultado

Starting Quantity (SQ) (cantidad inicial) del JCV objetivo	Interpretación del resultado
>0	Se ha detectado ADN específico de JCV. Multiplique el valor de la Starting Quantity (SQ) (cantidad inicial) por el <i>Concentration factor</i> (factor de concentración) en la columna Well Note (nota del pocillo) (incluida la unidad) para calcular la concentración de la muestra original del paciente.
N/A	No se ha detectado ADN específico de JCV. La muestra no contiene cantidades detectables de ADN específico de JCV.

8. Uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con otros instrumentos PCR en tiempo real que no sean el CFX96™ Deep Well Dx System

Además del CFX96™ DW Dx, el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se ha validado con otros instrumentos de PCR en tiempo real (consulte el capítulo 5.3.2.2 Instrumentos de PCR en tiempo real). Los siguientes capítulos 8.1 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados y 8.2 Procedimiento describen cómo usar el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con estos instrumentos.

8.1 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados

Se requieren los siguientes instrumentos y materiales:

- Materiales y dispositivos generales (consulte el capítulo 7.5 Material y dispositivos generales)
- CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad)
 - PCR plates (placas PCR) de 96 pocillos y lámina sellante (para obtener más información, consulte la tabla 3)
- CFX96™ Dx System (Bio-Rad)
 - PCR plates (placas PCR) de 96 pocillos y lámina sellante (para obtener más información, consulte la tabla 3)
- Rotor-Gene® Q5/6 plex Platform (QIAGEN)
 - Tiras de tubos y tapas de 0,1 ml [STRIP Tubes 0.1 ml for Rotor-Gene® cyclers (LTF Labortechnik) o equivalente]
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System y ABI Prism® 7500 SDS (Applied Biosystems)
 - PCR plates (placas PCR) de 96 pocillos y lámina sellante [MicroAmp™ Optical 96-Well Reaction Plate and MicroAmp™ Optical Adhesive Film (Applied Biosystems) o equivalente]

- LightCycler® 480 Instrument II (Roche)
 - PCR plate (placa PCR) de 96 pocillos y lámina sellante [LightCycler® 480 Multiwell Plate 96, blanco y LightCycler® 480 Sealing Foil (Roche) o equivalente]

NOTA



No se recomienda usar otros materiales o dispositivos distintos de los especificados en estas instrucciones de uso.

8.2 Procedimiento

8.2.1 Preparación de las muestras

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se validó utilizando el AltoStar® AM16 en combinación con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5.

También pueden resultar adecuados sistemas alternativos de extracción de ácido nucleico. La idoneidad del procedimiento de extracción de ácido nucleico para su uso con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 debe validarla el usuario.

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 debe usarse con un IC heterólogo [AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)], que sirve para controlar el procedimiento de preparación de las muestras (extracción de ácido nucleico) y la posterior PCR.

- Si se usan otros métodos para la extracción de ácido nucleico distintos del AltoStar® AM16 en combinación con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5, el IC se debe añadir durante el paso de lisis del procedimiento de extracción de ácido nucleico.
- El IC debe añadirse siempre a la mezcla de muestra o tampón de lisis.
- El volumen del IC que debe añadirse dependerá siempre y únicamente del volumen de la elución. Representa el 50 % del volumen de la elución. Por ejemplo, si se va a eluir el ácido nucleico en 60 µl de tampón de elución o agua, deberán añadirse 30 µl de IC por muestra a la mezcla de muestra o tampón de lisis.

PRECAUCIÓN

El almacenamiento de eluidos en condiciones incorrectas puede provocar la degradación de la secuencia objetivo de JCV y podría afectar al rendimiento del producto.

8.2.2 Configuración de master mix

Todos los componentes del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 y las muestras deben descongelarse del todo, mezclarse (pipeteando o aplicando un vortex suave) y centrifugarse brevemente antes de su uso. Configure la master mix conforme al siguiente esquema de pipeteo:

Tabla 13: Esquema de pipeteo (configuración de master mix)

Número de reacciones (rxns)	1	12
Master A	5 µl	60 µl
Master B	15 µl	180 µl
Volumen de master mix	20 µl	240 µl

PRECAUCIÓN

No use volúmenes de Master A y Master B para la configuración de master mix distintos de los especificados en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN

La ausencia de centrifugación de los componentes del producto tras la descongelación podría provocar la contaminación con restos de reactivos en las tapas y podría afectar al rendimiento del producto.

8.2.3 Configuración de reacción

1. Pipetee 20 µl de la master mix en cada pocillo necesario de una PCR plate (placa PCR) óptica de 96 pocillos o un tubo de reacción óptica adecuado.
2. Añada 10 µl de la muestra (eluido de la extracción de ácido nucleico) o 10 µl de los controles (QS1-4 o NTC).

Tabla 14: Esquema de pipeteo (configuración de reacción)

Configuración de reacción	
Master mix	20 µl
Muestra o control	10 µl
Volumen total	30 µl

3. Asegúrese de que se usa QS1-4 y 1 NTC para el análisis cuantitativo. Para el análisis cualitativo, asegúrese de que se utiliza al menos QS4 y 1 NTC.
4. Mezcle a fondo las muestras y los controles con la master mix pipeteando hacia arriba y hacia abajo.
5. Cierre la PCR plate (placa PCR) de 96 pocillos con una PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR) y los tubos de reacción con las tapas apropiadas (consulte el capítulo 8.1 Material y dispositivos necesarios pero no proporcionados).
6. Centrifugue la PCR plate (placa PCR) de 96 pocillos en una centrífuga con un rotor de placa de microtítulos durante 30 segundos a aproximadamente 1000 x g (~3000 rpm).

Tras completarse la configuración de PCR, la mezcla de PCR es estable a temperatura ambiente (máx. +30 °C) durante 30 minutos.

PRECAUCIÓN



No supere el tiempo de almacenamiento de la mezcla de PCR, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

PRECAUCIÓN

No mezcle muestras ni ID de muestras durante la configuración de PCR o la transferencia al instrumento PCR. Esto podría provocar resultados con falsos positivos o falsos negativos debido a una asignación de muestras incorrecta.

8.2.4 Serie PCR

8.2.4.1 Programación del instrumento de PCR en tiempo real

Para ver información básica en relación con la configuración y la programación de los diferentes instrumentos de PCR en tiempo real, consulte las instrucciones de uso del instrumento en cuestión.

Para ver instrucciones de programación detalladas sobre el uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 en instrumentos específicos de PCR en tiempo real, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics (ver capítulo 12. Soporte técnico).

8.2.4.2 Configuración de la serie

Defina la siguiente configuración básica:

Tabla 15: Configuración de la serie

Configuración	
Volumen de reacción	30 µl
Índice de aumento	Predeterminado
Referencia pasiva*	ROX™

* Si procede

Defina los siguientes detectores de fluorescencia (colorantes):

Tabla 16: Detectores de fluorescencia

Objetivo	Nombre del detector	Marcador	Amortiguador de la fluorescencia
JCV	JCV	FAM™	(Ninguno)
Internal control (control interno)	Internal Control	JOE™	(Ninguno)

Defina el siguiente perfil de temperatura y la detección de fluorescencia:

Tabla 17: Perfil de temperatura y detección de fluorescencia

	Fase	Repeti- ciones de ciclo	Obtención	Temperatura [°C]	Tiempo [min:s]
Desnaturalización	Retención	1	-	95	2:00
Amplificación	Ciclo	45	-	95	0:15
			Sí	58	0:45
			-	72	0:15

PRECAUCIÓN



No use otras condiciones de ciclo distintas de las especificadas en estas instrucciones de uso, ya que esto podría afectar al rendimiento del producto.

8.2.5 Análisis de datos

Para ver información básica en relación con el análisis de datos en instrumentos específicos de PCR en tiempo real, consulte las instrucciones de uso del instrumento en cuestión.

Para ver instrucciones detalladas sobre el análisis de los datos generados con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 en diferentes instrumentos específicos de PCR en tiempo real, póngase en contacto el soporte técnico de alta Diagnostics (ver capítulo 12. Soporte técnico).

Los criterios para la validez de las series PCR de diagnóstico y la interpretación de los resultados, independientemente del instrumento PCR en tiempo real, se describen en los capítulos 7.6.8.2 Validez de una serie PCR de diagnóstico (cualitativa) hasta 7.6.8.4 Validez de los resultados para una muestra, capítulo 7.6.10.1 Interpretación manual de los resultados y las tablas 11 y 12.

NOTA

La concentración de la «muestra» se muestra en UI/μl y hace referencia a la concentración en el eluido.

Para determinar la **carga viral de la muestra original**, hay que aplicar la fórmula siguiente:

$$\text{Carga viral (muestra) [UI/ml]} = \frac{\text{Volumen (eluido) [\mu l]} \cdot \text{Carga viral (eluido) [UI/\mu l]}}{\text{Entrada de muestra [ml]}}$$

PRECAUCIÓN

No use otra configuración de control para el análisis de datos que no sea la especificada en estas instrucciones de uso, ya que esto podría provocar unos resultados de examen IVD incorrectos.

PRECAUCIÓN

Como con cualquier test diagnóstico, los resultados se interpretarán teniendo en cuenta todos los hallazgos clínicos y de laboratorio.

9. Datos de rendimiento

El rendimiento del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se evaluó utilizando el estándar internacional de la OMS «1st WHO International Standard for JC virus for Nucleic Acid Amplification Techniques (NIBSC code: 14/114)» y material estándar de JCV calibrado con el estándar internacional de la OMS.

9.1 Plasma

9.1.1 Sensibilidad analítica

Para la determinación del límite de detección (LoD), se generó una serie de dilución del estándar internacional de la OMS «1st WHO International Standard for JC virus for Nucleic Acid Amplification Techniques (NIBSC code: 14/114)» en plasma de 1,00E+02 a 5,00E-01 UI/ml.

Cada dilución se probó en 8 réplicas en 3 series diferentes (total n = 24 por dilución) usando combinaciones de:

- 3 lotes del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5
- 3 lotes del kit AltoStar® Purification Kit 1.5
- 3 lotes del AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)
- 3 instrumentos AltoStar® AM16
- 3 instrumentos CFX96™ DW Dx

Los datos de todas las series se combinaron y se realizó un análisis de probit para determinar el valor de LoD del 95 %.

Tabla 18: Resultados de PCR utilizados para calcular la sensibilidad analítica del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

Concentración [UI/ml]	N [total]	N [positivo]	Índice de éxito [%]
1,00E+02	24	24	100
5,00E+01	24	24	100
2,50E+01	24	24	100
1,00E+01	24	24	100
5,00E+00	24	23	96
2,50E+00	24	22	92
1,75E+00	24	21	88
1,00E+00	24	11	46
5,00E-01	24	8	33

El LoD del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 para la detección de JCV en plasma es de 3,6 UI/ml (intervalo de confianza del 95 %: 2,5-6,6 UI/ml).

9.1.2 Especificidad analítica

La especificidad analítica del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se garantiza mediante la selección exhaustiva de los oligonucleótidos (cebadores y sondas). Los oligonucleótidos se comprobaron mediante un análisis de comparación con secuencias disponibles públicamente para asegurar que se detectarán todos los genotipos relevantes de JCV.

Para la verificación de la especificidad analítica del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5, se realizaron los siguientes experimentos (consulte los capítulos desde el 9.1.2.1 Muestras negativas hasta el 9.1.2.3 Reactividad cruzada).

9.1.2.1 Muestras negativas

Se analizaron 33 muestras de plasma negativas del JCV de donantes individuales con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5. 32 de 33 muestras dieron negativo en ADN específico de JCV. Todas las muestras (33 de 33) dieron positivo para el IC. La especificidad analítica del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 para muestras de plasma es de ≥ 95 %.

9.1.2.2 Sustancias interferentes

Para evaluar la influencia de sustancias endógenas y exógenas potencialmente interferentes en el rendimiento del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5, se añadieron las sustancias seleccionadas a las muestras de plasma. Estas muestras de plasma contenían JCV en una concentración de 3 x LoD (1,08E+01 UI/ml), 1,00E+04 UI/ml y sin JCV, respectivamente.

Los resultados obtenidos para las muestras que contenían sustancias potencialmente interferentes se compararon con los resultados generados para muestras de plasma que no se enriquecieron con interferentes. Cada muestra se procesó en 3 réplicas.

No se observó interferencia para las muestras que contenían niveles elevados de:

- Sustancias endógenas
 - Bilirrubina
 - Hemoglobina
 - ADN genómico humano
 - Albúmina de suero humano
 - Triglicéridos

- Sustancias exógenas
 - Azatioprina
 - Ciclosporina
 - Foscarnet
 - Ganciclovir

PRECAUCIÓN



La presencia de inhibidores de PCR (p. ej., heparina) podría provocar falsos negativos o resultados no válidos.

9.1.2.3 Reactividad cruzada

Se evaluó la especificidad analítica del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con respecto a la reactividad cruzada con otros patógenos distintos de JCV mediante análisis:

- Virus relacionados con JCV
- Virus que provocan síntomas similares a una infección por JCV
- Virus que es probable que estén presentes en pacientes que padecen una infección por JCV

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 no mostró reacciones cruzadas con ninguno de los siguientes patógenos:

- Adenovirus (ADV)
- Virus BK (BKV)
- Citomegalovirus (CMV)
- Virus de Epstein-Barr (EBV)
- Virus de la hepatitis A (HAV)
- Virus de la hepatitis B (HBV)
- Virus de la hepatitis C (HCV)
- Virus del herpes simple 1 (HSV-1)
- Virus del herpes simple 2 (HSV-2)
- Herpesvirus 6A humano (HHV-6A)
- Herpesvirus 6B humano (HHV-6B)
- Virus 1 de la inmunodeficiencia humana (HIV-1)
- Parvovirus B19
- Virus varicela-zóster (VZV)

PRECAUCIÓN



Si la muestra contiene otros patógenos distintos de JCV, puede darse competencia con la amplificación objetivo o reactividades cruzadas, lo que provocaría unos resultados de examen IVD incorrectos.

9.1.3 Rango lineal

Para la determinación del rango lineal del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5, se probó una serie de dilución de JCV en plasma de entre 1,00E+08 y 1,00E+02 UI/ml:

- Se analizaron diluciones con una concentración de entre 1,00E+08 y 1,00E+06 UI/ml en 4 réplicas.
- Se analizaron diluciones con una concentración de entre 1,00E+05 y 1,00E+02 UI/ml en 8 réplicas.

El análisis se realizó basándose en una regresión polinómica.

El rango lineal del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 para la cuantificación de JCV en plasma es de entre 1,00E+02 y 1,00E+08 UI/ml. Se muestra una representación gráfica de los datos en la figura 16.

Concentración estimada log₁₀ frente a concentración nominal log₁₀ del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

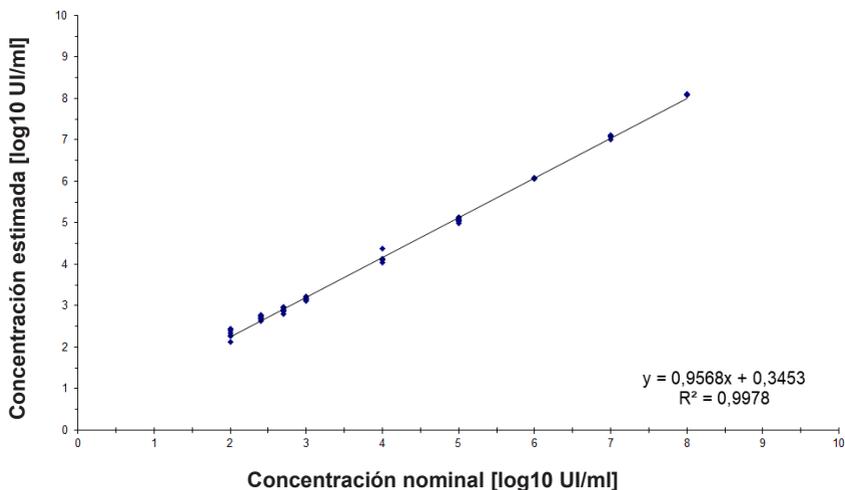


Figura 16: Análisis de regresión lineal del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 con muestras de plasma

9.1.4 Precisión

Se evaluó la precisión del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 usando un panel compuesto por:

- 1 muestra de plasma de JCV de carga viral alta (1,00E+04 UI/ml)
- 1 muestra de plasma de JCV de carga viral baja [5,00E+02 UI/ml (5 x límite de cuantificación inferior (LLoQ))]
- 1 muestra de plasma negativa para JCV

Cada miembro del panel se probó en al menos 4 réplicas por serie.

Se ejecutaron 5 series en 5 días diferentes usando combinaciones de:

- 3 lotes del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5
- 3 lotes del kit AltoStar® Purification Kit 1.5
- 3 lotes del AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno)
- 3 instrumentos AltoStar® AM16
- 3 instrumentos CFX96™ DW Dx

Se determinó la repetibilidad (variabilidad intraserie), la variabilidad interlote y la reproducibilidad (variabilidad total) en función de:

- Valores de cuantificación de muestras positivas para el JCV con carga viral alta y baja (consulte la tabla 19)
- Valores de ciclo de umbral (C_q^*) del IC en las muestras negativas para el JCV (consulte la tabla 20)

* Tenga en cuenta que el término elegido C_q es equivalente a la designación de C_t , la cual podría ser usada por otros cicladores distintos del CFX96™ Deep Well Dx System (Bio-Rad).

Tabla 19: Datos de precisión (basados en los resultados en log10 y expresados en CV %) para muestras de plasma positivas para el JCV con carga viral alta y baja

	Muestra de JCV de carga viral alta (1,00E+04 UI/ml)	Muestra de JCV de carga viral baja (5,00E+02 UI/ml)
Variabilidad intraserie	0,64-1,42	1,51-4,69
Variabilidad interlote	1,09	3,89
Variabilidad total	1,12	4,02

Tabla 20: Datos de precisión (valores C_q expresados en CV %) del IC en las muestras de plasma negativas para el JCV

	IC
Variabilidad intraserie	0,18-0,41
Variabilidad interlote	0,47
Variabilidad total	0,63

9.1.5 Índice de fallo total

Se evaluó la robustez del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 probando 30 muestras de plasma negativas para el JCV de donantes individuales enriquecidas con JCV hasta una concentración final de 3 x LoD (1,08+01 UI/ml). Todas las muestras (30 de 30) analizadas dieron positivo en el canal de detección de fluorescencia específico de JCV (FAM™).

9.1.6 Arrastre

La contaminación por arrastre es un riesgo que depende del flujo de trabajo y no del ensayo PCR que se utilice. Para el AltoStar® Workflow (flujo de trabajo), se utilizó el kit AltoStar® Parvovirus B19 PCR Kit 1.5 como modelo de ejemplo. Se evaluó la posible contaminación cruzada por arrastre de muestras de carga viral alta analizando muestras alternativas de parvovirus B19 de carga viral alta (1,00E+07 UI/ml) y muestras negativas (n = 44 cada una por serie, 2 series) con el kit AltoStar® Parvovirus B19 PCR Kit 1.5. No se observó arrastre, es decir, todas las muestras negativas para el parvovirus B19 dieron negativo.

9.1.7 Rendimiento clínico

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se evaluó en un estudio comparativo con el kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay, con marcado CE. Retrospectivamente, se analizaron 61 muestras de plasma en paralelo:

El kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay se usó en combinación con el VERSANT® kPCR Molecular System (Siemens).

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se utilizó en combinación con el kit AltoStar® Purification Kit 1.5 y el AltoStar® Internal Control 1.5 (control interno) en el AltoStar® AM16 y el CFX96™ DW Dx.

Para el análisis cualitativo, se han excluido todas las muestras con un resultado no válido para uno o ambos ensayos, así como todas las muestras con un resultado cuantitativo por debajo del LoD de uno o ambos ensayos.

Los resultados para las 55 muestras restantes figuran en la tabla 21.

Tabla 21: Resultados de la evaluación de la sensibilidad y la especificidad del diagnóstico para JCV en muestras de plasma

		kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay	
		POSITIVO	NEGATIVO
AltoStar® JCV PCR Kit 1.5	POSITIVO	33	0
	NEGATIVO	1	21

La sensibilidad y la especificidad del diagnóstico del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 comparadas con el kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay fueron del 97 % y 100 %, respectivamente.

Para la correlación cuantitativa, se han excluido las muestras que dieron negativo en uno o ambos ensayos y las muestras con un resultado cuantitativo por debajo del LLoQ de uno o ambos ensayos.

Se utilizaron las 26 muestras restantes para la correlación cuantitativa mediante análisis de regresión lineal (consulte la figura 17).

kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay (Siemens) frente al kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

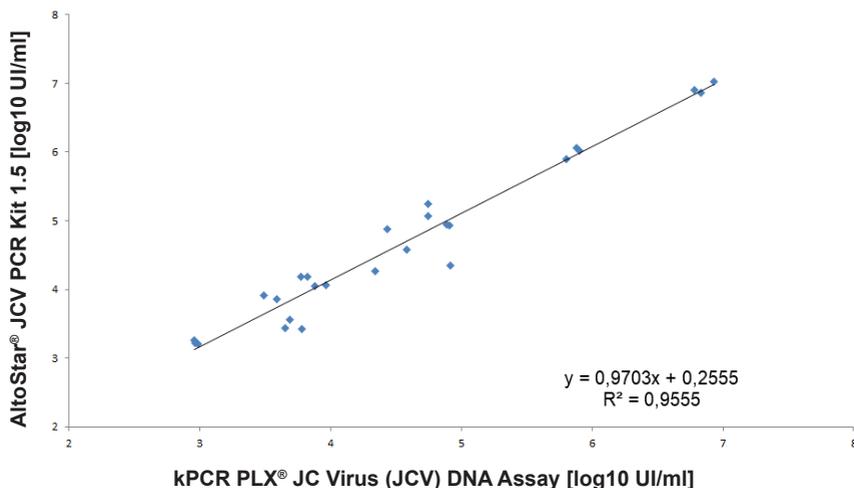


Figura 17: Análisis de regresión lineal de los resultados obtenidos con el kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay (referencia) y el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

Se muestra una muy buena correlación entre los resultados cuantitativos obtenidos con el kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 y el kPCR PLX® JC Virus (JCV) DNA Assay [coeficiente de correlación $R = 0,98$ ($R^2 = 0,96$)].

10. Eliminación

Elimine los desechos peligrosos y biológicos conforme a las regulaciones locales y nacionales. No debe permitirse que los componentes sobrantes de producto ni los desechos lleguen al alcantarillado, a cursos de agua o al suelo exterior.

PRECAUCIÓN



Trate siempre las muestras como si fuera material infeccioso y (bio)peligroso conforme a los procedimientos de seguridad y de laboratorio. Si se derrama material de las muestras, utilice rápidamente un desinfectante adecuado. Manipule los materiales contaminados como si fueran biopeligrosos.

PRECAUCIÓN



La eliminación de los residuos peligrosos y biológicos deberá cumplir las normativas locales y nacionales para evitar la contaminación medioambiental.

NOTA



La PCR plate (placa PCR) debe eliminarse sellada, ya que no se puede retirar la PCR Plate Sealing Foil (lámina sellante para placas PCR).

11. Control de calidad

De acuerdo con el sistema de control de calidad con certificación EN ISO 13485 de Altona Diagnostics GmbH, cada lote del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 se somete a tests con especificaciones predeterminadas para asegurar una calidad del producto uniforme.

12. Soporte técnico

Si necesita asistencia, póngase en contacto con el soporte técnico de Altona Diagnostics:

email: support@altona-diagnostics.com

teléfono: +49-(0)40-5480676-0

NOTA



Cualquier incidente grave que se haya producido en relación con este producto, se notificará a Altona Diagnostics y a la autoridad competente del país.

13. Bibliografía

- [1] Wojciech Kozdrun: Polyomaviruses; chap. 81; Molecular Detection of Animal Viral Pathogens 2016.
- [2] Bofill-Mas et al.: Potential Transmission of Human Polyomaviruses through the Gastrointestinal Tract after Exposure to Virions or Viral DNA; Journal of Virology 2001.
- [3] Barbanti-Brodano et al.: BK Virus, JC Virus and Simian Virus 40 Infection in Humans, and Association with Human Tumors; Madame Curie Bioscience Database.
- [4] Sheila Govind, Jason Hockley, Clare Morris y el Collaborative Study Group. Collaborative Study to establish the 1st WHO International Standard for JCV DNA for nucleic acid amplification technique (NAT)-based assays. WHO ECBS Report 2015; WHO/BS/2015.2259.

14. Marcas comerciales y aviso legal

4s3™ (4titude); AltoStar®, (altona Diagnostics); ABI Prism®, QuantStudio™ (Applied Biosystems); CFX96™, CFX Manager™ (Bio-Rad); Rotor-Gene® (QIAGEN); LOINC® (Regenstrief Institute, Inc.); LightCycler® (Roche); kPCR PLX®, VERSANT® (Siemens); FAM™, JOE™, MicroAmp™, VIC™ (Thermo Fisher Scientific).

Los nombres registrados, las marcas comerciales, etc. usados en este documento, incluso si no están marcados específicamente como tales, no se deben considerar privados de protección legal.

El kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 es un kit de diagnóstico con marcado CE de conformidad con la directiva 98/79/CE de diagnóstico *in vitro*.

Producto no aprobado ni autorizado por la FDA.

No disponible en todos los países.

© 2022 altona Diagnostics GmbH; reservados todos los derechos.

15. Símbolos

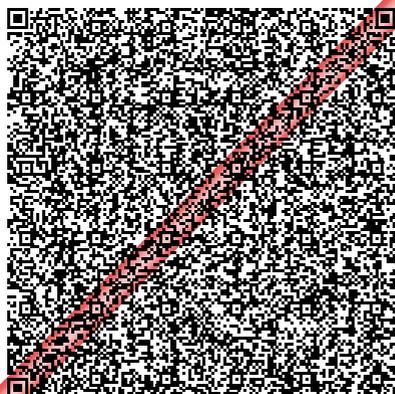
Símbolo	Explicación
	Dispositivo médico de diagnóstico <i>in vitro</i>
	Número mundial de artículo comercial
	Código de lote
	Contenido
	Color del tapón
	Número de catálogo
	Número
	Componente
	Consultar instrucciones de uso
	Contiene suficiente para «n» pruebas/ reacciones (rxns)
	Límite de temperatura
	Fecha de vencimiento
	Fabricante
	Precaución
	Número de material

Símbolo	Explicación
	Versión
	Nota
	Contiene material biológico de origen animal

16. Protocolo de ensayo para el AltoStar® Connect software e información para la integración de LIMS

El código de barras en 2D en la figura 18 se debe usar para instalar el último protocolo de ensayo para el uso del kit AltoStar® JCV PCR Kit 1.5 en el AltoStar® AM16. El código de barras solo se puede escanear en forma impresa. Puede escanear el código de barras directamente desde el manual o imprimirlo en una hoja independiente. Tenga en cuenta que el tamaño de la impresión afecta a la capacidad de escaneo del código de barras. Asegúrese de que el tamaño de la escala es del 100 %. Para escanear, dirija el escáner hacia la línea roja en el código de barras. Para obtener más información sobre la gestión de los protocolos de ensayo, consulte el capítulo respectivo en las instrucciones de uso del AltoStar® Connect software. Para obtener más información para la integración de LIMS, consulte la tabla 23.

AltoStar® JCV PCR Kit 1.5



1

Protocol Version:

Checksum: EAFD3099931CF03879E5AD1BBE1D7DDC32AE08A4

Figura 18: Código de barras para el protocolo de ensayo para el AltoStar® JCV PCR Kit 1.5

Tabla 22: Registro de cambios para el protocolo de ensayo

Versión del protocolo	Actualizaciones de versiones
1	Versión inicial

Tabla 23: Información para la integración de LIMS

Uso	Datos
Pedido de prueba (LIMS → AltoStar® AM16)	AltoStar JCV PCR Kit 1.5
Unidad del resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS)	IU/ml
Resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) canal 1	JCV
Resultado de la prueba (CFX96™ DW Dx → LIMS) canal 2	Internal Control

Para LOINC® (Logical Observation Identifiers Names and Codes), consulte el sitio web de altona Diagnostics GmbH (www.altona-diagnostics.com) o póngase en contacto con el soporte técnico de altona Diagnostics (consulte el capítulo 12. Soporte técnico).

17. Historial de revisiones

Tabla 24: Historial de revisiones

Identificador	Fecha de emisión [mes/año]	Modificaciones
MAN-AS0041540-ES-S02	03/2022	Eliminación de «sin licencia de Health Canada y» en la frase «Producto sin licencia de Health Canada y no aprobado ni autorizado por la FDA» en el capítulo 14.
MAN-AS0041540-ES-S03	04/2022	<ul style="list-style-type: none">• Capítulo 7.5: controles de procesos añadidos• Capítulo 9.1.7: optimización de la redacción• Cambios editoriales adicionales

página en blanco a propósito

página en blanco a propósito

página en blanco a propósito

always a drop ahead.

altona Diagnostics GmbH
Mörkenstr. 12
22767 Hamburg, Germany

phone +49 40 548 0676 0
fax +49 40 548 0676 10
e-mail info@altona-diagnostics.com

www.altona-diagnostics.com

